(19) 世界知的所有権機関 国際事務局



(43) 国際公開日 2001 年10 月4 日 (04.10.2001)

PCT

(10) 国際公開番号 WO 01/73022 A1

(51) 国際特許分類⁷: C12N 15/12, C12Q 1/68, C07K 14/47

(21) 国際出願番号: PCT/JP01/02623

(22) 国際出願日: 2001年3月29日(29.03.2001)

(25) 国際出願の言語: 日本語

(26) 国際公開の言語: 日本語

(30) 優先権データ: 特願2000-90137 2000年3月29日(29.03.2000) Ji

- (71) 出願人 (米国を除く全ての指定国について): 協和醱酵 工業株式会社 (KYOWA HAKKO KOGYO CO., LTD.) [JP/JP]; 〒100-8185 東京都千代田区大手町一丁目6番 1号 Tokyo (JP).
- (72) 発明者; および
- (75) 発明者/出願人 (米国についてのみ): 竹内京子 (TAKEUCHI, Kyoko) [JP/JP]. 関根 進 (SEKINE, Susumu) [JP/JP]. 桜田一洋 (SAKURADA, Kazuhiro)

[JP/JP]; 〒194-8533 東京都町田市旭町3丁目6番6号協和醱酵工業株式会社東京研究所内 Tokyo (JP). 菊池泰弘 (KIKUCHI, Yasuhiro) [JP/JP]; 〒100-8185 東京都千代田区大手町一丁目6番1号協和醱酵工業株式会社本社内 Tokyo (JP).

- (81) 指定国 (国内): AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK, DM, DZ, EE, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX, MZ, NO, NZ, PL, PT, RO, RU, SD, SE, SG, SI, SK, SL, TJ, TM, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VN, YU, ZA, ZW.
- (84) 指定国 (広域): ARIPO 特許 (GH, GM, KE, LS, MW, MZ, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZW), ユーラシア特許 (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), ヨーロッパ特許 (AT, BE, CH, CY, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE, TR), OAPI 特許 (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

添付公開書類:

— 国際調査報告書

/続葉有/

- (54) Title: PROLIFERATIVE GLOMERULAR NEPHRITIS-ASSOCIATED GENE
- (54) 発明の名称: 増殖性糸球体腎炎関連遺伝子
- (57) Abstract: A gene which is useful in searching for remedies repairing damaged tissues in kidney diseases; a polypeptide encoded by this gene; and an antibody recognizing this polypeptide. In a model animal of proliferative glomerular nephritis, a gene showing changes in the expression dose due to the progress of the disease and recovery is obtained and a polypeptide encoded by this gene DNA and an antibody recognizing this polypeptide are produced. These gene DNA, polypeptide and antibody are usable in searching for drugs for repairing damaged kidney tissues and drugs for diagnosing kidney disorders.
- (57) 要約:

腎臓疾患において障害を受けた組織を修復する治療薬の探索に有用な遺伝子、 該遺伝子にコードされるポリペプチド、および該ポリペプチドを認識する抗体を 提供する。

増殖性糸球体腎炎モデル動物における病態の進行と回復に応じて発現量が変化する遺伝子を取得し、該遺伝子DNAにコードされるポリペプチド、および該ポリペプチドを認識する抗体を製造する。これら遺伝子DNA、ポリペプチドおよび抗体は障害を受けた腎臓組織を修復するための薬剤並びに腎臓障害の診断のための薬剤の探索に利用することができる。



WO 01/73022 AJ



2文字コード及び他の略語については、定期発行される各PCTガゼットの巻頭に掲載されている「コードと略語のガイダンスノート」を参照。

1

明細書

增殖性糸球体腎炎関連遺伝子

技術分野

本発明は、増殖性糸球体腎炎の修復期に発現量が上昇するmRNAを基にして、サブトラクション法およびディファレンシャルハイブリダイゼーション法を用いて取得した該mRNAに相補するDNA(cDNA)および該cDNAがコードするポリペプチドに関する。また、該ポリペプチドに対する抗体、該ポリペプチドおよび該DNAの検出方法、ならびに該DNA、ポリペプチド、抗体などを含む腎疾患の診断薬および治療薬に関する。

背景技術

腎臓は予備機能が高く、残存機能が通常の半分になっても機能障害による症状が認められないことが多い。高度に分化した細胞群より成るネフロンの障害は不可逆的であり、糸球体硬化に始まる組織構造の崩壊は尿細管障害、間質の繊維化を伴い最終的には腎透析が必要な重度な腎不全状態に陥る。この過程は原疾患の種類に関係なく、ほぼ共通であると一般に考えられている。臨床では残存ネフロンへの負荷を軽減し、透析導入までの期間を延長させることを主目的として、ステロイド剤、経口吸収剤、降圧剤、ACE阻害剤などの投与、低タンパク食療法などが用いられている。しかし、腎不全の発症と進行のメカニズムには不明な点が多く、根本的な治療法は確立されていない。

小児や一部の動物モデルにおける増殖性糸球体腎炎においては、糸球体や尿細管に障害を受けた後に持続的な腎機能低下に向かわず自然治癒することが知られているが、この自然治癒の機構も不明である。この増殖性糸球体腎炎の病態進行あるいは自然治癒の機構を分子レベルで解析することは、腎疾患の診断や治療薬の開発に重要であると考えられる。このためには例えば、腎疾患の進行と回復に応じて発現量が変化するような遺伝子群を包括的に取得し、解析していくことが有効な手段である。実際の腎疾患患者組織を用いてこのような解析を行うことは、組織の入手や患者による症状の不均一性から困難である。増殖性糸球体腎炎の適切なモデル動物を使えば、包括的な遺伝子群の取得と分子レベルでの解析を比較的容易に行うことができると考えられる。このように取得された遺伝子の中に

WO 01/73022 PCT/JP01/02623

2

は、原理的に、病態の進行や回復のマーカーとなる因子、さらに回復を積極的に 促進する因子が含まれると考えられる。

腎炎のモデル動物としてラットを中心にいくつかの実験モデルが知られている。その中でメサンギウム細胞の膜蛋白として存在するThy-1. 1抗原に対する抗体(抗Thy-1抗体)をラットに静脈内投与して得られるラットのThy-1腎炎モデル(Laboratory Investigation, 55, 680(1986)〕(以下、この腎炎モデルラットをThy-1腎炎ラットと呼ぶ)は、病態の進行と病理所見の解析がかなりなされている。Thy-1腎炎ラットでは、メサンギウム融解に次いで、間質への炎症性細胞浸潤を伴う尿細管障害が認められ、続いてメサンギウム細胞の増殖と細胞外基質の産生がおこる。その後、障害を受けた組織の再構成が起こり、2週間あまりで自然治癒することが知られており、Thy-1腎炎ラットは、増殖性糸球体腎炎の症状の進行と自然治癒のモデルとして適していると考えられる。

Thy-1腎炎ラットの腎臓の状態の分子レベルでの解析、たとえば腎臓の状態で発現量が変化している遺伝子については、今までにもいくつかの報告がなされている。例えばメサンギウム細胞の増殖に関与すると考えられるTGF $-\beta$ [J. Clin. Invest., 86 453 (1990)]、ヘパリン結合性EGF様増殖因子 [Experimental Nephrology, 4, 271 (1996)]、PDGF [Proc. Natl. Acad. Sci. US A, 88, 6560 (1991)]、FGF [J. Clin. Invest., 90, 2362 (1992)] などの増殖因子あるいはタイプ I Vコラーゲン [Kidney International, 86, 453 (1990)]、ラミニン [Kidney International, 86, 453 (1990)]、テネイシン [Experimental Nephrology, 5, 423 (1997)]、プロフィリン、CD44 [J. American Society of Nephrology, 7, 1006 (1996)] などの細胞外マトリックスに関連するポリペプチドなどの遺伝子についての報告である。

糸球体腎炎における $TGF-\beta$ 、PDGF等の増殖因子は、実験動物と同様、ループス腎炎やIgA腎症などヒトの糸球体腎炎でも高度の発現が認められることから、メサンギウム細胞等の増殖反応、細胞外マトリックス産生刺激等を介した腎不全進行のメディエーターとして機能していると考えられる〔Pediatric Nephrology, 9, 495(1995)〕。PDGF中和抗体〔J. Exp. Med., 175, 1413(1992)〕や $TGF-\beta$ の阻害因子デコリンの投与〔Nat. Med., 2, 418(1996)〕はThy-1腎炎ラットで有効であることが報告されているが、これらの因子の効果

は臨床レベルでは確認されていない。

腎臓の発生に関与する因子を腎保護薬として開発することが米国 Creative BioMolecules 社により検討され、OP-1 (BMP7) ポリペプチドが提供された。これは当初異所性の骨形成を誘導する因子として発見された、 $TGF-\beta$ スーパーファミリー内のBMPサブファミリーに属する因子である (EMBO J., 9, 2085 (1990)]。これは胎児期の腎発生時に尿管芽周囲の間葉系細胞に発現しており、上皮ー間葉の相互作用に重要な因子である。また、これは最近、間葉細胞におけるアポトーシスを抑制することにより造腎組織の増殖と分化を可能にしていることが報告されている [Genes & Dev., 13, 1601 (1999)]。

Creative BioMolecules 社の組換えOP-1蛋白を慢性腎不全のモデル動物に 投与した実験結果が、米国腎臓学会年次総会で報告された〔日経バイオテク, 11月10日(1999)〕。

米国 Washington 大学医学部が行ったこの前臨床試験には、片側輸尿管閉塞を 起こさせた慢性腎不全モデルラットが用いられた。このモデルは慢性腎不全患者 に見られる瘢痕化に非常によく似た、進行性の繊維形成と腎臓のダメージが起こ る。試験の結果は、OP-1が、腎臓における瘢痕組織の形成を抑制し、尿細管 の損傷を減らすことを示した。さらに、OP-1投与群では、正常な腎臓の濾過 機能の約30%、正常時の腎臓の血流量の65%が保たれており、OP-1には 腎機能保護効果もあることが示された。偽薬、ACE阻害剤投与群においては、 濾過機能及び血流の測定は不可能だった。尿細管間質病変は、糸球体病変よりも 、より腎機能の低下と相関するとともに、疾患の予後を予知できる代表的組織病 変であるが、〇P-1投与群のみに尿細管構造の保存が見られた。現在のところ 腎臓における組織保護のメカニズムは明らかになっていないが、以上の結果は、 成体の腎臓内にも、発生期の間葉系細胞の様にOP-1のターゲットとなる細胞 群が存在することを示唆している。しかし、OP-1は腎臓以外にも様々な作用 部位が存在し、とくに軟骨形成活性はOP-1の重篤な副作用の一つとされ、臨 床応用を困難としている。従って、腎臓で特異的に発現し、〇P-1の誘導ある いは、OP-1の下流において腎臓の再生機能を司る因子を見出すことが求めら れている

間葉系組織でOP-1のようなBMPや $TGF-\beta$ ファミリーに属する因子により誘導され、細胞の分化、遊走に関係する分子としてオートタキシン(autota

xin) が知られている。オートタキシンは癌細胞遊走活性を持つサイトカインとしてヒト・メラノーマ細胞株の培養上清から単離されクローン化された〔J. Bio l. Chem., 267, 683 (1996)〕。

その後オートタキシンは発生期においては骨細胞および軟骨細胞への分化途中の間葉系細胞に発現しており [Mechanisms of Dev., 84, 121 (1999)]、また、骨および軟骨の前駆細胞をBMP 2で刺激することにより発現が上昇することが示された [Dev. Dynam., 213, 398 (1998)]。オートタキシンは、構造上の相同性からPC-1ファミリーと分類される。PC-1ファミリーはPC-1、PD-1 α (autotaxin)、PD-1 β (B10)の3種のII型膜タンパク質からなり、いずれも細胞外にフォスフォジエステラーゼ I; EC 3.1.4.1/ヌクレオチド ピロフォスファターゼ; EC 3.6.1.9活性を持ち、また自己リン酸化能も有する。これらのことから、PC-1ファミリーはBMPファミリーに属する因子の刺激により発現し、細胞遊走、分化あるいは細胞間相互作用に重要な役割を果たしていることが示唆されている。

発明の開示

本発明の目的は、増殖性糸球体腎炎動物における病態の回復に応じて発現量が変化する遺伝子(増殖性糸球体腎炎関連遺伝子)を取得し、腎臓疾患において障害を受けた組織を修復するような治療薬の探索に有用なポリペプチド、該ポリペプチドをコードするDNAおよび該ポリペプチドを認識する抗体、並びにこれらの利用法を提供することにある。

【課題を解決する方法】

本発明者らは上記課題を解決すべく鋭意検討し、本発明を完成するに至った。 すなわち、本発明は以下の $(1) \sim (50)$ を提供するものである。

- (1) 配列番号2、4および6に表されるアミノ酸配列からなる群より選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチドをコードするDNA。
- (2) 配列番号1、3および5に表される塩基配列からなる群より選ばれる塩基配列を有するDNA。
- (3) 配列番号1、3および5に表される塩基配列からなる群より選ばれる塩基配列を有するDNAとストリンジェントな条件下でハイブリダイズし、かつ増殖性糸球体腎炎が発症した組織で発現量が増加する遺伝子を検出できるDNA。

WO 01/73022 PCT/JP01/02623

- (4) 配列番号 1、3 および 5 に表わされる塩基配列からなる群より選ばれる塩基配列中の連続した $5\sim6$ 0 塩基と同じ配列を有する DNA。
- (5) 配列番号1、3および5に表わされる塩基配列からなる群より選ばれる塩基配列を有するDNAと相補的な配列を有するDNA。
- (6) 上記(1)~(5)いずれか1つのDNAを用いて増殖性糸球体腎 炎が発症した組織で発現量が増加する遺伝子のmRNAを検出する方法。
- (7) 上記(1)~(5) いずれか1つのDNAを含有する、腎疾患の診 断薬。
- (8) 上記(1)~(5) いずれか1つのDNAを用いて腎疾患の原因遺伝子を検出する方法。
- (9) 上記(1)~(5)いずれか1つのDNAを用いて増殖性糸球体腎 炎が発症した組織で発現量が増加する遺伝子の転写もしくは翻訳を抑制または促 進する物質をスクリーニングする方法。
- (10) 上記(1) \sim (5) いずれか 1 つのDNAを用いて腎疾患の治療薬をスクリーニングする方法。
- (11) 上記(1)~(5) いずれか1つのDNAを含有する、腎疾患の 治療薬。
 - (12) 上記(1)~(5)いずれか1つのDNAを含む組換えベクター
- (13) 上記(1)~(5)いずれか1つのDNAのセンス鎖と相同な配列からなるRNAを含む組換えベクター。
- (14) 組換えベクターがウイルスベクターである、上記(12)または(13)のベクター。
- (15) 上記(12)~(14)いずれか1項に記載の組換えベクターを含有する、腎疾患の治療薬。
- (16)配列番号7、9、11、13、15、17、18、19、20、2

 1、22、23、24、25、26、27、28、29、30、31、32、3

 3、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、4

 5、46、47、48、49、50、51、52、53、54、55、56、5
- 7, 58, 59, 60, 61, 62, 63, 64, 65, 66, 67, 68, 6
- 9, 70, 71, 72, 73, 74, 75, 76, 77, 78, 79, 80, 8

6

WO 01/73022 PCT/JP01/02623

1、82、83、84、85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、95、96、97、98、99、100、101、102、103、104、105、106、107、108、109、110、111、112、113、114、115、116、117、118、119、120、121、122、123、124、125、126、127、128、129、130、131、132、133、134、135、136、137、138、139、140、141、142、157および159に表される塩基配列からなる群より選ばれる塩基配列を有するDNAを用いて、増殖性糸球体腎炎が発症した組織で発現量が増加する遺伝子のmRNAを検出する方法。

(17) 配列番号7、9、11、13、15、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、30、31、32、33、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、45、46、47、48、49、50、51、52、53、54、55、56、57、58、59、60、61、62、63、64、65、66、67、68、69、70、71、72、73、74、75、76、77、78、79、80、81、82、83、84、85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、95、96、97、98、99、100、101、102、103、104、105、106、107、108、109、110、111、112、112、113、114、115、116、117、118、119、120、121、122、123、124、125、126、127、128、129、130、131、132、133、134、135、136、137、138、139、140、141、142、157および159に表される塩基配列からなる群より選ばれる塩基配列を有するDNAを含有する、腎疾患の診断薬。

(18) 配列番号7、9、11、13、15、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、30、31、32、33、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、45、46、47、48、49、50、51、52、53、54、55、56、57、58、59、60、61、62、63、64、65、66、67、68、69、70、71、72、73、74、75、76、77、78、79、80、81、82、83、84、85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、95、96、97、98、99、100、101、102、103

WO 01/73022 PCT/JP01/02623

、104、105、106、107、108、109、110、111、112、113、114、115、116、117、118、119、120、121、122、123、124、125、126、127、128、129、130、131、132、133、134、135、136、137、138、139、140、141、142、157および159に表される塩基配列からなる群

7

、140、141、142、157および159に表される塩基配列からなる群より選ばれる塩基配列を有するDNAを用いて腎疾患の原因遺伝子を検出する方法。

(19)配列番号7、9、11、13、15、17、18、19、20、 21, 22, 23, 24, 25, 26, 27, 28, 29, 30, 31, 32, 33, 34, 35, 36, 37, 38, 39, 40, 41, 42, 43, 44, 45, 46, 47, 48, 49, 50, 51, 52, 53, 54, 55, 56, 57, 58, 59, 60, 61, 62, 63, 64, 65, 66, 67, 68, 69, 70, 71, 72, 73, 74, 75, 76, 77, 78, 79, 80, 81, 82, 83, 84, 85, 86, 87, 88, 89, 90, 91, 92, 93, 94, 95, 96, 97, 98, 99, 100, 101, 102, 103 . 104, 105, 106, 107, 108, 109, 110, 111, 112 , 113, 114, 115, 116, 117, 118, 119, 120, 121 , 122, 123, 124, 125, 126, 127, 128, 129, 130 . 131, 132, 133, 134, 135, 136, 137, 138, 139 、140、141、142、157および159に表される塩基配列からなる群 より選ばれる塩基配列を有するDNAを用いて、増殖性糸球体腎炎が発症した組 織で発現量が増加する遺伝子の転写もしくは翻訳を抑制または促進する物質をス クリーニングする方法。

 (20)
 配列番号7、9、11、13、15、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、30、31、32、33、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、45、46、47、48、49、50、51、52、53、54、55、56、57、58、59、60、61、62、63、64、65、66、67、68、69、70、71、72、73、74、75、76、77、78、79、80、81、82、83、84、85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、95、96、97、98、99、100、101、102、103

WO 01/73022

、104、105、106、107、108、109、110、111、112、113、114、115、116、117、118、119、120、121、122、123、124、125、126、127、128、129、130、131、132、133、134、135、136、137、138、139、140、141、142、157および159に表される塩基配列からなる群より選ばれる塩基配列を有するDNAを用いて、腎疾患の治療薬をスクリーニングする方法。

8

PCT/JP01/02623

- (21) 配列番号7、9、11、13、15、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、30、31、32、33、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、45、46、47、48、49、50、51、52、53、54、55、56、57、58、59、60、61、62、63、64、65、66、67、68、69、70、71、72、73、74、75、76、77、78、79、80、81、82、83、84、85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、95、96、97、98、99、100、101、102、103、104、105、106、107、108、109、110、111、112、112、113、114、115、116、117、118、119、120、121、122、123、123、124、125、126、127、128、129、130、131、132、133、134、135、136、137、138、139、140、141、142、157および159に表される塩基配列からなる群より選ばれる塩基配列を有するDNAを含有する、腎疾患の治療薬。
- (22)
 配列番号7、9、11、13、15、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、30、31、32、33、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、45、46、47、48、49、50、51、52、53、54、55、56、57、58、59、60、61、62、63、64、65、66、67、68、69、70、71、72、73、74、75、76、77、78、79、80、81、82、83、84、85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、95、96、97、98、99、100、101、102、103、104、105、106、107、108、109、110、111、112、113、114、115、116、117、118、119、120、121

- 、122、123、124、125、126、127、128、129、130、131、132、133、134、135、136、137、138、139、140、141、142、157および159に表される塩基配列からなる群より選ばれる塩基配列を有するDNAを含む組換えベクター。
- (23)配列番号7、9、11、13、15、17、18、19、20、 21, 22, 23, 24, 25, 26, 27, 28, 29, 30, 31, 32, 33, 34, 35, 36, 37, 38, 39, 40, 41, 42, 43, 44, 45, 46, 47, 48, 49, 50, 51, 52, 53, 54, 55, 56, 57, 58, 59, 60, 61, 62, 63, 64, 65, 66, 67, 68, 69, 70, 71, 72, 73, 74, 75, 76, 77, 78, 79, 80, 81, 82, 83, 84, 85, 86, 87, 88, 89, 90, 91, 92, 93, 94, 95, 96, 97, 98, 99, 100, 101, 102, 103 , 104, 105, 106, 107, 108, 109, 110, 111, 112 , 113, 114, 115, 116, 117, 118, 119, 120, 121 , 122, 123, 124, 125, 126, 127, 128, 129, 130 131, 132, 133, 134, 135, 136, 137, 138, 139 、140、141、142、157および159に表される塩基配列からなる群 より選ばれる塩基配列を有するDNAのセンス鎖と相同な配列からなるRNAを 含む組換えベクター。
 - (24) 組換えベクターがウイルスベクターである、上記(22)または(23)のベクター。
 - (25) 上記(22)~(24) いずれか1つの組換えベクターを含有する、腎疾患の治療薬。
 - (26) 上記(1) または(2) のDNAによりコードされるポリペプチド。
 - (27) 配列番号2、4および6に表されるアミノ酸配列からなる群より 選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチド。
 - (28) 上記(26) または(27) のポリペプチドの有するアミノ酸配列において1以上のアミノ酸が欠失、置換または付加したアミノ酸配列からなり、かつ障害を受けた腎臓の修復に関与する活性を有するポリペプチド。
 - (29) 上記 (26) ~ (28) いずれか1つのポリペプチドをコードす

WO 01/73022 PCT/JP01/02623

るDNAをベクターに組み込んで得られる組換え体DNA。

- (30) 上記(29)の組換え体DNAを宿主細胞に導入して得られる形質転換体。
- (31) 上記(30)の形質転換体を培地に培養し、培養物中に上記(26)~(28)いずれか1つのポリペプチドを生成蓄積させ、該培養物から該ポリペプチドを採取することを特徴とするポリペプチドの製造方法。
- (32) 上記(30)の形質転換体を培地に培養し、得られる培養物を用いて腎疾患の治療薬をスクリーニングする方法。
- (33) 上記(26)~(28)いずれか1つのポリペプチドを用いて、 腎疾患の治療薬をスクリーニングする方法。
- (34) 上記(26)~(28)いずれか1つのポリペプチドを含有する、腎疾患の治療薬。
- (35) 上記(26) \sim (28) いずれか1つのポリペプチドを認識する 抗体。
- (36) 上記(35)の抗体を用いる、上記(26)~(28)いずれか 1つのポリペプチドの免疫学的検出方法。
- (37) 上記(35)の抗体を用いて、腎疾患の治療薬をスクリーニングする方法。
- (38) 上記(35)の抗体を用いて、増殖性糸球体腎炎を発症した組織で発現量が増加する遺伝子の転写もしくは翻訳を抑制または促進する物質をスクリーニングする方法。
 - (39) 上記(35)の抗体を含有する、腎疾患の診断薬。
 - (40) 上記(35)の抗体を含有する、腎疾患の治療薬。
- (41) 上記(35)の抗体と放射性同位元素、ポリペプチドおよび低分子化合物から選ばれる薬剤とを結合させた融合抗体を腎臓障害部位へ誘導するドラッグデリバリー法。
- (42) 配列番号8、10、12、14、16、158および160に表されるアミノ酸配列からなる群より選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチドをコードするDNAをベクターに組み込んで得られる組換え体DNA。
- (43) 上記(42)の組換え体DNAを宿主細胞に導入して得られる形質転換体を培地に培養し、得られる培養物を用いて腎疾患の治療薬をスクリーニ

ングする方法。

- (44) 配列番号8、10、12、14、16、158および160に表されるアミノ酸配列からなる群より選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチドを用いて、腎疾患の治療薬をスクリーニングする方法。
- (45) 配列番号8、10、12、14、16、158および160に表されるアミノ酸配列からなる群より選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチドを含有する、腎疾患の治療薬。
- (46) 配列番号8、10、12、14、16、158および160に表 されるアミノ酸配列からなる群より選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチド を認識する抗体を用いて、腎疾患の治療薬をスクリーニングする方法。
- (47) 配列番号8、10、12、14、16、158および160に表されるアミノ酸配列からなる群より選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチドを認識する抗体を用いて、増殖性糸球体腎炎を発症発した組織で発現量が増加する遺伝子の転写もしくは翻訳を抑制または促進する物質をスクリーニングする方法。
- (48) 配列番号8、10、12、14、16、158および160に表されるアミノ酸配列からなる群より選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチドを認識する抗体を含有する、腎疾患の診断薬。
- (49) 配列番号8、10、12、14、16、158および160に表されるアミノ酸配列からなる群より選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチドを認識する抗体を含有する、腎疾患の治療薬。
- (50) 配列番号8、10、12、14、16、158および160に表されるアミノ酸配列からなる群より選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチドを認識する抗体と放射性同位元素、ポリペプチドおよび低分子化合物から選ばれる薬剤とを結合させた融合抗体を腎臓障害部位へ誘導するドラッグデリバリー法

本発明のDNAは増殖性糸球体腎炎を発症した組織で発現量が増加する遺伝子DNAであり、例えば、配列番号2、4および6に表されるアミノ酸配列からなる群より選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチドをコードするDNA、配列番号1、3または5に表される塩基配列からなる群より選ばれる塩基配列を有するDNA、および該DNAとストリンジェントな条件下でハイブリダイズし、増

殖性糸球体腎炎を発症した組織で発現量が変化する遺伝子を検出できるDNAをあげることができる。

上記の配列番号1、3または5に表される塩基配列から選ばれる塩基配列とス トリンジェントな条件下でハイブリダイズ可能なDNAとは、配列番号1、3ま たは5に表される塩基配列を有するDNAをプローブとして、コロニー・ハイブ リダイゼーション法、プラーク・ハイブリダイゼーション法あるいはサザンブロ ットハイブリダイゼーション法等を用いることにより得られるDNAを意味し、 具体的には、コロニーあるいはプラーク由来のDNAを固定化したフィルターを 用いて、 $0.7 \sim 1.0 \text{ mol/l}$ の塩化ナトリウム存在下、 $65 \sim \text{COMMOR}$ でハイブリダイ ゼーションを行った後、0.1~2倍濃度のSSC溶液(1倍濃度のSSC溶液 の組成は、150 mmol/l 塩化ナトリウム、15 mmol/l クエン酸ナトリウムより なる)を用い、65℃条件下でフィルターを洗浄することにより同定できるDN Aをあげることができる。ハイブリダイゼーションは、Molecular Cloning, AL aboratory Manual, Second Edition, Cold Spring Harbor Laboratory Press (1 989) (以下、モレキュラー・クローニング第2版と略す)、Current Protocols in Molecular Biology, John Wiley & Sons (1987-1997) (以下、カレント・プ ロトコールズ・イン・モレキュラー・バイオロジーと略す)、DNA Cloning 1: C ore Techniques, A Practical Approach, Second Edition, Oxford University (1995)等に記載されている方法に準じて行うことができる。ハイブリダイズ可能 なDNAとして具体的には、BLAST [J. Mol. Biol., 215, 403 (1990)] や FASTA (Methods in Enzymology, 183, 63-98 (1990)) 等を用いて計算した ときに、配列番号1、3または5に表される塩基配列と少なくとも60%以上の 相同性を有するDNA、好ましくは80%以上の相同性を有するDNA、さらに 好ましくは95%以上の相同性を有するDNAをあげることができる。

さらに、本発明のDNAとして、上記した本発明のDNAの一部の配列を有するオリゴヌクレオチドおよびアンチセンス・オリゴヌクレオチドも含まれる。該オリゴヌクレオチドとして、例えば、配列番号1、3または5に表される塩基配列から選ばれる塩基配列中の連続した5~60残基、好ましくは10~40残基の塩基配列と同じ配列を有するオリゴヌクレオチドをあげることができ、アンチセンス・オリゴヌクレオチドとして、例えば、該オリゴヌクレオチドのアンチセンス・オリゴヌクレオチドをあげることができる。

本発明のポリペプチドとしては、障害を受けた腎臓の修復に関連する活性(腎臓修復活性)を有するポリペプチド(腎臓修復因子)をあげることができ、具体的には、配列番号2、4および6に表されるアミノ酸配列から選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチド、または該ポリペプチドの有するアミノ酸配列において1以上のアミノ酸が欠失、置換または付加したアミノ酸配列からなり、かつ腎臓修復活性を有するポリペプチドをあげることができる。

配列番号 2、4 および 6 に表されるアミノ酸配列において 1 以上のアミノ酸が欠失、置換または付加されたアミノ酸配列からなり、かつ該蛋白質の有する増殖因子としての活性を有する蛋白質は、モレキュラー・クローニング第 2 版、カレント・プロトコールズ・イン・モレキュラー・バイオロジーと略す)、Nucleic Acids Research, 10, 6487 (1982)、Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 79, 6409 (1982)、Gene, 34, 315 (1985)、Nucleic Acids Research, 13, 4431 (1985)、Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 82, 488 (1985)等に記載の部位特異的変異導入法を用いて、例えば配列番号 2、4 および 6 に表されるアミノ酸配列を有するポリペプチドをコードする DNAに部位特異的変異を導入することにより、取得することができる。

欠失、置換もしくは付加されるアミノ酸の数は特に限定されないが、上記の部位特異的変異法等の周知の方法により欠失、置換もしくは付加できる程度の数であり、1個から数十個、好ましくは $1\sim2$ 0個、より好ましくは $1\sim1$ 0個、さらに好ましくは $1\sim5$ 個である。

また、本発明のポリペプチドが障害を受けた腎臓の修復に関連する活性を有するためには、配列番号2、4および6記載のアミノ酸配列と、BLASTやFASTA等を用いて計算したときに、少なくとも60%以上、通常は80%以上、特に95%以上の相同性を有していることが好ましい。

以下、本発明を詳細に説明する

1 増殖性糸球体腎炎関連遺伝子の調製

① Thy-1腎炎ラットの作製

メサンギウム増殖性糸球体腎炎のモデルであるThy-1腎炎ラットは文献〔Laboratory Investigation, $\underline{55}$, 680 (1986)〕に準じて以下のようにして作製する。ラットのメサンギウム細胞の膜タンパク質として存在する抗Thy-1. 1 抗体を 1 mg/kgの用量でWistarラットなどの実験用ラットに静脈内

投与することにより、メサンギウム融解病変が出現し、メサンギウム基質の増生やメサンギウム細胞増殖が誘導され、Thy-1腎炎ラットを作製できる。メサンギウム融解は尿中のタンパク質やアルブミンにより検出することができる。

② Thy-1 腎炎ラット腎臓差分化 c DNA ライブラリーの調製とディファレンシャルハイブリダイゼーションによるライブラリーからの c DNAの選択

増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAとして、正常ラット腎臓と比較してThy -1腎炎ラット腎臓で発現量が上昇する遺伝子のcDNAを以下のようにして調製する。まず正常ラット腎臓mRNAを用いて差分化を行ったThy-1腎炎ラット腎臓cDNAライブラリーを作製して腎炎関連遺伝子cDNAクローンを濃縮する。得られた差分化cDNAライブラリー中のcDNAクローンについて、さらにThy-1腎炎ラット腎臓RNAをそれぞれプローブとしたディファレンシャルハイブリダイゼーションを行ってThy-1腎炎ラット腎臓で発現量が上昇しているcDNAクローンを選択することによって該cDNAを得ることができる。

②-1 Thy-1腎炎ラット腎臓差分化cDNAライブラリーの作製

差分化とは、ある条件の組織や細胞から抽出したmRNAから1本鎖cDNAを作製して対照ラットの細胞のmRNAとハイブリダイズさせ、mRNAとハイブリダイズしたcDNAだけを除くことによって、対照ラットと比較して発現量の多い遺伝子のcDNAを選択する方法である。

差分化cDNAライブラリーの作製法にはいくつかの方法があるが、本発明では、まず通常の方法でThy-1腎炎ラット腎臓cDNAライブラリーを作製し、ヘルパーファージを用いて1本鎖DNAに転換した後、差分化を行う方法〔Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 88, 825 (1991)〕をとる。差分化は、該cDNAとビオチン化した正常ラット腎臓mRNAとをハイブリダイズさせ、ハイブリダイズしたビオチン化mRNA-cDNA複合体にさらにストレプトアビジンを結合させた後、フェノール抽出により分離する方法を用いる。

②-1-A Thy-1腎炎ラット腎臓cDNAライブラリーの作製

Thy-1腎炎ラットの腎炎症状は、静脈注射後の日数によって異なり、腎炎症状の悪化から自然治癒の段階により発現する遺伝子が異なっていることが考えられるので、注射後2、4、6、8、10日目のラットからそれぞれ腎臓を摘出し、それぞれから個別にRNAを抽出する。RNAの抽出はチオシアン酸ゲアニ

ジンートリフルオロ酢酸セシウム法 [Methods in Enzymol., 154, 3 (1987)] や酸性チオシアン酸グアニジンーフェノールークロロホルム法 [Analytical Bioch emistry, 162, 156 (1987)] 、あるいはファスト・トラックmRNA単離キット [Fast Track mRNA Isolation Kit; インビトロジェン (Invitrogen) 社製〕等 のキットを用いる方法で行うことができる。mRNAは一般に 3 、末端にポリA が付加しているので、オリゴ d Tセファロースを用いる方法(モレキュラー・クローニング第 2 版)により、RNAからmRNAを精製することができる。

mRNAからcDNAライブラリーの作製は、ストラタジーン社のZAP-cDNA作製キットのマニュアルに記載の方法を参考にして、オリゴdTプライマーと逆転写酵素を利用して二本鎖cDNAを作製してクローニングベクターに挿入することによって作製できる。

クローニングベクターは、大腸菌 <u>Bscherichia coli</u>中で高いコピー数で複製可能で、アンピシリン耐性遺伝子やカナマイシン耐性遺伝子等の形質転換用のマーカー遺伝子を持ち、cDNAを挿入できるマルチクローニングサイトを持つという一般的なクローニングベクターとしての性質を持つ他、一本鎖DNAへの変換が簡単にできる必要がある。従ってクローニングベクターとしてはM13ファージの複製シグナルIG (intergenic space)を含みヘルパーファージの感染により一本鎖DNAファージに変換可能なプラスミドであるファージミドベクター例えばpBluescriptSK(-)、pBluescriptII KS(+)、pBS(-)、pBC(+) [以上いずれもストラタジーン(Stratagene)社製]、pUC118 (宝酒造社製)等、あるいはヘルパーファージを利用したイン・ビボ・エクシジョン(in vivo excision)により、ファージミドに変換が可能な入ファージベクター例えば入 ZAPII、ZAPExpress(両者ともストラタジーン社製)等を用いる。イン・ビボ・エクシジョン、一本鎖DNAファージへの変換方法、および培養上清中のファージからの一本鎖DNAの精製方法はそれぞれの市販のベクターに添付するマニュアルに従って行うことができる。

c DNAを組み込んだベクターを導入する大腸菌としては、導入した遺伝子を発現できるものであればいずれも用いることができる。具体的には、<u>Escherichia coli</u> XL1-Blue MRF' [Stratagene 社製、Strategies, <u>5</u>, 81 (1992)]、 <u>Escherichia coli</u> C600 [Genetics, <u>39</u>, 440 (1954)] 、<u>Escherichia coli</u> Y1088 [Science, <u>222</u>, 778 (1983)] 、 <u>Escherichia coli</u> Y1090 [Science, <u>222</u>, 77

8 (1983)] 、 <u>Escherichia coli NM522</u> 〔J. Mol. Biol., <u>166</u>, 1 (1983)] 、 <u>Escherichia coli K802</u> 〔J. Mol. Biol., <u>16</u>, 118 (1966)] 、 <u>Escherichia col</u> i JM105 〔Gene, 38, 275 (1985)〕等を用いることができる。

差分化には c D N A と正常ラットのm R N A とのハイブリダイゼーションを用 いることと、ファージミドからできる一本鎖DNAは、ファージミドの種類によ り二本鎖のうちのどちらの鎖ができるか決まっていることから、cDNAライブ ラリー作製に際しては、どの c DNAクローンからも一本鎖DNAとしてアンチ センス鎖(実際のmRNAとは相補的な塩基配列をもつ鎖)ができるようにcD NAの作製とベクターへの挿入方向を工夫する。例えば、ストラタジーン社の2 APcDNA合成キットのマニュアルに記載のように、逆転写酵素によるcDN A合成を5′端にXholサイトをもつオリゴdTプライマーと基質として5-メチルdCTP(合成後のcDNAの内部でXhoI切断できないようになる。)をdCTPの代わりに含むdNTPを用いて行い、合成されたcDNAの両端 にEcoRIアダプターを付加した後にXhoIで切断してベクターλ ZAPIIの EcoRI/XhoIサイト間に挿入すれば、常にEcoRIサイト側がcDN Aの5'側でXhoIサイト側がcDNAの3'側になり、ベクターへの挿入方 向が一定になる。このcDNAライブラリーをイン・ビボ・エクシジョンにより ファージミドベクターpBluescript SK(-)をベクターとしたcDNAライブラリ ーに変換した後、ヘルパーファージを感染させると、cDNA部分がアンチセン ス鎖になっている1本鎖DNAができることになる。

②-1-B 対照群ラット腎臓mRNAを用いた差分化

②-1—Aで調製したファージミドベクターの c DNAライブラリーについて、ヘルパーファージを感染させることにより、培養液中に一本鎖DNAファージを放出させ、この培養液から一本鎖DNAとなった c DNAを精製回収する。 λ ファージベクターの場合はイン・ビボ・エクシジョンを行ってベクターをファージミドに変換した後に同様の操作を行う(モレキュラー・クローニング第 2 版)

差分化の具体的操作、試薬の組成や反応条件は Genes to Cells, $\underline{3}$, 459 (199 8) に記載された方法で行うことができる。②-1-Aで調製した対照群ラット腎臓mRNAを、フォトプローブビオチン〔ベクター・ラボラトリーズ(Vector Laboratories)社製〕等を用いてビオチン化を行った後、上記の一本鎖Thy-

1腎炎ラット腎臓 c DNAとハイブリダイズさせる。ハイブリダイズ後の溶液にビオチンと強固に結合するストレプトアビジンを反応させることにより、ビオチン化mRNAとハイブリダイズした c DNAにさらにストレプトアビジンを結合させ疎水性を上昇させた後、フェノールを加えて抽出操作を行う。ハイブリダイズしなかった c DNAを水層から分取することができる。なおフェノール層にはビオチン化mRNAとハイブリダイズした c DNAが抽出される。

②-1-C 逆差分化

②-1一Bの差分化の操作ではThy-1腎炎ラット腎臓で特異的に発現量が多い遺伝子のcDNAだけでなく、Thy-1腎炎ラットと対照ラットの両者の腎臓で発現量が非常に低くクローン数も少ないcDNA、cDNAが挿入されなかったベクターのみのクローンも濃縮される傾向にあるが、そのようなcDNAはこの発明の目的に合わない。したがってThy-1腎炎ラット腎臓である程度のクローン数のあるcDNAを選択するため、差分化の後のcDNAとビオチン化したThy-1腎炎ラット腎臓mRNAを差分化と同様のハイブリダイズと分離操作を行い、通常の差分化とは逆にビオチン化mRNAとハイブリダイズを形成したcDNAをハイブリダイズしなかったcDNAから分離してフェノール層として分取する。分取後のハイブリダイズしたビオチン化mRNAーcDNAを95℃で加熱した後、急冷することによりcDNAとビオチン化mRNAに解離させた後、水を加えて抽出を行うことによりmRNAとハイブリダイズしたcDNAを水層に分離することができる。

②-1-D 差分化後のcDNAライブラリー化

②-1-Bおよび②-1-Cの差分化および逆差分化操作後のcDNAについて、ベクター部分の塩基配列と相補的な塩基配列をもつ適当なプライマーおよびBcaBEST(宝酒造社製)、Klenow断片等のDNAポリメラーゼを利用して二本鎖にした後、大腸菌に導入することにより、再度cDNAライブラリーとすることができる。大腸菌への導入方法は形質転換効率が高いエレクトロポレーション法が好ましい。

②-2 ディファレンシャルハイブリダイゼーション

②-1で作製した差分化cDNAライブラリー中には、Thy-1腎炎ラット 腎臓で発現量が増加する増殖性糸球体腎炎関連遺伝子のcDNAが濃縮されているが、このライブラリーの中の全てのcDNAクローンが増殖性糸球体腎炎関連 遺伝子であるとは限らない。これらの中から増殖性糸球体腎炎関連遺伝子のcDNAを選択するには、それぞれのcDNAクローンをプローブにしたノーザン・ハイブリダイゼーション(モレキュラー・クローニング第2版)やcDNAクローンの塩基配列に基づいたプライマーを用いたRT-PCR〔PCR Protocols、A cademic Press(1990)〕により正常ラット腎臓とThy-1腎炎ラット腎臓でのそれぞれのmRNAレベルを比較することにより、実際にThy-1腎炎ラット腎臓で発現量が増加する腎炎関連遺伝子のcDNAを選択することができる。また以下に示すディファレンシャルハイブリダイゼーションを行うことにより、発現量の増加しているcDNAクローンを包括的かつ効率的に選択することができる。。

まず②-1の方法で得られた差分化 c DNAライブラリーを、個々のコロニー が分離できる程度の濃度に希釈して寒天培地上で培養し、分離したコロニーを個 別に同一条件で液体培地中で培養する。この培養液を同一量ずつ、2枚のナイロ ンメンブレンに植菌し、メンブレンを寒天培地上にのせて同一条件で培養するこ とにより2枚のメンブレン上にほぼ同じ量のコロニーを生育させる。したがって ほぼ同一量のコロニー中のDNAがナイロンメンブレンにブロットされるので、 モレキュラー・クローニング第2版に記載の方法でDNAの変性と中和を行った 後、紫外線照射によりメンブレンに固定する。上記の操作では、寒天培地上の個 々の分離したコロニーを96穴プレートに分離して培養し、Hydra96(Ro bbins Scientific 社製)等の96穴プレートに対応した自動微量分注装置を使 用してナイロンメンブレン上に植菌することが、多数のコロニーについて同じ量 のDNAがブロットされた2枚の同一のメンブレンを容易に素早く調製でき、し かも元のコロニーとの対応も明瞭であるので、好ましい。このメンブレンについ て1枚はThy-1腎炎ラット腎臓、もう1枚は対照ラット腎臓のそれぞれのm RNA全体をプローブにしてコロニーハイブリダイゼーションを行い、そのハイ ブリダイズシグナルの強弱を比較することにより、 Thy-1 腎炎ラット腎臓で 発現量が上昇しているクローンを選択する。

プローブとしては、通常のDNAプローブと同様にmRNA全体に対し逆転写 酵素とランダムプライマーを用いて作製した標識 c DNAを用いることも可能だ が、RNAプローブの方が、メンブレン上のDNAに対しDNAプローブより強 固にハイブリダイズして強いシグナルを与えるため、望ましい。たとえば、mR NAをT7、T3、SP6等のRNAポリメラーゼ特異的なプロモーター配列を5、端にもつオリゴ d Tプライマーおよび逆転写酵素を用いて、20-1—Aと同様な方法で c DNA合成反応を行うことにより、末端に該プロモーター配列をもつ c DNAを合成する。この c DNAに対して標識用ヌクレオチドを基質にして該プロモーター配列に特異的なRNAポリメラーゼを作用させることにより、均一かつ高い標識率をもったRNAプローブを大量に合成することが容易にできる。プローブの標識には 32 P、 35 Sなどの放射性同位体あるいはジゴキシゲニン(digoxigenin:DIG)、ビオチン等の容易に検出ができる非放射性の物質が用いられる。

Thy-1腎炎ラット腎臓、および対照ラット腎臓それぞれのRNAプローブと上記で作製したメンブレンをハイブリダイズさせた後、各コロニーDNAとハイブリダイズしたプローブを検出する。ハイブリダイズしたプローブの検出には標識物質によりそれぞれ適した方法が用いられる。例えば、放射性同位元素の場合は直接X線フィルムあるいはイメージングプレートを感光させるオートラジオグラフィーにより、DIGの場合はDIGシステムユーザーガイド(ロシュ社製)に従いアルカリフォスファターゼ標識した抗DIG抗体を結合させた後、アルカリフォスファターゼにより発光するCSPD等の基質を反応させてX線フィルムを感光させる方法などが、感度良くまた定量的に検出する方法として用いられる。

もしThy-1腎炎ラットの腎臓で対照ラットの腎臓と比較して多く発現している遺伝子があれば、プローブ中に存在するその遺伝子のmRNA分子数も多くなるので、メンブレン上に同じ量のDNAがブロッティングされていたとしてもその遺伝子に対応するcDNAのスポットにはより多くのプローブが結合する。したがって、同じcDNAクローンのDNAがブロットされている2枚のメンブレン上のハイブリダイズシグナルの強度を比較することにより、Thy-1腎炎ラット腎臓で正常ラット腎臓と比べて発現量が上昇している遺伝子のcDNAを選択することができる。

③ DNAの塩基配列の解析

以上のようにして得られたThy-1腎炎ラット腎臓で正常ラット腎臓と比べて発現量が上昇している遺伝子のcDNAについて、その塩基配列をジデオキシ法〔Sanger et al., Proc. Natl. Acad. Sci., USA, 74, 5463(1977)〕あるい

はDNAシークエンサーを用いて決定できる。

てのようにして得られた c D N A として配列番号 1、3、5、7、9、13、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、30、31、32、33、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、45、46、47、48、49、50、51、52、53、54、55、56、57、58、59、60、61、62、63、64、65、66、67、68、69、70、71、72、73、74、75、76、77、78、79、80、81、82、83、84、85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、95、96、97、98、99、100、101、102、103、104、105、106、107、108、109、110、111、112、113、114、115、116、117、118、119、120、121、122、123、124、125、126、127、128、129、130、131、132、133、134、135、136、137、138、139、140、141、142または157に示す塩基配列をもつD N A をあげることができる。

得られた塩基配列をアミノ酸配列に翻訳することにより、この遺伝子がコードするポリペプチドのアミノ酸配列を得ることができる。また、得られた塩基配列をGenBank、EMBL等の塩基配列データベース中の塩基配列とBLAST、FASTAなどの相同性解析プログラムを用いて比較することにより、得られた塩基配列が新規な塩基配列かどうか、また得られた塩基配列と相同性をもつ塩基配列を検索することができる。また塩基配列より得られたアミノ酸配列をSwissProt、PIR、GenPept等のアミノ酸配列データベースと比較することにより、その塩基配列がコードするポリペプチドと相同性をもつポリペプチド、例えばラットとは別の生物種での相当する遺伝子に由来するポリペプチドや同じような活性や機能をもつと推定されるファミリーポリペプチドを検索することができる。

④全長 c D N A の調製

②で得られたcDNAには、mRNAが一部分解していたり逆転写酵素による合成がmRNAの3'側から5'側に向かう途中で止まってしまったことによりポリペプチドの全長をコードしない不完全なcDNAが含まれることがある。このような不完全なcDNAの塩基配列の解析では、そのcDNAがコードするポ

リペプチドのアミノ酸が全て明らかにはできない。塩基配列の解析において、相同性をもつ塩基配列やアミノ酸配列との比較の結果や、5. に記載するノーザン・ブロット法によるmRNAの長さと得られたcDNAの長さの比較などから、得られたcDNAが完全長でないことが推測される場合もある。このような不完全なcDNAだった場合、全長cDNAを以下のようにして得ることができる。

④-1 cDNAライブラリーからの再検索

得られた腎炎関連遺伝子 c DNAをプローブにして、Thy-1腎炎ラット腎臓 c DNAライブラリーからコロニーハイブリダイゼーションあるいはプラークハイブリダイゼーション(モレキュラー・クローニング第2版)により、ハイブリダイズする c DNAクローンを取得する。得られたクローンからモレキュラー・クローニング第2版に記載された方法によりDNAを調製し、制限酵素で切断することで最も長い挿入断片を持つものを選択する。Thy-1腎炎ラット腎臓 c DNAライブラリーは、差分化 c DNAライブラリーに対して再度行ってもよいが、差分化操作により、より長い c DNAを含むクローンが失われる傾向にあるので、差分化前のThy-1腎炎ラット腎臓 c DNAライブラリーを用いる方が全長 c DNAクローンが得られる可能性が高い。

<u>④-2 cDNA両端の迅速増幅(Rapid Amplification of cDNA Ends、RA</u>CE)

Thy-1腎炎ラット腎臓 c DNAの両端にアダプターオリゴヌクレオチドを付加し、このアダプターの塩基配列と得られた c DNAクローンの塩基配列に基づいたプライマーでPCRを行う5'-RACEおよび3'-RACE [Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 85, 8998 (1988)] により、②で得られた c DNAの5'末端より外側の c DNA断片を得ることができる。得られた c DNAの塩基配列を③と同様にして決定する。この方法で得られた c DNAと②で得られた c DNAと②で得られた c DNAと多で得られた c DNAとをつなぎあわせることにより全長の c DNAを取得することもできる。

このようにして得られたラット増殖性糸球体腎炎関連遺伝子の全長cDNAとして配列番号1、3、5、7、9、13、17または157に示す塩基配列をもつラット増殖性糸球体腎炎関連遺伝子のcDNAをあげることができる。

<u>④-3</u> データベース情報およびPCRの利用

③で決定した c DNAの塩基配列を塩基配列データベースと相同性解析を行な

った際に、既知の遺伝子の塩基配列とは一致が見られないが、ランダムなcDN Aクローンの末端部分の塩基配列であるEST (expressed sequence tag) とー 致が見られる場合がある。この場合はこれらのESTおよび該ESTの塩基配列 と一致する塩基配列をもつEST、このようなESTと同一クローン由来のES Tを同一遺伝子由来のESTとして集める。この同一遺伝子由来のESTの塩基 配列をつなぎ合わせると、②で得られた c D N A よりも、5 '側あるいは3'側 に延長した部分の塩基配列を見出せることがある。この場合、ESTをつなぎ合 わせて得られた塩基配列の最も5′端の塩基配列を有するフォワードプライマー あるいは3、端の塩基配列に相補的な塩基配列を有するリバースプライマーを用 いて、Thy-1腎炎ラット腎臓のcDNA、あるいはThy-1腎炎ラット腎 臓cDNAライブラリーを鋳型にしてPCRを行なうことにより、②で得られた c DNAの塩基配列の5 * 末端あるいは3 * 末端よりも外側のc DNA部分を得 ることができる。得られた c D N A は③と同様にして塩基配列を決定し、②で得 られたcDNAとつなぎ合わせて全長のcDNAを取得することができる。目的 の腎炎関連遺伝子に由来するラットのESTがデータベースより多数得られた場 合は、RT-PCRを行なわなくても、集めたESTの塩基配列をつなぎ合わせ ることにより腎炎関連遺伝子の全長のcDNAの塩基配列を明らかにできること もある。

また、以上のようにして取得された全長 c D N A の塩基配列が明らかになった後は、該 c D N A の塩基配列に基づいたプライマーを調製し、T h y - 1 腎炎ラット腎臓 c D N A あるいは c D N A ライブラリーを鋳型として、P C R を行うことにより全長 c D N A を取得することができる。また決定された腎炎関連遺伝子 c D N A の塩基配列に基づいて、D N A 合成機で腎炎関連遺伝子D N A を化学合成することも可能である。合成機としては、フォスフォアミダイト法を利用したパーキン・エルマー社製のD N A 合成機 model 392 等をあげることができる。

⑤ ヒトにおける相当遺伝子の取得

増殖性糸球体腎炎関連遺伝子をヒトの増殖性糸球体腎炎の治療や診断に応用するためには、ヒト由来の遺伝子が必要である。一般に同じ機能をもつポリペプチドは種が異なってもアミノ酸配列に高い相同性があり、そのポリペプチドをコードしている遺伝子の塩基配列にも高い相同性がある傾向がある。したがってラットのcDNAをプローブにして、ヒトの腎臓、好ましくは増殖性糸球体腎炎患者

WO 01/73022

の腎臓の c DNA ライブラリーからややストリンジェントな条件でハイブリダイゼーションによるスクリーニングを行うことによりヒト c DNA を取得することが可能である。ここでいうややストリンジェントな条件とは、ヒト c DNA とラット c DNA の相同性の程度によって異なるが、制限酵素切断したヒト染色体DNAに対してラット c DNA をプローブにして、度合いが異なるいくつかのハイブリダイズ条件でサザンブロットを行い、明確なバンドが見える条件のうち最もストリンジェントな条件を用いる。例えばホルムアミドを含まないハイブリダイズ液の場合、ハイブリダイズ液の組成は塩濃度を 1 mol/1 に固定し、ハイブリダイズを行い、ハイブリダイズと同じ温度で 0.5% SDSを含む $2\times$ SSCで洗浄を行ってみて条件を決める。ホルムアミドを含むハイブリダイズ液の場合、温度(42%)と塩濃度($6\times$ SSC)を固定し、ホルムアミド濃度を 50%0 % CPB階的に変えたいくつかの条件下でハイブリダイズを行い、50%0 0 % SDSを含む $6\times$ SCで洗浄を行ってみて条件を決める。

また、②や④で得られたラットcDNAの塩基配列に対して③と同様にして塩基配列の新規性と相同性の検索を行い、ラットcDNAの塩基配列の中で特にポリペプチドをコードしている領域全体において高い(具体的には80%以上の)相同性を示すヒトのcDNAの塩基配列があるかどうかを検索する。高い相同性を示すヒトcDNAは、②や④で得られたラット遺伝子に相当するヒト遺伝子のcDNAと推定される。したがって、このヒトcDNAの5、および3、末端の塩基配列に対応するプライマーを用いて、ヒトの細胞や組織、好ましくは腎臓組織あるいは腎臓由来の細胞、さらに好ましくは増殖性糸球体腎炎患者の腎臓から抽出したRNAを鋳型にしてRT-PCRを行うことにより、このヒトcDNAを増幅、単離することができる。なお、ここでデータベース中で見出されるヒトcDNAが全長のものでなかったりESTの塩基配列だけの場合もあるが、このような場合も、ラットcDNAについて④に記載したのと同様な方法により全長のヒトcDNAを得ることができる。

また、このようにして得られたヒトcDNAは③と同様にして塩基配列を解析し、そのcDNAがコードするヒトポリペプチドのアミノ酸配列を明らかにすることができる。

このようにして得られる増殖性列糸球体腎炎関連遺伝子のヒトcDNAとして

配列番号11、15および159に示す塩基配列を持つcDNAをあげることができる。

さらに、他の非ヒトほ乳動物においても、同様の方法を用いて相当遺伝子を取 得することができる。

⑥ ゲノム遺伝子の取得

モレキュラー・クローニング第2版に記載の方法により、ラットあるいはヒトの細胞や組織から単離した染色体DNAを用いて作製したゲノムDNAライブラリーに対して、②あるいは⑤で得られたラットあるいはヒトcDNAをプローブにして、プラークハイブリダイゼーション等の方法でスクリーニングすることにより、本発明の遺伝子のラットあるいはヒトのゲノムDNAを得ることができる。ゲノムDNAの塩基配列とcDNAの塩基配列を比較することにより該遺伝子のエキソン/イントロン構造を明らかにすることができる。また、特にcDNAの5'側の部分をプローブにすることにより、本発明の遺伝子のプロモーターなど転写を制御するゲノム遺伝子領域の塩基配列を明らかにすることができる。この配列は本発明の遺伝子の転写の制御機構を解析するのに役立つ。

同様の方法を用いて、他の非ヒトほ乳動物においても本発明のゲノム遺伝子を 取得し、プロモーター領域などの塩基配列を明らかにすることができる。

⑦ オリゴヌクレオチドの調製

上述の方法で取得した本発明のDNAの塩基配列情報を用いて、DNA合成機により、本発明のDNAの一部の配列を有するアンチセンス・オリゴヌクレオチド、センス・オリゴヌクレオチド等のオリゴヌクレオチドを調製することができる。

該オリゴヌクレオチドとしては、上記DNAの有する塩基配列中の連続した5~60塩基と同じ配列を有するDNAまたは該DNAと相補的な配列を有するDNAをあげることができ、具体的には、配列番号1、3および5に表される塩基配列中の連続した5~60塩基と同じ配列を有するDNAまたは該DNAと相補的な配列を有するDNAをあげることができる。PCRのフォワードプライマーおよびリバースプライマーとして用いる場合には、両者の融解温度(Tm)および塩基数が極端に変わることのないオリゴヌクレオチドで、5~60塩基数のものが好ましい。

さらに、これらオリゴヌクレオチドの誘導体(以下、オリゴヌクレオチド誘導

体という)も本発明のオリゴヌクレオチドとして利用することができる。

2 増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドの生産

以下に、増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドの製造法について述べる。

完全長cDNAをもとに、必要に応じて、該ポリペプチドをコードする部分を含む適当な長さのDNA断片を調製する。

該DNA断片、あるいは完全長 c DNAを発現ベクター内のプロモーターの下流に挿入することにより、該ポリペプチドを発現するの組換えベクターを造成する。

該組換えベクターを、該ベクターに適合した宿主細胞内に導入する。

宿主細胞としては、目的とするDNAを発現できるものは全て用いることができ、例えば、エシェリヒア(Escherichia)属、セラチア(Serratia)属、コリネバクテリウム(Corynebacterium)属、ブレビバクテリウム(Brevibacterium)属、シュードモナス(Pseudomonas)属、バチルス(Bacillus)属、ミクロバクテリウム(Microbacterium)属等に属する細菌、クリュイベロミセス(Kluyveromyces)属、サッカロミセス(Saccharomyces)属、シゾサッカロミセス(Shizosaccharomyces)属、トリコスポロン(Trichosporon)属、シュワニオミセス(

Schwanniomyces) 属等に属する酵母や動物細胞、昆虫細胞等を用いることができる。

発現ベクターとしては、宿主細胞において自立複製可能ないしは染色体中への 組込みが可能で、増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAを転写できる位置にプロモ ーターを含有しているものが用いられる。

細菌を宿主細胞として用いる場合は、増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNA組換えベクターは該細菌中で自立複製可能であると同時に、プロモーター、リボソーム結合配列、増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAおよび転写終結配列より構成された組換えベクターであることが好ましい。ベクターにはプロモーターを制御する遺伝子が含まれていてもよい。

発現ベクターとしては、例えば、pBTrp2、pBTac1、pBTac2(いずれもベーリンガーマンハイム社より市販)、pKK233-2(Amersham Pharmacia Biotech 社製)、pSE280(Invitrogen 社製)、pGEMEX-1(Promega 社製)、pQE-8(QIAGEN 社製)、pKYP10 [特開昭 58-110600〕、pKYP200 [Agricultural Biological Chemistry, 48, 669(1984)]、pLSA1 [Agric. Biol. Chem., 53, 277(1989)]、pGEL1 [Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 82, 4306(1985)]、pBluescript II SK(-)(Stratagene 社製)、pGEX(Amersham Pharmacia Biotech 社製)、pET-3(Novagen 社製)、pTerm2(USP4686191、USP4939094、USP5160735)、pSupex、pUB110、pTP5、pC194、pEG400 [J. Bacteriol., 172, 2392(1990)]等を例示することができる。

発現ベクターとしては、リボソーム結合配列であるシャインーダルガノ(Shine-Dalgarno)配列と開始コドンとの間を適当な距離(例えば6~18塩基)に調節したものを用いることが好ましい。

プロモーターとしては、宿主細胞中で発現できるものであればいかなるものでもよい。例えば、trpプロモーター(P trp)、lacプロモーター(P lac)、P Lプロモーター、P Rプロモーター、T7プロモーター等の大腸菌やファージ等に由来するプロモーター、SPO1プロモーター、SPO2プロモーター、pen Pプロモーター等をあげることができる。またP trpを2つ直列させたプロモーター(P trp x 2)、tacプロモーター、letIプロモーター〔Gene, tac 29(19 86)〕、tac7プロモーターのように人為的に設計改変されたプロモーター等も用いることができる。

本発明の増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAのポリペプチドをコードする部分の塩基配列を、宿主の発現に最適なコドンとなるように置換することにより、目的とするポリペプチドの生産率を向上させることができる。

本発明の増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAの発現には転写終結配列は必ずし も必要ではないが、好適には構造遺伝子直下に転写終結配列を配置することが望 ましい。

宿主細胞としては、エシェリヒア属、セラチア属、コリネバクテリウム属、ブレビバクテリウム属、シュードモナス属、バチルス属等に属する微生物、例えば、Escherichia coli XL1-Blue、Escherichia coli XL2-Blue、Escherichia coli DH1、Escherichia coli MC1000、Escherichia coli KY3276、Escherichia coli W1485、Escherichia coli JM109、Escherichia coli HB101、Escherichia coli No. 49、Escherichia coli W3110、Escherichia coli NY49、Bacillus subtilis、Bacillus amyloliquefaciens、Brevibacterium ammoniagenes、Brevibacterium immariophilum ATCC14068、Brevibacterium saccharolyticum ATCC14066、Corynebacterium glutamicum ATCC13032、Corynebacterium glutamicum ATCC14067、Corynebacterium glutamicum ATCC13869、Corynebacterium acetoacidophilum ATCC13870、Microbacterium ammoniaphilum ATCC15354、Pseudomonas sp. D-01 10 等をあげることができる。

組換えベクターの導入方法としては、宿主細胞へDNAを導入する方法であればいずれも用いることができ、例えば、カルシウムイオンを用いる方法 [Proc. Natl. Acad. Sci. USA, <u>69</u>, 2110 (1972)]、プロトプラスト法 [特開昭 63-248 394]、または Gene, <u>17</u>, 107 (1982)や Molecular & General Genetics, <u>168</u>, 1 11 (1979)に記載の方法等をあげることができる。

酵母を宿主細胞として用いる場合には、発現ベクターとして、例えば、YEp13 (ATCC37115)、YEp24 (ATCC37051)、YCp50 (ATCC37419)、pHS19、pHS15等を例示することができる。

プロモーターとしては、酵母中で発現できるものであればいかなるものでもよく、例えば、PHO5プロモーター、PGKプロモーター、GAPプロモーター、ADHプロモーター、gal10プロモーター、gal110プロモーター、ヒートショックタンパク質プロモーター、 $MF\alpha1$ プロモーター、CUP1プロモーター等をあげることができる。

宿主細胞としては、サッカロミセス・セレビシエ(<u>Saccharomyces cerevisiae</u>)、シゾサッカロミセス・ポンベ(<u>Schizosaccharomyces pombe</u>)、クリュイベロミセス・ラクチス(<u>Kluyveromyces lactis</u>)、トリコスポロン・プルランス(<u>Trichosporon pullulans</u>)、シュワニオミセス・アルビウス(<u>Schwanniomyces a</u>lluvius)等をあげることができる。

組換えベクターの導入方法としては、酵母にDNAを導入する方法であればいずれも用いることができ、例えば、エレクトロポレーション法 [Methods in Enz ymol., 194, 182 (1990) 、スフェロプラスト法 [Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 75, 1929 (1978)] 、酢酸リチウム法 [J. Bacteriol., 153, 163 (1983)] 、Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 75, 1929 (1978)に記載の方法等をあげることができる。

動物細胞を宿主細胞として用いる場合には、発現ベクターとして、例えば、pcDNAI(Invitrogen 社製)、pcDM8 (Invitrogen 社製)、pAGE 107 [特開平 3-22979; Cytotechnology, 3, 133 (1990)]、pAS 3-3 (特開平 2-227075)、pCDM8 [Nature, 329, 840 (1987)]、pcDNAI/Amp (Invitrogen 社製)、pREP4 (Invitrogen 社製)、pAGE 103 [J. Biochem., 101, 1307 (1987)]、pAGE 210等を例示することができる。

プロモーターとしては、動物細胞中で発現できるものであればいずれも用いることができ、例えば、サイトメガロウイルス(ヒトCMV)のIE(immediate early)遺伝子のプロモーター、SV40の初期プロモーター、レトロウイルスのプロモーター、メタロチオネインプロモーター、ヒートショックタンパク質プロモーター、SR α プロモーター等をあげることができる。また、ヒトCMVのIE遺伝子のエンハンサーをプロモーターと共に用いてもよい。

宿主細胞としては、ヒトの細胞であるナマルバ(Namalwa)細胞、サルの細胞であるCOS細胞、チャイニーズ・ハムスターの細胞であるCHO細胞、HBT5637 [特開昭63-299] 等をあげることができる。

組換えベクターの導入法としては、動物細胞にDNAを導入できるいかなる方法も用いることができ、例えば、エレクトロポーレーション法〔Cytotechnology , 3, 133 (1990)〕、リン酸カルシウム法(特開平 2-227075)、リポフェクション法〔Proc. Natl. Acad. Sci., USA, 84, 7413 (1987)、Virology, 52, 456 (1973)〕等を用いることができる。形質転換体の取得および培養は、特開平 2-2

27075あるいは特開平2-257891に記載されている方法に準じて行な うことができる。

昆虫細胞を宿主として用いる場合には、例えば Baculovirus Expression Vectors, A Laboratory Manual, Oxford Univerity Press (1994)、カレント・プロトコールズ・イン・モレキュラー・バイオロジー、Bio/Technology, <u>6</u>, 47 (1988)等に記載された方法によって、ポリペプチドを発現することができる。

即ち、組換え遺伝子導入ベクターおよびバキュロウイルスを昆虫細胞に共導入して昆虫細胞培養上清中に組換えウイルスを得た後、さらに組換えウイルスを昆虫細胞に感染させ、ポリペプチドを発現させることができる。

遺伝子導入用ベクターとしては、例えば、pVL1392、pVL1393、pBlueBac III (ともに Invitrogen 社製) 等をあげることができる。

バキュロウイルスとしては、例えば、夜盗蛾科昆虫に感染するウイルスである アウトグラファ・カリフォルニカ・ヌクレアー・ポリヘドロシス・ウイルス(Aut ographa californica nuclear polyhedrosis virus)等を用いることができる。

昆虫細胞としては、<u>Spodoptera frugiperda</u>の卵巣細胞であるSf9、Sf2 1 [Baculovirus Expression Vectors, A Laboratory Manual、W. H. Freeman and Company, New York, (1992)]、<u>Trichoplusia ni</u>の卵巣細胞であるHigh 5 (Invitrogen 社製)等を用いることができる。

組換えウイルスを調製するための、昆虫細胞への上記組換え遺伝子導入ベクターと上記バキュロウイルスの共導入方法としては、例えば、リン酸カルシウム法〔特開平 2-227075〕、リポフェクション法〔Proc. Natl. Acad. Sci., USA, <u>84</u>, 7413(1987)〕等をあげることができる。

遺伝子の発現方法としては、直接発現以外に、モレキュラー・クローニング第 2版に記載されている方法等に準じて、分泌生産、融合ポリペプチド発現等を行 うことができる。

酵母、動物細胞または昆虫細胞により発現させた場合には、糖あるいは糖鎖が 付加されたポリペプチドを得ることができる。

増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAを組み込んだ組換えベクターを保有する形質転換体を培地に培養し、培養物中に増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを生成蓄積させ、該培養物より該ポリペプチドを採取することにより、増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを製造することができる。

本発明の増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチド製造用の形質転換体を培地に培養する方法は、宿主細胞の培養に用いられる通常の方法に従って行うことができる

本発明の形質転換体が大腸菌等の原核生物、酵母等の真核生物を宿主細胞とする場合、形質転換体を培養する培地は、該宿主細胞が資化し得る炭素源、窒素源、無機物等を含有し、形質転換体の培養を効率的に行える培地であれば天然培地、合成培地のいずれでもよい。

炭素源としては、それぞれの宿主細胞が資化し得るものであればよく、グルコース、フラクトース、スクロース、これらを含有する糖蜜、デンプンあるいはデンプン加水分解物等の炭水化物、酢酸、プロピオン酸等の有機酸、エタノール、プロパノールなどのアルコール類を用いることができる。

窒素源としては、アンモニア、塩化アンモニウム、硫酸アンモニウム、酢酸アンモニウム、リン酸アンモニウム等の各種無機酸若しくは有機酸のアンモニウム塩、その他含窒素化合物、並びに、ペプトン、肉エキス、酵母エキス、コーンスチープリカー、カゼイン加水分解物、大豆粕および大豆粕加水分解物、各種発酵菌体およびその消化物等が用いられる。

無機物としては、リン酸第一カリウム、リン酸第二カリウム、リン酸マグネシウム、硫酸マグネシウム、塩化ナトリウム、硫酸第一鉄、硫酸マンガン、硫酸銅、炭酸カルシウム等を用いることができる。

培養は、振盪培養または深部通気攪拌培養などの好気的条件下で行う。培養温度は $15\sim40$ Cがよく、培養時間は、通常16 時間 ~7 日間である。培養中р日は、 $3.0\sim9.0$ に保持する。 pHの調整は、無機あるいは有機の酸、アルカリ溶液、尿素、炭酸カルシウム、アンモニアなどを用いて行う。

また培養中必要に応じて、アンピシリンやテトラサイクリン等の抗生物質を培 地に添加してもよい。

プロモーターとして誘導性のプロモーターを有する組換えベクターを用いた形質転換体を培養するときには、必要に応じてインデューサーを培地に添加してもよい。例えば、lac プロモーターを有する組換えベクターを用いた形質転換体を培養するときにはイソプロピルー β -D-チオガラクトピラノシド(I P T G)等を、trp プロモーターを有する組換えベクターを用いた形質転換体を培養するときにはインドールアクリル酸(I A A)等を培地に添加してもよい。

動物細胞を宿主細胞として得られた形質転換体を培養する培地としては、一般に使用されているRPMI1640培地〔The Journal of the American Medical Association, 199, 519 (1967)〕、EagleのMEM培地〔Science, 122, 501 (1952)〕、ダルベッコ改変MEM培地〔Virology, 8, 396 (1959)〕、199培地〔Proceeding of the Society for the Biological Medicine, 73, 1 (1950)〕またはこれら培地に牛胎児血清等を添加した培地等を用いることができる。培養は、通常 $pH6\sim8$ 、30 ~40 °C、5% CO_2 存在下等の条件下で1 ~7 日間行う。

また、培養中必要に応じて、カナマイシン、ペニシリン等の抗生物質を培地に 添加してもよい。

昆虫細胞を宿主細胞として得られた形質転換体を培養する培地としては、一般に使用されているTNM-FH培地(Pharmingen 社製)、Sf-900 II SFM 培地(Life Technologies 社製)、ExCell400、ExCell405(いずれも JRH Biosciences 社製)、Grace's Insect Medium [Grace, T. C. C., Nature, 195, 788 (1962)〕等を用いることができる。

培養は、通常 p H 6 ~ 7、25~30℃等の条件下で、1~5日間行う。 また、培養中必要に応じて、ゲンタマイシン等の抗生物質を培地に添加しても よい。

形質転換体の培養物から、増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを単離精製する には、通常のポリペプチドの単離、精製法を用いればよい。

例えば、ポリペプチドが、細胞内に溶解状態で産生した場合には、培養終了後、細胞を遠心分離により回収し水系緩衝液にけん濁後、超音波破砕機、フレンチプレス、マントンガウリンホモゲナイザー、ダイノミル等により細胞を破砕し、無細胞抽出液を得る。該無細胞抽出液を遠心分離することにより得られた上清から、通常のポリペプチドの単離精製法、即ち、溶媒抽出法、硫安等による塩析法、脱塩法、有機溶媒による沈殿法、ジエチルアミノエチル(DEAE)ーセファロース、DIAION IPA-75(三菱化学社製)等レジンを用いた陰イオン交換クロマトグラフィー法、S-Sepharose FF (Amersham Pharmacia Biotech 社製)等のレジンを用いた陽イオン交換クロマトグラフィー法、ブチルセファロース、フェニルセファロース等のレジンを用いた疎水性クロマトグラフィー法、分子節を用いたゲルろ過法、アフィニティークロマトグラフィー法、クロマトフォーカシング法

、等電点電気泳動等の電気泳動法等の手法を単独あるいは組み合わせて用い、ポリペプチドの精製標品を得ることができる。

また、ポリペプチドが細胞内に不溶体を形成して産生した場合は、細胞を回収後破砕し、遠心分離することにより、沈殿画分としてポリペプチドの不溶体を回収する。

回収したポリペプチドの不溶体をタンパク質変性剤で可溶化する。可溶化液を、希釈あるいは透析により、可溶化液中のタンパク質変性剤の濃度を下げることにより、ポリペプチドの構造を正常な立体構造に戻した後、上記と同様の単離精製法によりポリペプチドの精製標品を得る。

ポリペプチドあるいはその糖修飾体等が細胞外に分泌された場合には、培養上清から、該ポリペプチドあるいはその糖修飾体等を回収することができる。即ち、培養物から遠心分離等の手法により培養上清を回収し、該培養上清から、上記と同様の単離精製法を用いることにより、精製標品を得ることができる。

このようにして取得されるポリペプチドとして、例えば、配列番号 2 、 4 、 6 、 8 、 1 0 、 1 2 、 1 4 、 1 6 、 1 5 8 または 1 6 0 に表されるアミノ酸配列を有するポリペプチド等をあげることができる。

また、本発明のポリペプチドを、Fmoc法(フルオレニルメチルオキシカルボニル法)、tBoc法(t-ブチルオキシカルボニル法)等の化学合成法によっても製造することができる。また、米国 Advanced ChemTech 社製、Perkin-Elmer社製、Amersham Pharmacia Biotech 社製、米国 Protein Technology Instrument社製、米国 Synthecell-Vega 社製、米国 PerSeptive 社製、島津製作所社製等のペプチド合成機を利用し合成することもできる。

3 増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを特異的に認識する抗体の調製

増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドの全長または部分断片精製標品、あるいは KRGF-1蛋白質の一部のアミノ酸配列を有する合成ペプチドを抗原として用 いることにより、ポリクローナル抗体、モノクローナル抗体等、増殖性糸球体腎 炎関連ポリペプチドを認識する抗体を作製することができる。

(1) ポリクローナル抗体の作製

本発明の蛋白質の全長または部分断片精製標品、あるいは本発明の蛋白質の一部のアミノ酸配列を有するペプチドを抗原として用い、適当なアジュバント〔例えば、フロイントの完全アジュバント(Complete Freund's Adjuvant)または水

酸化アルミニウムゲル、百日咳ワクチンなど〕とともに、動物の皮下、静脈内または腹腔内に投与することによりポリクローナル抗体を作製することができる。

投与する動物として、ウサギ、ヤギ、ラット、マウス、ハムスター等を用いる ことができる。

該抗原の投与量は動物 1 匹当たり $50 \sim 100 \mu$ g が好ましい。

ペプチドを用いる場合は、ペプチドをスカシガイヘモシアニン(keyhole limp et haemocyanin)や牛チログロブリンなどのキャリア蛋白に共有結合させたものを抗原とするのが望ましい。抗原とするペプチドは、ペプチド合成機で合成することができる。

該抗原の投与は、1回目の投与の後 $1\sim 2$ 週間おきに $3\sim 1$ 0回行う。各投与後、 $3\sim 7$ 日目に眼底静脈叢より採血し、該血清が免疫に用いた抗原と反応することを酵素免疫測定法〔酵素免疫測定法(ELISA法):医学書院刊(1976年)、Antibodies—A Laboratory Manual, Cold Spring Harbor Laboratory (1988)〕等で確認する。

免疫に用いた抗原に対し、その血清が充分な抗体価を示した非ヒト哺乳動物より血清を取得し、該血清を分離、精製することによりポリクローナル抗体を取得することができる。

分離、精製する方法としては、遠心分離、 $40\sim50\%$ 飽和硫酸アンモニウムによる塩析、カプリル酸沈殿〔Antibodies, A Laboratory manual, Cold Spring Harbor Laboratory, (1988)〕、またはDEAEーセファロースカラム、陰イオン交換カラム、プロテインAまたはG-カラムあるいはゲル濾過カラム等を用いるクロマトグラフィー等を、単独または組み合わせて処理する方法があげられる

(2) モノクローナル抗体の作製

(a)抗体産生細胞の調製

免疫に用いた本発明の蛋白質の部分断片ポリペプチドに対し、その血清が十分 な抗体価を示したラットを抗体産生細胞の供給源として供する。

該抗体価を示したラットに抗原物質を最終投与した後3~7日目に、脾臓を摘出する。

該脾臓をMEM培地(日水製薬社製)中で細断し、ピンセットでほぐし、1, 200rpmで5分間遠心分離した後、上清を捨てる。 得られた沈殿画分の脾細胞をトリスー塩化アンモニウム緩衝液(pH7.65)で1~2分間処理し赤血球を除去した後、MEM培地で3回洗浄し、得られた脾細胞を抗体産生細胞として用いる。

(b) 骨髄腫細胞の調製

骨髄腫細胞としては、マウスまたはラットから取得した株化細胞を使用する。例えば、8-アザグアニン耐性マウス(BALB/c 由来)骨髄腫細胞株 P3-X63Ag8-U 1(以下、P3-U1 と略す)〔Curr. Topics. Microbiol. Immunol., 81, 1 (1978)、Europ. J. Immunol., 6, 511 (1976)〕、SP2/0-Ag14(SP-2)〔Nature, 276, 269 (1978)〕、P3-X63-Ag8653(653)〔J. Immunol., 123, 1548 (1979)〕、P3-X63-Ag8(X63)〔Nature, 256, 495 (1975)〕等を用いることができる。これらの細胞株は、8-アザグアニン培地〔RPMI-1640 培地にグルタミン(1.5 mmol/l)、2-メルカプトエタノール(5×10^{-5} mol/l)、ジェンタマイシン(10μ g/ml)および牛胎児血清(FCS)(CSL社製、10%)を加えた培地(以下、正常培地という)に、さらに8-アザグアニン(15μ g/ml)を加えた培地〕で継代するが、細胞融合の $3\sim4$ 日前に正常培地で培養し、融合には該細胞を 2×10^{7} 個以上用いる。

(c)ハイブリドーマの作製

(a)で取得した抗体産生細胞と(b)で取得した骨髄腫細胞をMEM培地またはPBS(リン酸二ナトリウム1.83g、リン酸一カリウム0.21g、食塩7.65g、蒸留水1リットル、pH7.2)でよく洗浄し、細胞数が、抗体産生細胞:骨髄腫細胞=5~10:1になるよう混合し、1,200rpmで5分間遠心分離した後、上清を捨てる。

得られた沈殿画分の細胞群をよくほぐし、該細胞群に、攪拌しながら、37 で、10 %抗体産生細胞あたり、ポリエチレングライコールー1000 (PEG -1000) 2 g、MEM 2 m 1 およびジメチルスルホキシド (DMSO) 0 . 7 m 1 を混合した溶液を0 . $2 \sim 1$ m 1 添加し、さらに $1 \sim 2$ 分間毎にMEM 培地 $1 \sim 2$ m 1 を数回添加する。

添加後、MEM培地を加えて全量が50m1になるように調製する。該調製液を900rpmで $5分間遠心分離後、上清を捨てる。得られた沈殿画分の細胞を、ゆるやかにほぐした後、メスピペットによる吸込み、吹出しでゆるやかにHAT培地〔正常培地にヒポキサンチン(<math>10^{-4}mol/l$)、チミジン(1.5×10^{-5}

mol/l)およびアミノプテリン(4×10^{-7} mol/l)を加えた培地〕 100 m l 中に懸濁する。

該懸濁液を96 穴培養用プレートに $100 \mu 1$ / 穴ずつ分注し、 $5\%CO_2$ インキュベーター中、37%で7~14 日間培養する。

培養後、培養上清の一部をとりアンチボディイズ〔Antibodies, A Laboratory manual, Cold Spring Harbor Laboratory, Chapter 14 (1988)〕等に述べられている酵素免疫測定法により、本発明の蛋白質の部分断片ポリペプチドに特異的に反応するハイブリドーマを選択する。

酵素免疫測定法の具体例として、以下の方法をあげることができる。

免疫の際、抗原に用いた本発明の蛋白質の部分断片ポリペプチドを適当なプレートにコートし、ハイブリドーマ培養上清もしくは後述の(d)で得られる精製抗体を第一抗体として反応させ、さらに第二抗体としてビオチン、酵素、化学発光物質あるいは放射線化合物等で標識した抗ラットまたは抗マウスイムノグロブリン抗体を反応させた後に標識物質に応じた反応を行い、本発明の蛋白質に特異的に反応するものを本発明のモノクローナル抗体を生産するハイブリドーマとして選択する。

該ハイブリドーマを用いて、限界希釈法によりクローニングを2回繰り返し〔1回目は、HT培地(HAT培地からアミノプテリンを除いた培地)、2回目は、正常培地を使用する〕、安定して強い抗体価の認められたものを本発明のモノクローナル抗体を産生するハイブリドーマ株として選択する。

(d)モノクローナル抗体の調製

プリスタン処理〔2,6,10,14ーテトラメチルペンタデカン(Pristane)0.5m1を腹腔内投与し、2週間飼育する〕した8~10週令のマウスまたはヌードマウスに、(c)で取得した本発明のポリペプチドモノクローナル抗体産生ハイブリドーマ細胞5~20×10 ⁶細胞/匹を腹腔内に注射する。10~21日間でハイブリドーマは腹水癌化する。

該腹水癌化したマウスから腹水を採取し、3,000rpmで5分間遠心分離して固形分を除去する。

得られた上清より、ポリクローナルで用いた方法と同様の方法でモノクローナル抗体を精製、取得することができる。

抗体のサブクラスの決定は、マウスモノクローナル抗体タイピングキットまた

はラットモノクローナル抗体タイピングキットを用いて行う。ポリペプチド量は、ローリー法あるいは280nmでの吸光度より算出する。

4 増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを生産する組換えウイルスベクターの調 製法

以下に、本発明の増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを特定のヒト組織内で生産するための組換えウイルスベクターの調製法について述べる。

増殖性糸球体腎炎関連遺伝子の完全長 c DNAをもとに、必要に応じて、該ポリペプチドをコードする部分を含む適当な長さのDNA断片を調製する。

該DNA断片、あるいは完全長 c DNAをウイルスベクター内のプロモーターの下流に挿入することにより、組換えウイルスベクターを造成する。

RNAウイルスベクターの場合には、増殖性糸球体腎炎関連遺伝子の完全長 c DNAに相同な c RNA、若しくは該ポリペプチドをコードする部分を含む適当な長さのDNA断片に相同なRNA断片を調整し、それらを、ウイルスベクター内のプロモーターの下流に挿入することにより、組換えウイルスを造成する。RNA断片は、2本鎖の他、ウイルスベクターの種類に応じて、センス鎖若しくはアンチセンス鎖のどちらか一方の1本鎖を選択する。例えば、レトロウイルスベクターの場合は、センス鎖に相同するRNAを、センダイウイルスベクターの場合は、逆にアンチセンス鎖に相同なRNAを選択する。

該組換えウイルスベクターを、該ベクターに適合したパッケージング細胞に導 入する。

パッケージング細胞はウイルスのパッケジーングに必要なポリペプチドをコードする遺伝子の少なくとも1つを欠損している組換えウイルスベクターの該欠損するポリペプチドを補給できる細胞は全て用いることができ、例えばヒト腎臓由来のHEK293細胞、マウス繊維芽細胞NIH3T3などを用いることができる。パッケージング細胞で補給するポリペプチドとしては、レトロウイルスベクターの場合はマウスレトロウイルス由来のgag、pol、envなどのポリペプチドが、レンチウイルスベクターの場合はHIVウイルス由来のgag、pol、env、vpr、vpu、vif、tat、rev、nefなどのポリペプチド、アデノウイルスベクターの場合はアデノウイルス由来のE1A・E1Bなどのポリペプチドが、アデノウイルスベクターの場合はアデノウイルス由来のE1A・E1Bなどのポリペプチドが、アデノ随伴ウイルスの場合はRep(p5、p19、p40)、Vp(Cap)などのポリペプチドが、センダイウイルスの場合はNP、

P/C、L、M、F、HNなどのポリペプチドがあげられる。

ウイルスベクターとしては上記パッケージング細胞において組換えウイルスが生産でき、標的細胞で増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAを転写できる位置にプロモーターを含有しているものが用いられる。プラスミドベクターとしてはMFG [Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 92, 6733-6737 (1995)]、pBabePurole Color Colo

パッケージング細胞への組換えウイルスベクターの導入法としては、例えば、リン酸カルシウム法 [特開平 2-227075] 、リポフェクション法 [Proc. Natl. A cad. Sci. USA, <u>84</u>, 7413 (1987)] 等をあげることができる。

5 増殖性糸球体腎炎関連遺伝子のmRNAを検出する方法

以下に本発明の増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAを用いて、増殖性糸球体腎 炎関連遺伝子mRNAを検出する方法について述べる。

当該方法に用いられるDNAとしては、例えば配列番号1、3、5、7、9、1、1、13、15、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、30、31、32、33、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、45、46、47、48、49、50、51、52、53、54、55、56、57、58、59、60、61、62、63、64、65、66、67、68、69、70、71、72、73、74、75、76、77、78、79、80、81、82、83、84、85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、95、96、97、98、99、100、101、102、103、104、105、106、107、108、109、110、111、112、112、113、114、115、116、117、118、119、120、121、122、123、124、12

5、126、127、128、129、130、131、132、133、134、135、136、137、138、139、140、141、142、157または159に表される塩基配列を有するDNA等があげられる。

増殖性糸球体腎炎関連遺伝子mRNAの発現量や構造変化を検出する方法としては、例えば(1)ノーザンブロット法(2)in situ ハイブリダイゼイション法、(3)定量的PCR法、(4)ディファレンシャル・ハイブリダイゼイション法、(5)DNAチップ法、(6)RNase保護アッセイ法などの方法等があげられる。

上記方法による分析に供する検体としては、腎疾患患者ならびに健常者より取得した腎臓組織、血清、唾液等の生体試料、あるいは該生体試料から細胞を取得して試験管内の適当な培地中で培養した初代培養細胞試料から取得したmRNAあるいは全RNAが用いられる(以後、該mRNAおよび全RNAを検体由来RNAと称する)。また、生体試料から取得した組織を、パラフィンあるいはクリオスタット切片として単離したものを用いることもできる。

ノーザンブロット法では、検体由来RNAをゲル電気泳動で分離後、ナイロンフィルター等の支持体に転写し、本発明のDNAより調製した標識プローブを用いて、ハイブリダイゼイションならびに洗浄を行うことで、増殖性糸球体腎炎関連遺伝子mRNAに特異的に結合したバンドを検出することにより、増殖性糸球体腎炎関連遺伝子mRNAの発現量ならびに構造の変化を検出することができる。ハイブリダイゼイションを行う際には、プローブと検体由来RNA中の増殖性糸球体腎炎関連遺伝子mRNAが安定なハイブリッドを形成する条件でインキュベーションする。偽陽性を防ぐためには、ハイブリダイゼイションならびに洗浄工程は高ストリンジェントな条件で行うことが望ましい。この条件は、温度、イオン強度、塩基組成、プローブの長さ、およびホルムアミド濃度等の多数の因子により決定される。これらの因子は、例えば、モレキュラー・クローニング第2版に記載されている。

ノーザンブロット法に用いる標識プローブは、例えば、公知の方法(ニック・トランスレーション、ランダム・プライミングまたはキナージング)により放射性同位体、ビオチン、蛍光基、化学発光基等を、本発明のDNAあるいは該DNAの配列から設計したオリゴヌクレオチドに取り込ませることで調製できる。標識プローブの結合量は増殖性糸球体腎炎関連遺伝子mRNAの発現量を反映する

39

ことから、結合した標識プローブの量を定量することで増殖性糸球体腎炎関連遺伝子mRNAの発現量を定量することができる。また、標識プローブ結合部位を分析することで、増殖性糸球体腎炎関連遺伝子mRNAの構造変化を知ることができる。

上記標識プローブおよび、生体から取得した組織をパラフィンあるいはクリオスタット切片として単離したものを用いてハイブリダイゼイションならびに洗浄の工程を行う in situ ハイブリダイゼイション法によって、増殖性糸球体腎炎関連遺伝子mRNAの発現量を検出することができる。in situ ハイブリダイゼイション法で、偽陽性を防ぐためには、ハイブリダイゼイションならびに洗浄工程は高ストリンジェントな条件で行うことが望ましい。この条件は、温度、イオン強度、塩基組成、プローブの長さ、およびホルムアミド濃度等の多数の因子により決定される。これらの因子は、例えばカレント・プロトコールズ・イン・モレキュラー・バイオロジーに記載されている。

定量的PCR法やディファレンシャル・ハイブリダイゼイション法あるいはDNAチップ法等による増殖性糸球体腎炎関連遺伝子mRNAの検出法は、検体由来RNA、オリゴdTプライマーまたはランダムプライマーおよび逆転写酵素を用いてcDNAを合成することに基づいた方法で行うことができる(以後、該cDNAを検体由来cDNAと称する)。検体由来RNAがmRNAの場合は、上記いずれのプライマーも用いることができるが、該検体由来RNAが全RNAである場合は、オリゴdTプライマーを用いることが必要である。

定量的PCR法では、検体由来cDNAをテンプレートとし本発明の増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAが有する塩基配列に基づき設計したプライマーを用いてPCRを行うことで、増殖性糸球体腎炎関連遺伝子mRNA由来のDNA断片が増幅される。該増幅DNA断片の量は増殖性糸球体腎炎関連遺伝子mRNAの発現量を反映することから、アクチンやG3PDH(glyceraldehyde3-phosphatedhydrogenase)等をコードするDNAを内部コントロールとして置くことで増殖性糸球体腎炎関連遺伝子mRNAの量を定量することが可能である。また、該増幅DNA断片をゲル電気泳動により分離することで、増殖性糸球体腎炎関連遺伝子mRNAの構造の変化を知ることもできる。本検出法では、標的配列を特異的にかつ効率的に増幅する適当なプライマーを用いることが望ましい。適当なプライマーは、プライマー間の結合やプライマー内の結合を起こさず、アニーリン

グ温度で標的 c DNAと特異的に結合して、変性条件で標的 c DNAからはずれる等の条件に基づき設計することができる。増幅DNA断片の定量は増幅産物が指数関数的に増加しているPCR反応の内に行うことが必要である。このようなPCR反応は、各反応ごとに生産される該増幅DNA断片を回収してゲル電気泳動で定量分析することで知ることができる。

検体由来 c D N A をプローブとして、本発明のD N A を固定化させたフィルターあるいはスライドガラスやシリコンなどの基盤に対してハイブリダイゼイションならびに洗浄を行うことで、増殖性糸球体腎炎関連遺伝子m R N A の発現量の変動を検出することができる。このような原理に基づく方法には、ディファレンシャル・ハイブリダイゼイション法〔Trends in Genetics, 7, 314-317 (1991)〕やD N A チップ法〔Genome Research, 6, 639-645 (1996)〕と呼ばれる方法がある。いずれの方法もフィルターあるいは基盤上にアクチンやG 3 P D H などの内部コントロールを固定化することで、対照検体と標的検体の間での増殖性糸球体腎炎関連遺伝子m R N A の発現の違いを正確に検出することができる。また対照検体と標的検体由来のR N A をもとにそれぞれ異なる標識 d N T P を用いて標識 c D N A 合成を行い、1 枚のフィルターあるいは1 枚の基盤に二つの標識 c D N A プローブを同時にハイブリダイズさせることで正確な増殖性糸球体腎炎関連遺伝子m R N A の発現量の定量を行うことができる。

RNase保護アッセイ法では、まず本発明のDNAの3、端にT7プロモーター、SP6プロモーターなどのプロモーター配列を結合し、RNAポリメラーゼを用いた in vitroの転写系により標識したrNTPを用いて、標識したアンチセンスRNAを合成する。該標識アンチセンスRNAは、検体由来RNAと結合させて、RNA-RNAハイブリッドを形成させた後、RNaseで消化し、消化から保護されたRNA断片をゲル電気泳動によりバンドを形成させ検出する。得られたバンドを定量することで、増殖性糸球体腎炎関連遺伝子mRNAの発現量を定量することができる。

6 腎疾患の原因遺伝子を検出する方法

以下に本発明の増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAを用いて腎疾患の原因遺伝子を検出する方法について述べる。

当該方法に用いられるDNAとしては、例えば配列番号1、3、5、7、9、11、13、15、17、18、19、20、21、22、23、24、25、

41

26、27、28、29、30、31、32、33、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、45、46、47、48、49、50、51、52、53、54、55、56、57、58、59、60、61、62、63、64、65、66、67、68、69、70、71、72、73、74、75、76、77、78、79、80、81、82、83、84、85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、95、96、97、98、99、100、101、102、103、104、105、106、107、108、109、1110、111、112、113、114、115、116、117、118、119、120、121、122、123、124、125、126、127、128、129、130、131、132、133、134、135、136、137、138、139、140、141、142、15.7または159に表される塩基配列を有するDNA等があげられる。

増殖性糸球体腎炎関連遺伝子座中に存在する腎疾患の原因となる変異の存在の有無を評価するための最も明確な試験は、対照集団からの遺伝子と腎疾患患者からの遺伝子とを直接比較することである。

具体的には腎疾患患者ならび健常者から、腎臓組織、血清、唾液等のヒト生体 試料あるいは、該生体試料から樹立した初代培養細胞由来の試料を集め、該生体 試料ならびに該初代培養細胞由来試料中からDNAを抽出する(以後、該DNA を検体由来DNAと称する)。該検体由来DNAあるいは、本発明のDNAが有する塩基配列に基づき設計したプライマーを用いて増幅した増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAを試料DNAとして用いることができる。別法として、該検体由来 c DNAをテンプレートとして、本発明のDNAが有する塩基配列に基づき設計したプライマーによりPCRを行うことで増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNA 配列を含むDNA断片を増幅して試料DNAとして用いることができる。

増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAに腎疾患の原因となる変異があるかどうかを検出する方法として、野生型対立遺伝子を有するDNA鎖と変異対立遺伝子を有するDNA鎖とのハイブリダイズにより形成されるヘテロ二本鎖を検出する方法を用いることができる。

ヘテロ二本鎖を検出する方法には、(1)ポリアクリルアミドゲル電気泳動によるヘテロ二本鎖検出法〔Trends Genet., 7, 5(1991)〕、(2)一本鎖コンフォメーション多型解析法〔Genomics, 16, 325-332(1993)〕、(3)ミスマッチ

の化学的切断法(CCM: chemical cleavage of mismatches) [Human Molecu lar Genetics(1996), Tom Strachan and Andrew P. Read (BIOS Scientific Pub lishers Limited)]、(4)ミスマッチの酵素的切断法 [Nature Genetics, 9, 103-104 (1996)]、(5)変性ゲル電気泳動法 [Mutat. Res., 288, 103-112 (1993)] 等の方法があげられる。

検体由来DNAあるいは検体由来 c DNAをテンプレートに、増殖性糸球体腎 炎関連遺伝子DNAを配列番号1、3、5、7、9、11、13、15、17、 18, 19, 20, 21, 22, 23, 24, 25, 26, 27, 28, 29, 30, 31, 32, 33, 34, 35, 36, 37, 38, 39, 40, 41, 42, 43, 44, 45, 46, 47, 48, 49, 50, 51, 52, 53, 54, 55, 56, 57, 58, 59, 60, 61, 62, 63, 64, 65, 66, 67, 68, 69, 70, 71, 72, 73, 74, 75, 76, 77, 78, 79, 80, 81, 82, 83, 84, 85, 86, 87, 88, 89, 90, 91, 92, 93, 94, 95, 96, 97, 98, 99, 100, 10 1, 102, 103, 104, 105, 106, 107, 108, 109, 11 0, 111, 112, 113, 114, 115, 116, 117, 118, 11 9, 120, 121, 122, 123, 124, 125, 126, 127, 12 8, 129, 130, 131, 132, 133, 134, 135, 136, 13 7、138、139、140、141、142、157または159に記載の塩 基配列に基づき設計したプライマーにより、200bpよりも小さい断片として 増幅し、ポリアクリルアミドゲル電気泳動を行う。増殖性糸球体腎炎関連遺伝子 DNAの変異によりヘテロ二本鎖が形成された場合は、変異を持たないホモ二本 鎖よりも移動度が遅く、それらは余分なバンドとして検出することができる。特 製のゲル(Hydro-link, MDEなど)を用いた方が分離度はよい。 2 00 b p よりも小さい断片の検索ならば、挿入、欠失、ほとんどの1塩基置換を 検出可能である。ヘテロ二本鎖解析は、次に述べる一本鎖コンフォメーション多 型解析と組み合わせた1枚のゲルで行うことが望ましい。

一本鎖コンフォメーション多型解析(SSCP解析: single strand conforma tion polymorphism analysis)では、検体由来DNAあるいは検体由来cDNAをテンプレートに、配列番号1、3、5、7、9、11、13、15、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、3

43

0, 31, 32, 33, 34, 35, 36, 37, 38, 39, 40, 41, 4 2, 43, 44, 45, 46, 47, 48, 49, 50, 51, 52, 53, 5 4, 55, 56, 57, 58, 59, 60, 61, 62, 63, 64, 65, 6 6, 67, 68, 69, 70, 71, 72, 73, 74, 75, 76, 77, 7 8, 79, 80, 81, 82, 83, 84, 85, 86, 87, 88, 89, 9 0, 91, 92, 93, 94, 95, 96, 97, 98, 99, 100, 101 . 102, 103, 104, 105, 106, 107, 108, 109, 110 , 111, 112, 113, 114, 115, 116, 117, 118, 119 . 120, 121, 122, 123, 124, 125, 126, 127, 128 . 129, 130, 131, 132, 133, 134, 135, 136, 137 、138、139、140、141、142、157または159記載の塩基配 列に基づき設計したプライマーにより、200bpよりも小さい断片として増幅 した増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAを変性後、未変性ポリアクリルアミドゲ ル中で泳動する。DNA増幅を行う際にプライマーを放射性同位体あるいは蛍光 色素で標識するか、または未標識の増幅産物を銀染色することにより、増幅した 増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAをバンドとして検出することができる。野牛 型のパターンとの相違を明らかにするために、コントロールの検体も同時に泳動 すると、変異を持った断片を移動度の違いから検出できる。

ミスマッチの化学的切断法(CCM法)では、検体由来DNAあるいは検体由来CDNAをデンプレートに、増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAを配列番号1、3、5、7、9、11、13、15、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、30、31、32、33、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、45、46、47、48、49、50、51、52、53、54、55、56、57、58、59、60、61、62、63、64、65、66、67、68、69、70、71、72、73、74、75、76、77、78、79、80、81、82、83、84、85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、95、96、97、98、99、100、101、102、103、104、105、106、107、108、109、110、111、112、113、114、115、116、117、118、119、120、121、122、123、124、125、126、127、128、129、130、131、1

WO 01/73022

32、133、134、135、136、137、138、139、140、141、142、157または159に記載の塩基配列に基づき設計したプライマーで増幅したDNA断片を、本発明のDNAに放射性同位体あるいは蛍光色素をとり込ませた標識DNAとハイブリダイズさせ、四酸化オスミウムで処理することでミスマッチしている場所のDNAの一方の鎖を切断させ変異を検出することができる。CCM法は最も感度の高い検出法の1つであり、キロベースの長さの検体にも適応できる。

上記四酸化オスミウムの代わりにT4ファージリゾルベースとエンドヌクレアーゼVIIのような細胞内でミスマッチの修復に関与する酵素とRNaseAと組み合わせることで、酵素的にミスマッチを切断することもできる。

変性ゲル電気泳動法(denaturing gradient gel electrophoresis:DGGE 法)では、検体由来DNAあるいは検体由来cDNAをテンプレートに、増殖性 糸球体腎炎関連遺伝子DNAを配列番号1、3、5、7、9、11、13、15 17, 18, 19, 20, 21, 22, 23, 24, 25, 26, 27, 28 . 29, 30, 31, 32, 33, 34, 35, 36, 37, 38, 39, 40 , 41, 42, 43, 44, 45, 46, 47, 48, 49, 50, 51, 52 , 53, 54, 55, 56, 57, 58, 59, 60, 61, 62, 63, 64 . 65, 66, 67, 68, 69, 70, 71, 72, 73, 74, 75, 76 . 77, 78, 79, 80, 81, 82, 83, 84, 85, 86, 87, 88 . 89, 90, 91, 92, 93, 94, 95, 96, 97, 98, 99, 10 0, 101, 102, 103, 104, 105, 106, 107, 108, 10 9, 110, 111, 112, 113, 114, 115, 116, 117, 11 8, 119, 120, 121, 122, 123, 124, 125, 126, 12 7, 128, 129, 130, 131, 132, 133, 134, 135, 13 6、137、138、139、140、141、142、157または159記 載の塩基配列に基づき設計したプライマーで増幅したDNA断片を化学的変性剤 の濃度勾配や温度勾配を有するゲルを用いて電気泳動する。増幅したDNA断片 はゲル内を一本鎖に変性する位置まで移動し、変性後は移動しなくなる。増殖性 糸球体腎炎関連遺伝子DNAに変異がある場合とない場合では増幅したDNAの ゲル内での移動度が異なることから、変異の存在を検出することが可能である。 検出感度を上げるにはそれぞれのプライマーにポリ(G:C)端末を付けるとよ

61

腎疾患の原因遺伝子を検出する別の方法として、タンパク質短縮試験(protei n truncation test: PTT法) [Genomics, 20, 1-4 (1994)] がある。該試験 によりポリペプチドの欠損を生み出すフレームシフト突然変異、スプライス部位 突然変異、ナンセンス突然変異を特異的に検出することができる。PTT法では 、配列番号1、3、5、7、9、11、13、15、17、18、19、20、 21, 22, 23, 24, 25, 26, 27, 28, 29, 30, 31, 32, 33, 34, 35, 36, 37, 38, 39, 40, 41, 42, 43, 44, 45, 46, 47, 48, 49, 50, 51, 52, 53, 54, 55, 56, 57, 58, 59, 60, 61, 62, 63, 64, 65, 66, 67, 68, 69, 70, 71, 72, 73, 74, 75, 76, 77, 78, 79, 80, 81, 82, 83, 84, 85, 86, 87, 88, 89, 90, 91, 92, 93, 94, 95, 96, 97, 98, 99, 100, 101, 102, 103 . 104, 105, 106, 107, 108, 109, 110, 111, 112 . 113, 114, 115, 116, 117, 118, 119, 120, 121 122, 123, 124, 125, 126, 127, 128, 129, 130 . 131, 132, 133, 134, 135, 136, 137, 138, 139 、140、141、142、157または159に表された塩基配列を有するD NAの5¹ 末端にT7プロモーター配列と真核生物翻訳開始配列をつないだ特殊 なプライマーを設計し、該プライマーを用いて検体由来RNAより逆転写PCR (RT-PCR) 法でcDNAを作成する。該cDNAを用い、in vitro 転写 、翻訳を行うと、ポリペプチドが生産される。該ポリペプチドをゲルに泳動して 、該ポリペプチドの泳動位置が完全長ポリペプチドに相当する位置にあれば欠損 を生み出す変異は存在せず、該ポリペプチドに欠損がある場合は、完全長ポリペ プチドより短い位置に該ポリペプチドは泳動され、該位置より欠損の程度を知る ことができる。

検体由来DNAならびに検体由来 c DNAの塩基配列を決定するために本発明のDNAが有する塩基配列に基づいて設計したプライマーを用いることが可能である。 決定された塩基配列を解析することにより、検体由来DNAあるいは検体由来 c DNAに腎疾患の原因となる変異があるか否かを判別できる。

増殖性糸球体腎炎関連遺伝子のコード領域以外の変異は、該遺伝子の付近また

はその中のイントロンおよび調節配列のような、非コード領域を検査することによって検出し得る。非コード領域中の変異に起因する腎疾患は、上記に記載した方法に従い対照検体と比較した場合の、腎疾患患者における異常なサイズの、または異常な生産量のmRNAを検出することで確認することができる。

このようにして非コード領域における変異の存在が示唆された該遺伝子につい ては、配列番号1、3、5、7、9、11、13、15、17、18、19、2 0, 21, 22, 23, 24, 25, 26, 27, 28, 29, 30, 31, 3 2, 33, 34, 35, 36, 37, 38, 39, 40, 41, 42, 43, 4 4, 45, 46, 47, 48, 49, 50, 51, 52, 53, 54, 55, 5 6, 57, 58, 59, 60, 61, 62, 63, 64, 65, 66, 67, 6 8, 69, 70, 71, 72, 73, 74, 75, 76, 77, 78, 79, 8 0, 81, 82, 83, 84, 85, 86, 87, 88, 89, 90, 91, 9 2, 93, 94, 95, 96, 97, 98, 99, 100, 101, 102, 1 03, 104, 105, 106, 107, 108, 109, 110, 111, 1 12, 113, 114, 115, 116, 117, 118, 119, 120, 1 21, 122, 123, 124, 125, 126, 127, 128, 129, 1 30, 131, 132, 133, 134, 135, 136, 137, 138, 1 39、140、141、142、157または159に記載の塩基配列を有する DNAをハイブリダイゼイションのプローブとして用いることにより、クローン 化することができる。非コード領域における変異は上述のいずれかの方法に準じ て探索することができる。

見い出された変異は、Handbook of Human Genetics Linkage. The John Hopkins University Press, Baltimore (1994)に記載された方法に従い統計処理を行うことで、腎疾患との連鎖があるSNPs (シングル・ヌクレオチド・ポリモルフィズム) として同定することができる。また、腎疾患の病歴を持つ家族から、先に示した方法に従いDNAを取得し、変異を検出することで、腎疾患の原因遺伝子を同定することができる。

7 増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAを用いて腎疾患の発生の可能性および予 後を診断する方法

当該方法に用いられるDNAとしては、例えば配列番号1、3、5、7、9、11、13、15、17、18、19、20、21、22、23、24、25、

47

26、27、28、29、30、31、32、33、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、45、46、47、48、49、50、51、52、53、54、55、56、57、58、59、60、61、62、63、64、65、66、67、68、69、70、71、72、73、74、75、76、77、78、79、80、81、82、83、84、85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、95、96、97、98、99、100、101、102、103、104、105、106、107、108、109、110、111、112、113、114、115、116、117、118、119、120、121、122、123、124、125、126、127、128、129、130、131、132、133、134、135、136、137、138、139、140、141、142、157または159に表される塩基配列を有するDNAもしくはそれらから得られるDNA断片等があげられる。

腎疾患の原因は、ヒトのいずれかの組織における遺伝子の変異を検出することによって確認し得る。例えば、生殖細胞系に変異がある場合、当該変異を遺伝した個人は、腎疾患を発症し易い傾向である可能性がある。当該変異は、該個人の体のいずれかの組織からのDNAを試験することによって検出し得る。例えば、採血しその血液の細胞からDNAを抽出し、このDNAを用い、遺伝子の変異を試験することにより、腎疾患を診断することができる。また、胎児細胞、胎盤細胞または羊膜細胞を用い、遺伝子の変異を試験することにより、出生前診断を行うことができる。

また腎疾患を発症した患者から、病巣部位の生体組織を取得してDNAを試験することにより、腎疾患の種類を診断し、投与する薬物の選択などに利用することができる。組織中の遺伝子の変異を検出するためには、周囲の正常組織から遊離した病巣部位の組織を単離することが有用である。腎疾患患者の腎臓はバイオプシーにより摘出することができる。このようにして取得した組織をトリプシンなどで処理し、得られた細胞を適当な培地で培養する。培養した細胞からは染色体DNAならびにmRNAを抽出することができる。

以後、診断を目的としてヒト検体から上記いずれかの方法で取得したDNAを 診断検体由来DNAと称する。また、診断を目的としてヒト検体から上記いずれ かの方法で取得したRNAより合成したcDNAを診断検体由来cDNAと称す る。

増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAおよび診断検体由来DNAあるいは診断検体由来 c DNAを用い、上記腎疾患の原因遺伝子を検出する方法に準じた方法により、腎疾患の診断を行うことができる。

また、増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAおよび診断検体由来DNAあるいは 診断検体由来 c DNAを利用した腎疾患の診断には(1)制限酵素部位の検出、 (2)対立遺伝子特異的なオリゴヌクレオチドプローブを利用する方法(ASO

(2) 対立遺伝子特異的なオリコメクレオテトプロープを利用する方法(ASO: allele specific oligonucleotide hybridization)、(3)対立遺伝子特異的なオリゴヌクレオチドを用いたPCR(ARMS:amplification refractory mutation system)、(4)オリゴヌクレオチドライゲーションアッセイ(OLA: oligonucleotide ligation assay)、(5)PCR-PHFA法(PCR-preferential homoduplex formation assay)、(6)オリゴDNAアレイを用いる方法〔タンパク質核酸酵素、43,2004-2011(1998)〕等の方法も用いることができる。

単一塩基変化により制限酵素部位が消失あるいは発生する場合は、診断検体由来DNAあるいは診断検体由来cDNAを、本発明のDNAが有する配列に基づき設計したプライマーで増幅し、該制限酵素で消化し、得られた制限酵素切断DNA断片を正常人の場合と比較することで簡便に変異を検出することができる。しかし単一塩基変化が起こることはまれであるので、診断目的には、本発明のDNAが有する配列情報ならびに別途同定された変異の情報を組合せることでオリゴヌクレオチドプローブを設計し、該オリゴヌクレオチドプローブをフィルターに結合させハイブリダイズを行うリバースドットブロット法で変異を検出する。

短い合成DNAプローブは、完全に対合する配列とだけハイブリダイズする。この特徴を利用して、対立遺伝子特異的なオリゴヌクレオチドプローブ(ASO)を用いて、1塩基の変異を容易に検出することができる。診断目的には、本発明のDNAが有する配列と同定された変異に基づき設計したオリゴヌクレオチドをフィルターに結合させ、診断検体由来DNAあるいは診断検体由来cDNAから本発明のDNAが有する配列を用いて設計したプライマーと標識したdNTPを用いたPCRで作成したプローブを用いてハイブリダイズを行うリバースドットブロットが用いられることが多い。スライドガラスやシリコンなどの基盤に直接、本発明のDNAが有する配列と該変異に基づき設計したオリゴヌクレオチド

WO 01/73022

を合成して、高密度のアレイをつくったDNAチップ法は、少量の診断検体由来 DNAあるいは診断検体由来 c DNAについて多様な変異をより簡便に検出でき るため大規模な診断目的に適した変異検出法である。

塩基変異は、以下のオリゴヌクレオチドライゲーションアッセイ(OLA)法によっても検出できる。

変異部位を挟んで両側にハイブリダイズする本発明のDNAが有する配列より設計した20塩基程度のオリゴヌクレオチドを2本作成する。診断検体由来DNAあるいは診断検体由来cDNAをテンプレートとして用い、増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAが有する配列から設計したプライマーを用い、PCRにより増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNA断片を増幅する。該増幅断片と上記オリゴヌクレオチドとをハイブリダイズさせる。ハイブリダイズ後に、DNAリガーゼで2本のオリゴヌクレオチドを連結させる。例えば、一方のオリゴヌクレオチドにはビオチンを、他方のオリゴヌクレオチドにジゴケシゲニンのような異なる標識をつけると、連結反応が起こったかどうかを速やかに検出することが可能である。OLAは電気泳動や遠心分離操作が不要なために、多くのサンプルを効率的に短期間で診断するのに適した変異検出法である。

また、以下のPCR-PHFA法により微量な変異遺伝子を定量的かつ容易に 検出することができる。

PCR-PHFA法は、遺伝子増幅法(PCR)、非常に高い特異性を示す液相でのハイブリダイゼイション、ELISAと同様の操作でPCR産物を検出するED-PCR(enzymatic detection of PCR product)の3つを組み合わせたものである。dinitrophenyl(DNP)標識およびビオチン標識したプライマーセットを用いて、本発明のDNAをテンプレートにPCR増幅を行い、両末端標識増幅物を調製する。これに対して、標識を持たない同じ配列を有するプライマーセットと診断検体由来DNAあるいは診断検体由来cDNAをテンプレートに増幅して得た非標識増幅物を20~100倍の大過剰量混合する。そして熱変性後、1 C/5分~10分程度の緩やかな温度勾配で冷却し、完全な相補鎖を優先的に形成させる。こうして再形成された標識DNAはビオチンを介してストレプトアビジン固定化ウエルに捕獲吸着し、DNPを介して酵素標識抗DNP抗体を結合させて酵素による発色反応により検出する。検体中に標識DNAと同じ配列の遺伝子が存在しない場合は、元の2本鎖の標識DNAが優先的に再形成されて

発色を示す。これに対し、同じ配列の遺伝子が存在する場合は、相補鎖の置換が ランダムに生じるため再形成される標識DNAは減少するので、発色は著しく低 下する。これにより、既知の変異・多型遺伝子の検出・定量が可能となる。

8 増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを特異的に認識する抗体を用いて増殖性 糸球体腎炎関連ポリペプチドを免疫学的に検出定量する方法

本発明の増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを特異的に認識する抗体(ポリクローナル抗体、あるいはモノクローナル抗体)を用いて、増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを細胞内あるいは細胞外に発現した微生物、動物細胞あるいは昆虫細胞または組織を、免疫学的に検出および定量する方法としては、蛍光抗体法、酵素免疫測定法(ELISA法)、放射性物質標識免疫抗体法(RIA)、免疫組織染色法や免疫細胞染色法などの免疫組織化学染色法(ABC法、CSA法等)、ウェスタンブロッティング法、ドットブロッティング法、免疫沈降法、サンドイッチELISA法〔単クローン抗体実験マニュアル(講談社サイエンティフィック)(1987)、続生化学実験講座 5 免疫生化学研究法(東京化学同人)(1986)〕などがあげられる。

蛍光抗体法とは、増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを細胞内あるいは細胞外に発現した微生物、動物細胞あるいは昆虫細胞または組織に、本発明の抗体を反応させ、さらにフルオレシン・イソチオシアネート(FITC)などの蛍光物質でラベルした抗マウスIgG抗体あるいはその断片を反応させた後、蛍光色素をフローサイトメーターで測定する方法である。

酵素免疫測定法(ELISA法)とは、増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを 細胞内あるいは細胞外に発現した微生物、動物細胞あるいは昆虫細胞または組織 に、本発明の抗体を反応させ、さらにペルオキシダーゼ、ビオチンなどの酵素標 識などを施した抗マウスIgG抗体あるいは結合断片を反応させた後、発色色素 を吸光光度計で測定する方法である。

放射性物質標識免疫抗体法(RIA)とは、増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを細胞内あるいは細胞外に発現した微生物、動物細胞あるいは昆虫細胞または組織に、本発明の抗体を反応させ、さらに放射線標識を施した抗マウスIgG抗体あるいはその断片を反応させた後、シンチレーションカウンターなどで測定する方法である。

免疫細胞染色法、免疫組織染色法とは、増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを

51

細胞内あるいは細胞外に発現した微生物、動物細胞あるいは昆虫細胞または組織に、増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを特異的に認識する抗体を反応させ、さらにFITCなどの蛍光物質、ペルオキシダーゼ、ビオチンなどの酵素標識を施した抗マウスIgG抗体あるいはその断片を反応させた後、顕微鏡を用いて観察する方法である。

ウェスタンブロッティング法とは、増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを細胞内あるいは細胞外に発現した微生物、動物細胞あるいは昆虫細胞または組織の抽出液をSDS-ポリアクリルアミドゲル電気泳動〔Antibodies-A Laboratory Manual, Cold Spring Harbor Laboratory, (1988)〕で分画した後、該ゲルをPVDF膜あるいはニトロセルロース膜にブロッティングし、該膜に本発明の増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを特異的に認識する抗体を反応させ、さらにFITCなどの蛍光物質、ペルオキシダーゼ、ビオチンなどの酵素標識を施した抗マウスIgG抗体あるいはその断片を反応させた後、確認する方法である。

ドットブロッティング法とは、増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを細胞内あるいは細胞外に発現した微生物、動物細胞あるいは昆虫細胞または組織の抽出液をニトロセルロース膜にブロッティングし、該膜に本発明の抗体を反応させ、さらにFITCなどの蛍光物質、ペルオキシダーゼ、ビオチンなどの酵素標識を施した抗マウスIgG抗体あるいは結合断片を反応させた後、確認する方法である

・免疫沈降法とは、本発明のポリペプチドを細胞内あるいは細胞外に発現した微生物、動物細胞あるいは昆虫細胞または組織の抽出液を本発明の増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを特異的に認識する抗体と反応させた後、プロテインGーセファロース等イムノグロブリンに特異的な結合能を有する担体を加えて抗原抗体複合体を沈降させる方法である。

サンドイッチELISA法とは、本発明の増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを特異的に認識する抗体で、抗原認識部位の異なる2種類の抗体のうち、あらかじめ一方の抗体をプレートに吸着させ、もう一方の抗体をFITCなどの蛍光物質、ペルオキシダーゼ、ビオチンなどの酵素で標識しておき、抗体吸着プレートに、増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを細胞内あるいは細胞外に発現した微生物、動物細胞あるいは昆虫細胞または組織の抽出液を反応させた後、標識した抗体を反応させ、標識物質に応じた反応を行う方法である。

9 増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを特異的に認識する抗体を用いて腎疾患を診断する方法

ヒト生体試料ならびヒト初代培養細胞での、増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドの発現量の変化ならびに発現しているポリペプチドの構造変化を同定することは、将来腎疾患を発症する危険性や既に発症した腎疾患の原因を知る上で有用である。

増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドの発現量や構造変化を検出して診断する方法としては、上記した、蛍光抗体法、酵素免疫測定法(ELISA法)、放射性物質標識免疫抗体法(RIA)、免疫組織染色法や免疫細胞染色法などの免疫組織化学染色法(ABC法、CSA法等)、ウェスタンブロッティング法、ドットブロッティング法、免疫沈降法、サンドイッチELISA法などがあげられる。

上記方法による診断に供する検体としては、患者より取得した腎臓病巣部位の組織、血液、血清、尿、便、唾液などの生体試料そのものあるいは、該生体試料から取得した細胞ならびに細胞抽出液が用いられる。また、生体試料から取得した組織を、パラフィンあるいはクリオスタット切片として単離したものを用いることもできる。

10 増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチド、該ポリペプチドをコードするDNA または該ポリペプチドを認識する抗体を用いて腎疾患の治療薬をスクリーニング する方法

当該スクリーニング方法において用いられるDNAとしては、例えば配列番号
1、3、5、7、9、11、13、15、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、30、31、32、33、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、45、46、47、48、49、50、51、52、53、54、55、56、57、58、59、60、61、62、63、64、65、66、67、68、69、70、71、72、73、74、75、76、77、78、79、80、81、82、83、84、85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、95、96、97、98、99、100、101、102、103、104、105、106、107、108、109、110、111、112、113、114、115、116、117、118、119、120、121、122、123、124、125、126、127、128、129、130、131、

53

132、133、134、135、136、137、138、139、140、141、142、157または159に表される塩基配列を有するDNAがあげられ、ポリペプチドとしては、配列番号2、4、6、8、10、12、14、16、158または160に表されるアミノ酸配列から選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチド、あるいは、該ポリペプチドの有するアミノ酸とは1以上のアミノ酸が欠失、置換または付加したアミノ酸配列からなり、かつ腎疾患病変の形成と修復に関与する活性を有するポリペプチドがあげられ、抗体としては、該ポリペプチドを認識する抗体があげられる。

本発明の増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAを導入して本発明の増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドあるいは増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドの一部を構成するポリペプチドを生産するように形質転換した微生物、動物細胞、または昆虫細胞ならびに、精製した増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドあるいは増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドに特異的に作用する薬剤をスクリーニングするために有用である。スクリーニングにより得られた薬剤は、腎疾患の治療に有用である。

上記スクリーニングの1つの方法は、本発明の増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドあるいは増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドの一部を構成するポリペプチドを生産するように形質転換した微生物、動物細胞、または昆虫細胞(以後探索用形質転換体と称する)に特異的に結合する標的化合物を選択することである。形質転換していない微生物、動物細胞、または昆虫細胞を対照群として比較することで、特異的な標的化合物を検出することができる。また、該探索用形質転換体に特異的に結合する化合物あるいはポリペプチドの該探索用形質転換体に対する結合を阻害することを指標に、標的化合物を競合スクリーニングすることができる。

精製した本発明の増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドまたは増殖性糸球体腎炎 関連ポリペプチドの一部を構成するポリペプチドは、増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドに特異的に結合する標的化合物を選択するのに用いることができる。標 的化合物を定量するには、本発明の増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを特異的 に認識する抗体を用いて上記の免疫学的方法により行うことができる。また、増 殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドあるいは増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドに 結合する標的化合物の該ポリペプチドあるいは増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチ ドに対する結合を阻害することを指標に、標的化合物を競合スクリーニングする ことができる。

上記スクリーニングのもう1つの方法としては、増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドの一部を構成するペプチドを多数、プラスチックピンまたはある種の固体支持体上で高密度に合成し、該ペプチドに選択的に結合する化合物あるいはポリペプチドを効率的にスクリーニングする方法がある(W084/03564)。

腎臓由来の細胞株で、増殖性糸球体腎炎関連遺伝子mRNAあるいは増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドの発現を促進する発現調節用薬剤も、腎疾患の治療に有効である。

腎臓由来の細胞株に種々の被検化合物を添加し、本発明の増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAを用いて、増殖性糸球体腎炎関連遺伝子mRNAの発現の増減を検定することで増殖性糸球体腎炎関連遺伝子の転写もしくは翻訳を抑制または促進する物質をスクリーニングすることができる。増殖性糸球体腎炎関連遺伝子mRNAの発現の増減は、上記したPCR法、ノーザンブロット法、RA ase 保護アッセイ法により検出できる。

腎臓由来細胞株に種々の被検化合物を添加し、本発明の増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを特異的に認識する抗体を用いて、増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドの発現の増減を検定することで増殖性糸球体腎炎関連遺伝子の転写もしくは翻訳を促進する物質をスクリーニングすることができる。増殖性糸球体腎炎関連蛋白の発現の増減は、上記した蛍光抗体法、酵素免疫測定法(ELISA法)、放射性物質標識免疫抗体法(RIA)、免疫組織染色法、免疫細胞染色法などの免疫組織化学染色法(ABC法、CSA法等)、ウェスタンブロッティング法、ドットブロッティング法、免疫沈降法、サンドイッチELISA法により検出できる。

上述の方法により取得した化合物は、Thy-1腎炎ラット、抗GBM腎炎、血清病型腎炎、PAN腎症、ダウノマイシン腎症、5/6腎摘出ラット、自然発症ループス腎炎などの腎疾患モデル動物に薬剤として投与し、該動物の尿中ポリペプチドやアルブミンを測定することにより、該化合物のその腎疾患への治療効果を評価することが可能である

11 増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを特異的に認識する抗体を用いて腎臓 に特異的に薬物を輸送する方法(ドラッグデリバリー方法) WO 01/73022

当該ドラッグデリバリー方法に用いられる抗体は、本発明の増殖性糸球体腎炎 関連ポリペプチドを認識する抗体であればいずれでも良いが、特にヒト化抗体を 用いることが望ましい。

ヒト化抗体としては、ヒト型キメラ抗体、ヒト型CDR (Complementary Determining Region:相補性決定領域;以下、CDRと記す)移植抗体などがあげられる。

ヒト型キメラ抗体は、ヒト以外の動物の抗体重鎖可変領域(以下、重鎖はH鎖として、可変領域はV領域としてHVまたはVHとも称す)および抗体軽鎖可変領域(以下、軽鎖はL鎖としてLVまたはVLとも称す)とヒト抗体の重鎖定常領域(以下、定常領域はC領域としてCHとも称す)およびヒト抗体の軽鎖定常領域(以下、CLとも称す)とからなる抗体を意味する。ヒト以外の動物としては、マウス、ラット、ハムスター、ラビット等、モノクローナル抗体産生ハイブリドーマを作製することが可能であれば、いかなるものも用いることができる。

本発明のヒト型キメラ抗体は、増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドに結合し、本発明のポリペプチドの作用を中和するモノクローナル抗体を生産するハイブリドーマより、VHおよびVLをコードするcDNAを取得し、ヒト抗体CHおよびヒト抗体CLをコードする遺伝子を有する動物細胞用発現ベクターにそれぞれ挿入してヒト型キメラ抗体組換えベクターを構築し、動物細胞へ導入することにより発現させ製造することができる。

ヒト型キメラ抗体のCHとしては、ヒトイムノグロブリン(以下、h I g と表記する)に属すればいかなるものでもよいが、h I g G d クラスのものが好適であり、更にh I d G d クラスに属するd I d G d といったサブクラスのいずれも用いることができる。また、ヒト型キメラ抗体のd C L としては、d A I d G d に属すればいかなるものでもよく、d クラスのものを用いることができる。

ヒト型CDR移植抗体は、ヒト以外の動物の抗体のVHおよびVLのCDRのアミノ酸配列をヒト抗体のVHおよびVLの適切な位置に移植した抗体を意味する。

本発明の ヒト型CDR移植抗体は、本発明の増殖性糸球体腎炎関連ポリペプ チドに反応し、本発明の増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドに結合し、本発明の 増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドの作用を中和する、ヒト以外の動物の抗体の VHおよびVLのCDR配列で任意のヒト抗体のVHおよびVLのCDR配列を それぞれ置換したV領域をコードするcDNAを構築し、ヒト抗体のCHおよ びヒト抗体のCLをコードする遺伝子を有する動物細胞用発現ベクターにそれぞ れ挿入してヒト型CDR移植抗体組換えベクターを構築し、動物細胞へ導入し、 発現させることにより製造することができる。

ヒト型CDR移植抗体のCHとしては、hIgに属すればいかなるものでもよいが、hIgGクラスのものが好適であり、更にhIgGクラスに属するhIgG1、hIgG2、hIgG3、hIgG4といったサブクラスのいずれも用いることができる。また、ヒト型CDR移植抗体のCLとしては、hIgに属すればいかなるものでもよく、 κ クラスあるいは λ クラスのものを用いることができる。

ヒト抗体は、元来、ヒトの体内に天然に存在する抗体を意味するが、最近の遺伝子工学的、細胞工学的、発生工学的な技術の進歩により作製されたヒト抗体ファージライブラリーおよびヒト抗体産生トランスジェニック動物から得られる抗体等も含まれる。

ヒトの体内に存在する抗体は、例えば、以下の方法により取得することができる。

ヒト末梢血リンパ球を単離し、EBウイルス等を感染させ不死化させた後、クローニングする。得られた目的とする抗体を産生するリンパ球を培養し、培養物中より該抗体を取得することができる。

ヒト抗体ファージライブラリーは、ヒトB細胞から調製した抗体遺伝子をファージ遺伝子に挿入することによりFab、一本鎖抗体等の抗体断片をファージ表面に発現させたライブラリーである。該ライブラリーより、抗原を固定化した基質に対する結合活性を指標として所望の抗原結合活性を有する抗体断片を発現しているファージを回収することができる。該抗体断片は、更に遺伝子工学的手法により、完全型ヒト抗体へ変換することができる。

ヒト抗体産生トランスジェニック動物は、ヒト抗体遺伝子が細胞内に組込まれた動物を意味する。具体的には、マウスES細胞ヘヒト抗体遺伝子を導入し、該 ES 細胞を他のマウスの初期胚へ移植後、発生させることによりヒト抗体産生トランスジェニック動物を作製することができる。ヒト抗体産生トランスジェニック動物からのヒト抗体の作製方法としては、通常のヒト以外の哺乳動物で行われ

ているハイブリドーマ作製方法によりヒト抗体産生ハイブリドーマを得、培養することで培養物中にヒト抗体を産生蓄積させる方法があげられる。

抗体断片としては、Fab、Fab'、F(ab') 2、一本鎖抗体、ジスルフィド安定化V領域断片(以下、dsFvとも称す)、CDRを含むペプチドなどがあげられる。

Fabは、IgGをタンパク質分解酵素パパインで処理して得られる断片のうち (H鎖の224番目のアミノ酸残基で切断される)、H鎖のN末端側約半分とL鎖全体がジスルフィド結合で結合した分子量約5万の抗原結合活性を有する抗体断片である。

本発明のFabは、本発明のポリペプチドに特異的に反応する抗体をタンパク質分解酵素パパインで処理して得ることができる。また、該抗体のFabをコードするDNAを原核生物用発現ベクターあるいは真核生物用発現ベクターに挿入後、該ベクターを原核生物あるいは真核生物へ導入し、該DNAを発現させることによりFabを取得することができる。

F(ab') 2は、IgGをタンパク質分解酵素ペプシンで処理して得られる 断片のうち(H鎖の234番目のアミノ酸残基で切断される)、Fabがヒンジ 領域のジスルフィド結合を介して結合されたものよりやや大きい、分子量約10 万の抗原結合活性を有する抗体断片である。

本発明のF(ab') 2は、本発明のポリペプチドに特異的に反応する抗体をタンパク質分解酵素ペプシンで処理して得ることができる。また、該抗体のF(ab') 2をコードするDNAを原核生物用発現ベクターあるいは真核生物用発現ベクターに挿入後、該ベクターを原核生物あるいは真核生物へ導入し、該DNAを発現させることにより、Fab'を取得することができる。

Fab'は、上記F(ab')2のヒンジ領域のジスルフィド結合を切断した 分子量約5万の抗原結合活性を有する抗体断片である。

本発明のFab'は、本発明のポリペプチドに特異的に反応する抗体を還元剤ジチオスレイトール処理して得ることができる。また、該抗体のFab'断片をコードするDNAを原核生物用発現ベクターあるいは真核生物用発現ベクターに挿入後、該ベクターを原核生物あるいは真核生物へ導入し、該DNAを発現させることにより、Fab'を取得することができる。

一本鎖抗体(以下、scFvとも称す)は、一本のVHと一本のVLとを適当

なペプチドリンカー(以下、Pと称す)を用いて連結した、VH-P-VLないしはVL-P-VHポリペプチドを示す。本発明で使用されるscFvに含まれるVHおよびVLは、本発明のポリペプチドに特異的に反応する抗体、例えば、ヒト化抗体またはヒト抗体から由来したものを用いることができる。

本発明の一本鎖抗体は、以下の方法により取得できる。

本発明のポリペプチドに特異的に反応する抗体のVHおよびVLをコードする c DNAを取得後、一本鎖抗体をコードするDNAを構築する。該DNAを原核 生物用発現ベクターあるいは真核生物用発現ベクターに挿入後、該組換えベクターを原核生物あるいは真核生物へ導入し、該DNAを発現させることにより、一本鎖抗体を取得することができる。

ジスルフィド安定化 V 領域断片(dsFv)は、VH およびVL 中のそれぞれ 1 アミノ酸残基をシステイン残基に置換したポリペプチドを該システイン残基間 のジスルフィド結合を介して結合させたものをいう。システイン残基に置換する アミノ酸残基は Reiter らにより示された方法〔Protein Engineering, 7, 697(1994)〕に従って、抗体の立体構造予測に基づいて選択することができる。本発 明で使用される dsFv に含まれる VH およびVL は本発明のポリペプチドに特 異的に反応する抗体、例えば、ヒト化抗体またはヒト抗体から由来するものを用 いることができる。

本発明のジスルフィド安定化 V 領域断片(dsFv)は、以下の方法により取得することができる。

本発明のポリペプチドに特異的に反応する抗体のVHおよびVLをコードする c DNAを取得後、 d s F v をコードするDNAを構築する。該DNAを原核 生物用発現ベクターあるいは真核生物用発現ベクターに挿入後、該組換えベクターを原核生物あるいは真核生物へ導入し、該DNAを発現させることにより、 d s F v を取得することができる。

CDRを含むペプチドは、Fmoc法、tBoc法等の化学合成法によって製造することができる。

本発明の抗体により調製された以下に述べる融合抗体は、腎臓の病巣に薬剤やタンパク質を運ぶ、ドラッグデリバリーに用いることができる。

融合抗体は、本発明のポリペプチドに特異的に反応する抗体、例えば、ヒト化抗体、ヒト抗体およびそれらの抗体断片に放射性同位元素、ポリペプチド、低分

子化合物等の薬剤などを化学的あるいは遺伝子工学的に結合させた抗体をいう。

本発明の融合抗体は、本発明のポリペプチドに特異的に反応する抗体および抗体断片のH鎖或いはL鎖のN末端側或いはC末端側、抗体および抗体断片中の適当な置換基あるいは側鎖、さらには抗体および抗体断片中の糖鎖に放射性同位元素、ポリペプチドあるいは低分子化合物等の薬剤などを化学的あるいは遺伝子工学的に結合させることにより製造することができる。

放射性同位元素としては、¹³¹I、¹²⁵I等があげられ、例えば、クロラミンT法等により、抗体または抗体断片に結合させることができる。

低分子化合物としては、ナイトロジェン・マスタード、サイクロフォスファミドなどのアルキル化剤、5ーフルオロウラシル、メソトレキセートなどの代謝拮抗剤、ダウノマイシン、ブレオマイシン、マイトマイシンC、ダウノルビシン、ドキソルビシンなどの抗生物質、ビンクリスチン、ビンブラスチン、ビンデシンのような植物アルカロイド、タモキシフェン、デキサメタソンなどのホルモン剤等の抗癌剤 [臨床腫瘍学(日本臨床腫瘍研究会編 1996年 癌と化学療法社)〕、またはハイドロコーチゾン、プレドニゾンなどのステロイド剤、アスピリン、インドメタシンなどの非ステロイド剤、金チオマレート、ペニシラミンなどの免疫調節剤、サイクロフォスファミド、アザチオプリンなどの免疫抑制剤、マレイン酸クロルフェニラミン、クレマシチンのような抗ヒスタミン剤等の抗炎症剤 [炎症と抗炎症療法 昭和57年 医歯薬出版株式会社] などがあげられる。

定法により上記抗体に低分子化合物を結合させることができるが、例えば、ダウノマイシンと抗体を結合させる方法としては、グルタールアルデヒドを介してダウノマイシンと抗体のアミノ基間を結合させる方法、水溶性カルボジイミドを介してダウノマイシンのアミノ基と抗体のカルボキシル基を結合させる方法等があげられる。

ポリペプチドとしては、免疫担当細胞を活性化するサイトカインや血管内皮、血管平滑筋等の増殖制御因子が好適であり、例えば、ヒトインターロイキン2、ヒト顆粒球ーマクロファージーコロニー刺激因子、ヒトマクロファージコロニー刺激因子、ヒトインターロイキン12、線維芽細胞増殖因子-2(FGF-2)

、血小板由来増殖因子(PDGF)等があげられる。

ポリペプチドとの融合抗体は、以下の方法により取得できる。

抗体または抗体断片をコードするcDNAにポリペプチドをコードするcDN

Aを連結させて、融合抗体をコードするDNAを構築する。該DNAを原核生物 あるいは真核生物用発現ベクターに挿入後、該組換えベクターを原核生物あるい は真核生物へ導入し、該DNAを発現させることにより、融合抗体を取得するこ とができる。

12 増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを含有する腎疾患治療薬

本発明の増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドは腎炎をはじめとする腎疾患において、腎臓の構造ならびに機能を再構築するのに用いることができる。

本発明の増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを含有する腎疾患治療薬は、有効成分として該ポリペプチドのみを含むものであってもよいが、通常薬理学的に許容される1以上の担体と一緒に混合し、製剤学の技術分野においてよく知られる任意の方法により製剤した医薬製剤として提供するのが望ましい。

投与経路は、治療に際して最も効果的なものを使用するのが望ましく、経口投与、または口腔内、気道内、直腸内、皮下、筋肉内および静脈内等の非経口投与をあげることができる。投与形態としては、噴霧剤、カプセル剤、錠剤、顆粒剤、シロップ剤、乳剤、座剤、注射剤、軟膏、テープ剤等があげられる。

経口投与に適当な製剤としては、乳剤、シロップ剤、カプセル剤、錠剤、散剤、顆粒剤等があげられる。例えば乳剤およびシロップ剤のような液体調製物は、水、ショ糖、ソルビトール、果糖等の糖類、ポリエチレングリコール、プロピレングリコール等のグリコール類、ごま油、オリーブ油、大豆油などの油類、pーヒドロキシ安息香酸エステル類等の防腐剤、ストロベリーフレーバー、ペパーミント等のフレーバー類等を添加剤として用いて製造できる。カプセル剤、錠剤、散剤、顆粒剤等は、乳糖、ブドウ糖、ショ糖、マンニトール等の賦形剤、デンプン、アルギン酸ナトリウム等の崩壊剤、ステアリン酸マグネシウム、タルク等の滑沢剤、ポリビニルアルコール、ヒドロキシプロピルセルロース、ゼラチン等の結合剤、脂肪酸エステル等の界面活性剤、グリセリン等の可塑剤等を添加剤として用いて製造できる。

非経口投与に適当な製剤としては、注射剤、座剤、噴霧剤等があげられる。例えば、注射剤は、塩溶液、ブドウ糖溶液、あるいは両者の混合物からなる担体等を用いて調製する。座剤はカカオ脂、水素化脂肪またはカルボン酸等の担体を用いて調製される。また、噴霧剤は該ポリペプチドそのもの、ないしは受容者の口腔および気道粘膜を刺激せず、かつ該ポリペプチドを微細な粒子として分散させ

吸収を容易にさせる担体等を用いて調製する。担体として具体的には乳糖、グリセリン等が例示される。該ポリペプチドおよび用いる担体の性質により、エアロゾル、ドライパウダー等の製剤が可能である。また、これらの非経口剤においても経口剤で添加剤として例示した成分を添加することもできる。

投与量または投与回数は、対象疾患の種類、投与方法、治療期間、年齢、体重等により異なるが、通常成人1日当たり 10μ g/kg \sim 8mg/kgである。

13 増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAを含有する遺伝子治療剤

本発明の増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAを含有するウイルスベクターを用いた遺伝子治療剤は、上記4項で作製した組換えウイルスベクターおよび遺伝子治療剤に用いる基剤を調合することにより製造することができる [Nature Genet., 8, 42(1994)]。

遺伝子治療剤に用いる基剤としては、通常注射剤に用いる基剤であればどのようなものでもよく、蒸留水、塩化ナトリウム又は塩化ナトリウムと無機塩との混合物等の塩溶液、マンニトール、ラクトース、デキストラン、グルコース等の糖溶液、グリシン、アルギニン等のアミノ酸溶液、有機酸溶液又は塩溶液とグルコース溶液との混合溶液等があげられる。また常法に従い、これらの基剤に浸透圧調整剤、pH調整剤、ゴマ油、ダイズ油等の植物油又はレシチンもしくは非イオン界面活性剤等の界面活性剤等の助剤を用いて、溶液、懸濁液、分散液として注射剤を調製してもよい。これらの注射剤を、粉末化、凍結乾燥等の操作により用時溶解用製剤として調製することもできる。本発明の遺伝子治療剤は、液体の場合はそのままで、個体の場合は必要により滅菌処理をした上記の基剤に遺伝子治療の直前に溶解して治療に使用することができる。本発明の遺伝子治療剤の投与方法としては、患者の治療部位の腎臓に吸収されるように、局所的に投与する方法をあげることができる。

より特異的に腎臓病巣にウイルスベクターを輸送するシステムとして、BMP - 7 受容体を特異的に認識する一本鎖抗体とレトロウイルスベクターのEnv蛋白の融合蛋白を用いる方法がある〔Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 92, 7570-7574 (1995)〕。本システムはレトロウイルスベクターに限定されず、レンチウイルスベクター等にも応用することができる。

適当なサイズの本発明の増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAを、アデノウイルス・ヘキソンポリペプチドに特異的なポリリジン-コンジュゲート抗体と組み合

わせてコンプレックスを作製し、得られたコンプレックスをアデノウイルスベクターに結合させることにより、ウイルスベクターを調製することができる。該ウイルスベクターは安定に標的細胞に到達し、エンドソームにより細胞内に取り込まれ、細胞内で分解され効率的に遺伝子を発現させることができる。

(一)鎖RNAウイルスであるセンダイウイルスをベースにしたウイルスベクターも開発されており(WO97/16538、WO97/16539)、遺伝子治療を目的としてKRGF-1遺伝子を組み込んだセンダイウイルスベクターを作製することができる。

増殖性糸球体腎炎関連遺伝子DNAは、非ウイルス遺伝子移入法によっても腎臓病巣に輸送することができる。

当該分野で公知の非ウイルス遺伝子移入法には、リン酸カルシウム共沈法〔Vi rology, 52, 456-467 (1973); Science, 209, 1414-1422 (1980)]、マイクロイ ンジェクション法 (Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 77, 5399-5403 (1980); Proc . Natl. Acad. Sci. USA, 77, 7380-7384 (1980); Cell, 27, 223-231 (1981); Nature, 294, 92-94(1981)〕、リポソームを介した膜融合-介在移入法〔Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 84, 7413-7417 (1987); Biochemistry, 28, 9508-9514 (1989); J. Biol. Chem., 264, 12126-12129 (1989); Hum. Gene Ther., 3, 26 7-275, (1992); Science, 249, 1285-1288 (1990); Circulation, 83, 2007-201 1(1992)〕あるいは直接DNA取り込みおよび受容体-媒介DNA移入法〔Scien ce, 247, 1465-1468 (1990); J. Biol. Chem., 266, 14338-14342 (1991); Proc . Natl. Acad. Sci. USA, 87, 3655-3659 (1991); J. Biol. Chem., 264, 16985 -16987 (1989); BioTechniques, 11, 474-485 (1991); Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 87, 3410-3414 (1990); Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 88, 4255-4259 (1 991); Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 87, 4033-4037 (1990); Proc. Natl. Acad . Sci. USA, 88, 8850-8854 (1991); Hum. Gene Ther., 3, 147-154 (1991)] 等 をあげることができる。

リポソームを介した膜融合 - 介在移入法ではリポソーム調製物を標的とする組織に直接投与することにより、当該組織の局所的な遺伝子の取り込みおよび発現が可能であることが腫瘍に関する研究において報告されている〔Hum. Gene Ther . 3, 399-410(1992)〕。したがって同様の効果が腎臓病巣でも期待される。DNAを腎臓病巣に直接ターゲッティングするには、直接DNA取り込み技術が好

ましい。受容体-媒介DNA移入は、例えば、ポリリジンを介して、タンパク質リガンドにDNA(通常、共有的に閉環したスーパーコイル化プラスミドの形態をとる)をコンジュゲートすることによって行う。リガンドは、標的細胞または組織の細胞表面上の対応するリガンド受容体の存在に基づいて選択する。受容体とリガンドの組み合わせとしては、例えばBMP-7受容体とBMP-7の組み合わせが包含される。当該リガンド-DNAコンジュゲートは、所望により、血管に直接注射することができ、受容体結合およびDNA-ポリペプチドコンプレックスの内在化が起こる標的組織に指向し得る。DNAの細胞内破壊を防止するために、アデノウイルスを同時感染させて、エンドソーム機能を崩壊させることもできる。

14 増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを特異的に認識する抗体を含有する腎疾患治療薬

本発明の増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを特異的に認識する抗体は、腎臓での細胞新生が亢進している腎臓ガンなどの疾患を治療するのに直接利用することができる。

本発明の増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを特異的に認識する抗体を含有する治療薬は、有効成分としての該抗体のみを含むものであってもよいが、通常は薬理学的に許容される1以上の担体と一緒に混合し、製剤学の技術分野においてよく知られる任意の方法により製造した医薬製剤として提供するのが望ましい。該治療薬の調製、投与は前記13の増殖性糸球体腎炎関連ポリペプチドを含有する医薬に準じて行なうことができる。

以下、本発明の実施例を示す。

発明を実施するための最良の形態

実施例1 Thy-1腎炎ラット腎臓cDNAライブラリーの作製

Wistar系雄性ラット(日本SLC社製、体重200g前後)20個体に 抗ラットThy-1モノクローナル抗体OX-7(セダレーン社製)を1mg/kgの用量で尾静脈注入投与し、腎炎を惹起させた。対照群には生理食塩水を投与した。なお、これらのラットについては尿中のポリペプチド濃度を検尿スティック プレテスト 6B(和光純薬工業社製)を用いて測定し、腎炎の状態の指標とした。

OX-7投与後2、4、6、8、10、13、16日目のラット各3個体ずつ

(16日めのみ2個体)、および対照群のラットから腎臓を摘出し、各個体ごとにチオシアン酸グアニジンートリフルオロ酢酸セシウム法 [Methods in Enzymology、154、3(1987)] により全RNAを抽出した。ただし、対照群は、各個体からは抽出せず生理食塩水投与後2日目および10日目のラット各3個体ずつの腎臓をそれぞれまとめて処理した腎臓組織溶解物の等量ずつの混合物から全RNAを抽出した。これらの全RNAのうちOX-7投与後2、4、6、8、10日目ラット腎臓の各個体の全RNAを等量ずつ混合し、オリゴdTセルロースを用いてポリ(A)RNAを調製した後、ZAP-cDNA合成キット(ZAP-cDNA Synthesis Kit、ストラタジーン社製)を用いて、独立プラーク総数1.0×106のcDNAライブラリー(Thy-1腎炎ラット腎臓cDNAライブラリー)を作製した。cDNAの作製方法の詳細は、キットのマニュアルに従った。このcDNAライブラリーは、入ファージベクター入 ZAP II(ストラタジーン社製)をベクターとして、ベクターの<u>Xho I/EcoR</u> I サイト間にcDNAの5、端がEcoR I サイト側になるように挿入されている。

実施例2 差分化ライブラリーの作製

(1) 一本鎖DNAの調製

ーファージR408 (ストラタジーン社製) を感染多重度 (moi) = 13 (5 . 3×10¹¹ p f u) で添加して37℃で7時間振とう培養し、再度一本鎖D NAを上清に放出させた。培養液を滅菌チューブに移し、4℃で10000гр m、10分間遠心分離し、ファージを含む上清のみを新しい滅菌チューブに移し て回収した。この上清を再度同条件で遠心分離した後、孔径0.22mmの滅菌 フィルター(ミリポア社製)に通し、菌体を完全に除いた。10×緩衝液〔10 0 mmol/l Tris-HCl (pH7. 5), 100 mmol/l Mg C1,〕20m1、デオキシリボヌクレアーゼI(ニッポンジーン社製)140 単位を添加し、37℃で30分間反応させた。これに1/4容の20%ポリエチ レングリコール(分子量6000)含有2.5mo1/1 NaC1溶液を加え てよく混合して室温に20分間静置した後、4℃で10000rpm、10分間 遠心分離し、ファージを沈殿させた。上清を完全に除き、得られたファージの沈 殿を、 400μ 1のTE〔10mmo1/1 Tris-HC1(pH8.0) 、1 mmol/l EDTA (pH8. 0)] に溶解し、10% SDSを $4 \mu 1$ 、プロテイナーゼKを625 μ g(25 μ 1)添加して、42 $\mathbb C$ で1時間反応さ せた。フェノール抽出、フェノールークロロホルム抽出、クロロホルム抽出の後 、水層をエタノール沈殿し、Thy-1腎炎ラット腎臓cDNAライブラリーの 一本鎖DNA〔ベクターpBluescript SK(-)〕 77. 6μgを得た。

(2) RNAのビオチン化

実施例1で対照群ラットの腎臓から調製した全RNA1. 2mgからオリゴd Tセルロースを用いてポリ(A)RNA20 μ gを調製した。このうちの10 μ gに蒸留水を試験管に添加して20 μ 1にし、これに1mg/m1のフォトプローブビオチン〔PHOTOPROBE biotin、ベクター・ラボラトリーズ(Vector Labora tories)社製〕30 μ g(30 μ 1)を暗所で加えた。試験管の蓋を開けて氷上に置き、約10cmの高さから水銀ランプで20分間光照射してRNAをビオチン化した。反応液に100mmo1/1 Tris-HC1(pH9.5)と1 mmo1/1 EDTA(pH8.0)の溶液50 μ 1を加えた後、水飽和ブタノール抽出を3回行い、さらにクロロホルム抽出を2回行った後、水層をエタノール沈殿した。回収したRNAの沈殿を20 μ 1の蒸留水に溶解し、上記のビオチン化反応の操作(フォトプローブビオチンの添加~エタノール沈殿)を再度行い、ビオチン化RNAを得た。

(3) 差分化

(1) で調製したThy-1腎炎ラット腎臓 cDNAライブラリーの一本鎖DNA0. 5μ g(1μ 1)に、 $2\times N$ イブリダイズ用緩衝液〔80%ホルムアミド、100mmol/l HEPES (pH7.5)、2mmol/l EDTA (pH8.0)、0.2%SDS〕 12.5μ l、2.5mol/l NaCl 2.5μ l、 3.5μ l 3.5μ l、 3.5μ l 3.5μ l

ハイブリダイゼーション反応後の液に緩衝液〔500mmo1/1 NaC1 $\sqrt{50}$ mmol/1 HEPES (pH7. 5), 2mmol/1 EDTA (pH8. 0)] $400 \mu 1$ を加え、ここにストレプトアビジン(ライフ・テクノ ロジーズ社製) $10\mu g$ ($5\mu 1$)添加し、室温で5分間反応させた。フェノー ルークロロホルム抽出を行い、ストレプトアビジン-ビオチン化RNA-ハイブリ ダイズした c D N A からなる複合体を水層から除去した。水層に再度ストレプト アビジン10μgを添加し室温で5分間反応させ、フェノールークロロホルム抽 出を2回行った後、クロロホルム抽出を行い水層を回収した。水層をユニットフ ィルター ウルトラフリーC3プラスTK (ミリポア社製) に通してフィルター にcDNAを吸着・洗浄後、1/10TE〔1mmo1/1 Tris-HC1 (pH8. 0)、0. 1mmol/1 EDTA (pH8. 0)) 30μ 1中に 回収することによりcDNAの濃縮と脱塩を行った。このフィルターを用いた操 作はミリポア社のマニュアルに従った。この差分化操作により、Thv-1腎炎 ラット腎臓と対照群ラット腎臓の双方で発現量の多い遺伝子のcDNAがcDN Aライブラリーより除去され、Thy-1腎炎ラット腎臓で発現しているが、対 照群ラット腎臓ではほとんど発現していない遺伝子のcDNAが濃縮される。た だし、上記の差分化操作だけでは、Thy-1腎炎ラット腎臓でごく低いレベル で発現している遺伝子でも、対照群ラット腎臓でほとんど発現していない遺伝子 であれば、その遺伝子の c D N A も濃縮されてしまうので、以降の (5) に示す 逆差分化を行い、Thy-1腎炎ラット腎臓でごく低いレベルで発現している遺 伝子のcDNAを除いたものをライブラリーとする。

(4) 差分化後のcDNAの増幅

(3) の差分化操作後の c DNAはかなり量が減っていると思われるので、(5)に示す逆差分化を行うために以下のようにして量をふやした。差分化後の c DNA(一本鎖DNA)の半量 15μ 1に、蒸留水 14μ 1、5'-APプライマー 2μ g(1μ 1)を加え、65℃で10分間加熱した後、室温に5分間置いてプライマーを一本鎖DNAにアニーリングさせた。これに $10\times B$ caBEST T反応用緩衝液〔BcaBESTジデオキシシークエンシングキット(BcaBEST Dideoxy Sequencing Kit、宝酒造社製)に添付のもの〕 5μ 1、1mmo1/1 dNTP(dATP、dGTP、dCTP、TTP各1mmo1/1の混合物) 10μ 1、一本鎖DNA結合ポリペプチド(USB社製) 1.5μ g(0.5μ 1)、BcaBEST DNAポリメラーゼ(宝酒造社製)4単位(2μ 1)および蒸留水 2.5μ 1を添加し、65℃で1時間反応させ、二本鎖DNAを合成した。該反応液に 50μ 1の蒸留水を加え、フェノールークロロホルム抽出、クロロホルム抽出を行った後、(3)と同様にしてユニットフィルターウルトラフリーC3プラスTKを用いて最終的にTE 20μ 1 中に二本鎖DNAを回収した。

回収した二本鎖DNA全量($4\mu1$)を Escherichia coli DH12S(ライフ・テクノロジーズ社市販)にエレクトロポレーションにより導入した。エレクトロポレーション操作後の Escherichia coli DH12SにSOC培地を1.5 m 1 添加した後、LB-Ap培地(1%バクトトリプトン、0.5%イーストエキス、1%NaCl、 50μ g/mlアンピシリン)42.5 m 1 中に植菌した。この段階でのタイターは4. 3×10^6 cfuであった。37%で4時間培養し、600 nmの吸光度を測定して細胞数を調べたところ $1\sim1.5\times10^8$ 個/mlであった。半量はジメチルスルフォキシドを濃度7%になるように添加して、-80%で保存し、残りの半量に $14\sim20$ の量の、17%の一でで保存し、残りの半量に $14\sim20$ の量の、17%の十分間培養した後、17%のでは表した。培養開始から2時間17%0分後にアンピシリンを 100μ g/mlの濃度になるように添加し、さらに5時間17%0分培養し、培養液中に一本鎖DNA17%0、17%0 に対象では対して、一本鎖DNA17%0、17%0 に の培養液から(17%1)と同様にして、一本鎖DNA17%0、17%10 に の培養液から(17%1)と同様にして、一本鎖DNA17%0、17%10 に 17%10 に 17

(5) 逆差分化

実施例1で調製したThy-1腎炎ラット腎臓のポリ(A) RNA2. $5\mu g$

を(2)と同様にしてビオチン化した。このビオチン化RNAを(4)で調製した差分化後の一本鎖 c DNA 2. 5μ g に添加し、蒸留水を加えて 9μ 1 にした。これに(3)の差分化と同様の $2 \times$ ハイブリダイズ緩衝液 1 2. 5μ 1 、 2 . 5μ 0 十 1 N a C 1 2. 1 2 1 2 1 2 1 2 1 2 1 2 1 2 1 3 1 3 1 4 1 4 1 5 1 4 1 5 1 6 1 7 1 7 1 8 1 8 1 8 1 9 1 8 1 9 1

ハイブリダイゼーション反応後の液に対して(3)の差分化と同様にしてストレプトアビジンを反応させた。フェノールークロロホルム抽出を行って水層を除き、Thy-1 腎炎ラット腎臓のビオチン化RNAとハイブリダイズした c DNAとの複合体を含むフェノールークロロホルム層を回収した。これにTEを加えて抽出する操作を三度繰り返した後、フェノールークロロホルム層に再度TEを加えて95℃で5分間加熱することにより、ビオチン化RNAとc DNAを解離させた。反応層を氷水に漬けて急冷した後、激しく攪拌して解離したc DNAを水層に抽出した。この溶液を再度95℃で5分間加熱後、急冷して抽出操作を繰り返し、遠心分離により解離したc DNAを含む水層を回収した。この水層をフェノールークロロホルム抽出、クロロホルム抽出を行った後、さらに(3)と同様にしてユニットフィルターウルトラフリーC3プラスTKに通してフィルターにc DNAを吸着、洗浄後、1/10 TE30 μ 1中に回収することによりc DNAの濃縮と脱塩を行った。

(6) cDNAライブラリーの作製

(5) で得られた逆差分化後の1本鎖 c DNAについて、半量を (4) と同様にして二本鎖化した後、その1/8量をエレクトロポレーションにより Escherichia coli DH12S に導入し、逆差分化 c DNAライブラリーを作製した。ライブラリーの一部を用いた解析により、このライブラリーの独立コロニー数は2.5× 10^4 c f u であり、 c DNAが挿入されている率は98%と推定された。実施例 3 ディファレンシャルハイブリダイゼーション

(1) アレイフィルターの作製

実施例3の(6)で作製した逆差分化 c D N A ライブラリーを用いて、L B ー A p 寒天培地上にコロニーを形成させ、その内の9600コロニーをL B ー A p 培地100 μ 1を入れた96穴プレート100枚に1コロニー/1穴になるよう 植菌した。各コロニーは96穴プレート中で37℃で培養後、50%グリセロー

ル50 μ 1 を添加して - 80℃にて保存した(この保存培養液をグリセロールストックとよぶ)。

LB-Ap培地100μ1を分注した96穴プレートに、再度グリセロールストックから96ピンレプリケーターを使用して植菌し、37℃で一晩静置培養した。この大腸菌を含んだ培養液を自動分注装置Hydra96を用いて、0.5μ1ずつナイロンメンブレン上に96穴プレートと同じ格子状(縦8×横12)にスポットした。1枚のナイロンメンブレンには96穴プレート4枚分に相当する384コロニーを格子状(縦16×横24)にスポットし、また1つのコロニーについて2枚のメンブレンの同じ位置にスポットし、同じメンブレンが2枚ずつできるようにした。培養液をスポットしたメンブレンをLB-Ap寒天培地上に、スポットした面を上にして乗せ、37℃で一晩培養した。

大腸菌のコロニーが十分に生育したメンブレンを培地からはがし、DNA変性 溶液(0.5mol/l NaOH、1.5mol/l NaCl)を染み込ま せたろ紙上にのせ、室温で10分間放置し、DNAを変性させた後、中和溶液〔 1. 0 mol/l Tris-HCl (pH7. 5), 1. 5 mol/l Na C1〕を染み込ませたろ紙上にメンブレンを移し、室温で10分間放置した。バ ットに十分量用意した 0. 5%SDSを含む2×SSC(0. 3mo1/1塩 化ナトリウム、30mmo1/1クエン酸ナトリウム)中で、メンブレン上の菌 体塊をこすり洗った後、同緩衝液を2回交換して洗浄した。メンブレンをポリエ チレンバッグ中に移し、 $250 \mu g/m1$ の濃度にプロテイナーゼKを溶解させ た反応緩衝液 (50mmol/1トリスー塩酸(pH8.5)、 50mmol/ EDTA、100mmo1/1塩化ナトリウム、1%ラウリルサルコシン酸 ナトリウム〕を添加して密封し、37℃で2時間反応させた。メンブレンをバッ グから取り出して、2×SSCで洗浄した後、再度ポリエチレンバッグに入れ、 400μg/mlの濃度でプロテイナーゼ阻害剤Pefabloc (ロシュ社製)を含む2×SSCを添加して密封し、室温で1時間処理した。メンブレンをバ ッグから取り出して、2×SSCで洗浄した。最後にクロスリンカーオプティマ ルリンク(フナコシ社製)を用いて紫外線照射によりDNAをメンブレンに固定 化した。このようにして得られたメンブレンをアレイフィルターと呼ぶ。

(2) リボプローブの調製

実施例1で調製したThy-1腎炎ラットおよび対照群ラットの腎臓のポリ(

WO 01/73022

70

A)RNAから以下のようにしてジゴキシゲニン(DIG)標識リボプローブを作製した。メンブレン枚数が多く、大量のプローブが必要なため $100\,\mathrm{cm}^2$ のメンブレン50枚をハイブリダイゼーションするためには $150\,\mu\,\mathrm{g}$ のプローブが必要である。まずポリ(A)RNAから二本鎖 $\mathrm{c}\,\mathrm{DNA}$ を調製し、その $\mathrm{c}\,\mathrm{DN}$ Aを鋳型にして $\mathrm{T}\,\mathrm{7}\,\mathrm{RNA}$ ポリメラーゼ反応を行うことにより、 $\mathrm{D}\,\mathrm{I}\,\mathrm{G}$ を取り込ませたリボプローブを得た。

(2) -1 二本鎖cDNAの調製

それぞれのポリ(A)RNA5 μ g、T7dTプライマー(配列番号161; 5'末端にT7プロモーターの配列を持つ。)8 μ gを混合し、7.8 μ 1になるように蒸留水(純水をさらに2回蒸留したもの、以下同じ)を添加し、70 $\mathbb C$ 、10分間加熱した後、氷上で急冷した。 $5\times$ ハイブリダイズ緩衝液(市販酵素に添付されているもの)4 μ 1、100mmo1/1 DTT2 μ 1および10mmo1/1dNTP 1.2 μ 1を加え、ピペッティングでよく混合した。37 $\mathbb C$ で2分間保温し、アニーリングを行った後、SuperScript II リバーストランスクリプターゼ(ライフ・テクノロジーズ社製)を 5μ 1添加し、 $44\mathbb C$ で1時間反応させて一本鎖 c DNAを合成した後、氷冷した。

42℃で1時間反応させた。反応後の液にフェノール-クロロホルム抽出を行って水層を回収後、TE70μ1を水層を除いたフェノール・クロロホルム層に添加して抽出し、水層を先ほど回収した水層と合わせた。

該水層をユニットフィルターウルトラフリーC 3 L T K (ミリポア社製)を用いて、濃縮脱塩操作行った。すなわち、フィルターカップに水層をのせ、8000 r pmで5 分間遠心分離し、DNAをフィルターに吸着させた。下部に移った溶液を除き、再度フィルターカップに蒸留水 300μ 1をのせ、8000 r pmで5 分間遠心分離し、フィルターを洗浄した。この洗浄操作をもう一度繰り返した後、フィルターカップに蒸留水 25μ 1をのせ、ピペッティングにより懸濁してDNAを抽出した。フィルターカップを取り出し、遠心分離用チューブ(ファルコン2059)に逆さにして入れ、遠心分離して懸濁液をチューブ底に集めた。再度フィルターカップに蒸留水 25μ 1をのせ、同様に回収した(計 50μ 1)

(2) -2 RNAの合成と標識

上記のようにして得られた二本鎖 c DNAからDIG RNAラベリングキット(ロシュ社製)を用いてDIG標識リボプローブを作製した。方法はロシュ社のDIGシステムユーザーガイドに従った。すなわち c DNA 1 μ g (蒸留水で14 μ 1に調製する)、10×反応用緩衝液(キットに添付されているもの)2 μ 1、NTPラベリングミックス(キットに添付されているもの、DIG-11-UTPを含む)2 μ 1 およびT7RNAポリメラーゼ(ロシュ社製)2 μ 1の計20 μ 1をピペッティングにより混合した後、37℃で2時間反応させた。0.5mo1/1 EDTA 0.8 μ 1を添加し反応を停止させた後、4mo1/1塩化リチウム2.3 μ 1(反応液の1/9容量)、エタノール65 μ 1(反応液の2.5~3倍容量)を添加し、-80℃で30分間(または-20℃で一晩)おきRNAを沈殿させた。4℃で遠心分離後上清を除き、70%エタノールで洗浄後クリーンベンチ内で風乾し、蒸留水100 μ 1に溶解した。合成されたリボプローブの収量は、ロシュ社のDIGシステムユーザーズガイドに従って、検定した。

(3) ハイブリダイゼーション

ハイブリダイゼーションおよびハイブリダイズしたスポットの検出の方法と試薬は全てロシュ社のDIGシステムユーザーズガイドに従った。

WO 01/73022

(4) スポットの検出

メンブレンをハイブリバッグから取り出し、0.1%SDSを含有した $2\times S$ SCで68 \mathbb{C} で10分間洗浄した後、洗浄液を新しくして、再度同じ条件で洗浄した。さらに0.1%SDSを含有した $2\times SSC$ で68 \mathbb{C} で15分間洗浄する操作を2回繰り返した。

メンブレンを少量のバッファー1 $\{0.15 \text{mol/}1\ \text{NaCl.} 0.1 \text{mol/}1\ \text{MgCl.} 0.1 \text{mol/}2\ \text{MgCl.}$

基質CSPD(ロシュ社製)をメンブレン表面に100cm²あたり0.5~1.0m1乗せた。上からバッグをかぶせてはさみ、基質をメンブレン表面に均一に行き渡らせ、5分間反応させた。余分な水分を追い出してバッグを密封し、37℃で15分間反応させた後、X線フィルム ハイパーフィルムECL(アマシャム・ファルマシア・バイオテク社製)を感光させ、現像した。感光時間は、Thy-1腎炎ラット腎臓のリボプローブ、対照群ラットの腎臓リボプローブとハイブリダイズしたものでバックグラウンドが同程度の濃度になるように調整した

対照群ラットの腎臓リボプローブと比較してThy-1腎炎ラット腎臓リボプローブと強くハイブリダイズした454クローンを選択した。アレイの位置からクローンを特定し、各クローンをそれぞれ実施例3の(1)で調製したグリセロールストックから培養して、プラスミドDNAを調製した。

実施例4 塩基配列·発現解析

(1) 塩基配列解析

実施例3のディファレンシャルハイブリダイゼーションによって選択された4 54クローンのcDNAの塩基配列を、DNAシークエンサーを用いて、まず末 端からの塩基配列を解析した。この塩基配列について、解析プログラムBlas t Nを用いて、塩基配列データベースGenBank、EMBLおよびGene Seq 〔ダーウェント (Derwent) 社製〕中の配列に対する相同性を調べた。な お、この解析の結果、454クローン中、オステオポンチン遺伝子のcDNAが 148クローンを占めていることがわかり、Thy-1腎炎ラットの腎臓ではオ ステオポンチン遺伝子が大量に発現していることが示唆された。相同性解析の結 果、新規な塩基配列であると考えられたクローンについては、cDNA全体の塩 基配列を決定した。このようにして得られたThy-1腎炎ラットで発現が上昇 している遺伝子の塩基配列を配列番号1、3、5、7、9、13、17~142 に示した。得られた c DNAの塩基配列から、遺伝子がコードするポリペプチド のアミノ酸配列を推定し、さらに、このアミノ酸配列についても、解析プログラ ムBLASTを用いて、アミノ酸配列データベースSwissProt、PIR 、GenPept、TREMBL、GeneSeq中の配列に対する相同性を調 べた。

(2) 発現解析

(1)で選択した454クローンから、新規な塩基配列のものを中心に興味深 いクローンを選択し、それぞれの遺伝子のThy-1腎炎ラット腎臓における発 現量の経時的な変動をRT-PCR法によって対照群のラットと比較して調べた 。鋳型としては、実施例1で調製した、抗Thy-1抗体〇X-7投与後2、4 、6、8、10、13、16日目のそれぞれのラットの腎臓の全RNA、これら の全RNAを等量ずつ混合したもの(Thy-1ミックスと呼ぶ)および生理食 塩水投与対照群のラットの腎臓の全RNAについて、各5μgから SUPERSCRIPT Preamplification Sysytem for First Strand cDNA Synthesis Kit (ライフ・ テクノロジーズ社製)を用いて、キットのマニュアルに従って一本鎖 c D N A を 合成し、最終的に 2 5 0 μ 1 の蒸留水に溶解させた。プライマーは、調べたいク ローンの c D N A の一部の塩基配列をもとに、その c D N A に特異的な塩基配列 を有するフォワードとリバースの1組のPCR用プライマーをデザインして(フ ォワードプライマーはcDNAの5'側の一部の塩基配列と同じ塩基配列、リバ ースプライマーは c D N A の 3 ' 側の一部の塩基配列と相補的な塩基配列を有し 、18~22塩基の鎖長のものをデザインした。)合成した。PCRの条件は、 鋳型となるそれぞれの一本鎖 c D N A $1 \mu 1$ (全R N A 20 n g に相当) につ いて、10 imes反応用緩衝液(r T a qに添付されているもの) $2 \mu 1$ 、2.5 mmol/l dNTP $2\mu l$, $10\mu mol/l Jayu-Frzer-$ 1、 10μ mol/1リバースプライマー 1μ l、蒸留水12. 8μ l、TaqDNAポリメラーゼrTaq (宝酒造社製)を添加し、PCR用装置を用いて 、94℃で5分加熱後、94℃1分(変性)/X℃1分(アニール)/72℃1分(伸長反応)からなる反応サイクルを20回行い、4℃で保存した。アニール 温度(X)は、プライマーにより至適な温度を選択した。反応後の溶液を一定量 電気泳動し、増幅DNA断片を蛍光色素サイバーグリーン(FMC BioProducts 社 製)で染色し、フルオロイメージャー(モレキュラーダイナミクス社製)で増幅 断片の量を測定した。コントロールとして、ハウスキーピング遺伝子であり各時 期のThy-1腎炎ラット腎臓および対照群ラット腎臓においてほぼ一定の発現 量を示すと考えられるグリセルアルデヒドー3-リン酸デヒドロゲナーゼ(glyc erardehyde-3-phosphate dehydrogenase、以下G3PDHと呼ぶ)遺伝子につい て、配列番号162、163に示す塩基配列のプライマーを用いて、それぞれの 鋳型で同様にRT−PCR(アニール温度58℃)を行い、増幅断片量を測定し

た。各遺伝子の増幅断片の量を同じ鋳型について行ったG3PDH遺伝子の増幅 断片の量で割って補正した量をもとにして、対照群ラットと各時期のThy-1 腎炎ラットの比較をした。

その結果、TRDH-110、TRDH-122、TRDH-292、TRDH-344、TRDH-271、TRDH-284、TRDH-363の7つの遺伝子について、Thy-1腎炎ラット腎臓で発現が上昇していることがRT-PCRによっても確認された。以下にこれらの遺伝子について記載する。

(3) TRDH-271遺伝子

TRDH-271遺伝子のcDNAクローンの塩基配列(配列番号1に示した)を決定し、データベース中の配列との相同性を調べたところ、完全に一致する配列はなく新規な塩基配列であったが、マウスEST中に非常に高い相同性を示すもの(アクセス番号AA981464など)が存在した。

配列番号1の塩基配列には、配列番号2に示す694アミノ酸からなるORFが存在し、TRDH-271遺伝子はこのアミノ酸配列を有する新規ポリペプチドをコードしていると考えられた。

配列番号 145 および 146 に塩基配列を示す PCRプライマーを用いた RT -PCR(アニール温度 60 C)の結果から、TRDH-271 遺伝子は、抗体 投与後 $2\sim16$ 日目の全期間を通じて、対照群より $1.2\sim1.6$ 倍のやや高い 発現量を示す遺伝子であった。なお、この遺伝子のRT-PCR は、反応サイクル数を 23 回で行った。

(4) TRDH-284遺伝子

TRDH-284遺伝子のcDNAクローンの塩基配列(配列番号3に示した)を決定し、データベース中の配列との相同性を調べたところ、完全に一致する配列はなく新規な塩基配列であったが、マウスEST中に非常に高い相同性を示すもの(GenBankアクセス番号AA050211など)が存在した。

配列番号3の塩基配列には、配列番号4に示す350アミノ酸からなるORFが存在し、TRDH-284遺伝子はこのアミノ酸配列を有する新規ポリペプチドをコードしていると考えられた。

配列番号147および148に塩基配列を示すPCRプライマーを用いたRT-PCR(アニール温度60C)の結果から、TRDH-284遺伝子は、抗体投与後 $4\sim16$ 日目の期間で、対照群より $1.2\sim1.9$ 倍のやや高い発現量を

76

示す遺伝子であった。

(5) TRDH-363遺伝子

TRDH-363遺伝子のcDNAクローンの塩基配列(配列番号5に示した)を決定し、データベース中の配列との相同性を調べたところ、完全に一致する配列はなく新規な塩基配列であったが、マウスESTおよびヒトEST中に非常に高い相同性をもつもの(GenBankアクセス番号AA117617、AA315924など)が存在した。

配列番号5の塩基配列は、配列番号6に示すアミノ酸配列をコードしており、 TRDH-363はこのアミノ酸配列を含む新規ポリペプチドをコードしている と考えられた。

配列番号149および150に塩基配列を示すPCRプライマーを用いたRT-PCR(アニール温度64°C)の結果から、TRDH-363遺伝子は、抗体投与後 $2\sim16$ 日目の全期間で、対照群より $1.5\sim2.8$ 倍の高い発現量を示す遺伝子であった。

(6) TRDH-292遺伝子(分泌ポリペプチド遺伝子2)

TRDH-292遺伝子のcDNAクローンの塩基配列を決定し(配列番号13に塩基配列を示した。)、データベース中の配列との相同性を調べたところ、stromal cell derived factor-2と相同性を有する推定ヒト分泌ポリペプチド遺伝子2(W098/39446;配列番号15)と86%と高い相同性を示した。配列番号16にヒト分泌ポリペプチド遺伝子2がコードするアミノ酸配列を示した。したがってTRDH-292遺伝子はラットにおける分泌ポリペプチド遺伝子2であると推定された。配列番号13の塩基配列がコードする220アミノ酸からなるポリペプチドのアミノ酸配列を配列番号14に示した。

配列番号151および152に塩基配列を示すPCRプライマーを用いたRT-PCR (アニール温度60°C) の結果からは、TRDH-292遺伝子はOX-7投与後2~16日目の全期間にわたって対照群の1.3~2倍の発現量の上昇を示した。

(7) TRDH-344遺伝子(TSC-22類似蛋白質-2)

TRDH-344遺伝子のcDNAクローンの塩基配列(配列番号7に示した)を決定し、データベース中の配列との相同性を調べたところ、ヒトTSC-2 2類似蛋白質-2の遺伝子(W098/50425;配列番号159)と78.8%と高い 相同性を示した。配列番号160にヒトTSC-22類似蛋白質-2のアミノ酸配列を示した。したがってTRDH-344遺伝子はラットにおけるTSC-222類似蛋白質-2遺伝子であると推定された。配列番号7の塩基配列がコードする150アミノ酸からなるラットTSC-22類似蛋白質-2のアミノ酸配列を配列番号8に示した。

配列番号 143 および 144 に塩基配列を示す PCR プライマーを用いた RCR T-PCR (アニール温度 60 C) の結果から、TRDH-344 遺伝子は、抗体投与後 $2\sim16$ 日目の全期間を通じて、対照群より $1.2\sim1.6$ 倍のやや高い発現量を示す遺伝子であった。

(8) TRDH-122遺伝子 (mac25)

TRDH-122遺伝子のcDNAクローンの全塩基配列を決定し(配列番号 157に塩基配列を示した。)、データベース中の配列との相同性を調べたとこ ろ、マウスmac25 [GenBankアクセス番号AB012886; Cell G rowth & Differ., 4, 715 (1993)] あるいはヒトプロスタサイクリン産生刺激因 子 (prostacyclin-stimulation factor、GenBankアクセス番号S757 25; Biochem. J., 303, 591 (1994); 配列番号11] として報告されている遺 伝子と80%以上の高い相同性を示すことから、TRDH-122遺伝子はラッ トのmac25遺伝子であると推定された。配列番号12にヒトプロスタサイク リン産生刺激因子すなわちヒトmac25のアミノ酸配列を示した。mac25 はIGF結合蛋白質ファミリーであるIGFBP-7としても報告されており〔 J. Biol. Chem., 271, 30322 (1996)〕、細胞の増殖の制御に関与していると考 えられている。mac25はアクチビン結合能を有しており、癌細胞由来の細胞 株であるHeLa、P19、Saos-2の増殖を、10⁻⁷mo1/Lの濃度 で阻害することが報告されている [Mol. Med., 6, 126 (2000)]。配列番号15 7に示したTRDH-122遺伝子のcDNAの塩基配列は、配列番号158に 示すアミノ酸配列をコードしていた。

配列番号153および154に塩基配列を示すPCRプライマーを用いたRT-PCR(アニール温度58C)の結果からは、TRDH-122遺伝子はOX-7投与後 $2\sim16$ 日目の全期間にわたって対照群の2倍前後の発現量の上昇を示した。

(9) TRDH-110遺伝子(α-2uグロブリン)

TRDH-110遺伝子のcDNAの塩基配列を決定し、データベース中の配列との相同性を調べたところ、ラット α -2 uグロブリンcDNA(GenBankアクセス番号U31287)と一致することがわかった。ラット α -2 uグロブリンは162アミノ酸(シグナルペプチドを含む前駆体は181アミノ酸)からなる分泌ポリペプチドであり、ある種の腎毒性物質投与により雄性特異的に近位尿細管で毒性物質とガラス体を形成し、細胞増殖や腫瘍形成を引き起こすことが報告されている〔Crit. Rev. Toxicol., 26, 309(1996)〕が、Thy-1ラット腎炎における本遺伝子あるいはポリペプチドの発現量についての報告はされていない。ラット α -2 uグロブリンcDNAの塩基配列を配列番号9に、アミノ酸配列を配列番号10に記載した。

配列番号155および156に塩基配列を示すPCRプライマーを用いたRT-PCR(アニール温度62 $^{\circ}$)の結果からは、 α -2uグロブリン遺伝子はOX-7投与後2日目に対照群の44倍という非常に高い発現を示すが、4日目は2.3倍、6日目以降はほとんど発現がみられなくなり、一過的な発現パターンを示した。なお、RT-PCRの反応液は(2)の組成に5%ジメチルスルホキシドを添加したものを用いた。また、PCRの反応サイクルの変性も94 $^{\circ}$ でなく95 $^{\circ}$ で行った。

対照群ラット腎臓での発現量を1としたときの、Thy-1腎炎ラット腎臓に おける、上記7遺伝子の相対的発現量の経時的変化を第1表に示した。

第1表 対照群ラット腎臓での発現量を1としたときの、Thy-1 腎炎ラット腎臓における各遺伝子の相対的発現量の経時的変化

遺伝子	全体*	2日	4日	6日	8日	10日	13 日	16 日
TRDH-271	1. 14	0. 97	1. 66	1. 49	1. 30	1. 83	1. 84	2. 32
TRDH-284	1. 24	0. 97	1. 25	1. 52	1. 23	1. 92	1. 60	1. 52
TRDH-363	1. 44	1. 76	1. 48	2. 22	1. 84	1. 74	1. 98	2. 83
TRDH-292	1. 72	1. 39	1. 95	1. 57	1. 89	1. 31	1. 91	1. 93
TRDH-344	1. 30	1. 18	1. 63	1. 25	1. 32	1. 49	1. 62	1. 36
TRDH-122	1. 78	1. 74	2. 08	2. 00	1. 89	1. 85	2. 15	2. 09
TRDH-110	14. 64	43. 79	2. 33	0. 16	0. 24	0. 00	0. 00	-0. 14

*:全体は、2、4、6、8、10、13および16日のサンプルを全て同量比で混合したものを示す。

産業上の利用可能性

本発明によれば、腎臓疾患において障害を受けた組織を積極的に修復するような治療薬の探索・開発に有用なポリペプチド、該ポリペプチドをコードするDN Aおよび該ポリペプチドを認識する抗体、並びにこれらの利用法を提供することができる。

配列表フリーテキスト

配列番号143-人工配列の説明:TRDH-344 DNAの増幅用の正方向 プライマー

配列番号144-人工配列の説明:TRDH-344 DNAの増幅用の逆方向 プライマー

配列番号145-人工配列の説明:TRDH-271 DNAの増幅用の正方向 プライマー

配列番号 1 4 6 - 人工配列の説明: TRDH-271 DNAの増幅用の逆方向 プライマー

配列番号147-人工配列の説明:TRDH-284 DNAの増幅用の正方向

プライマー

配列番号148-人工配列の説明:TRDH-284 DNAの増幅用の逆方向 プライマー

配列番号149-人工配列の説明:TRDH-363 DNAの増幅用の正方向 プライマー

配列番号150-人工配列の説明:TRDH-363 DNAの増幅用の逆方向 プライマー

配列番号151-人工配列の説明:TRDH-292 DNAの増幅用の正方向 プライマー

配列番号152-人工配列の説明:TRDH-292 DNAの増幅用の逆方向 プライマー

配列番号153-人工配列の説明:TRDH-122 DNAの増幅用の正方向 プライマー

配列番号154-人工配列の説明:TRDH-122 DNAの増幅用の逆方向プライマー

配列番号155-人工配列の説明:TRDH-110 DNAの増幅用の正方向 プライマー

配列番号156-人工配列の説明:TRDH-110 DNAの増幅用の逆方向 プライマー

配列番号161-人工配列の説明:T7プロモーターとポリチミジル酸配列を有するプライマー

配列番号162-人工配列の説明:G3PDH DNAの増幅用の正方向プライマー

配列番号163-人工配列の説明:G3PDH DNAの増幅用の逆方向プライマー

請求の範囲

- 1. 配列番号 2、 4 および 6 に表されるアミノ酸配列からなる群より選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチドをコードする DNA。
- 2. 配列番号1、3および5に表される塩基配列からなる群より選ばれる 塩基配列を有するDNA。
- 3. 配列番号1、3および5に表される塩基配列からなる群より選ばれる 塩基配列を有するDNAとストリンジェントな条件下でハイブリダイズし、かつ 増殖性糸球体腎炎が発症した組織で発現量が増加する遺伝子を検出できるDNA
- 4. 配列番号1、3 および5 に表わされる塩基配列からなる群より選ばれる塩基配列中の連続した $5\sim6$ 0 塩基と同じ配列を有するDNA。
- 5. 配列番号1、3および5に表わされる塩基配列からなる群より選ばれる塩基配列を有するDNAと相補的な配列を有するDNA。
- 6. 請求項1~5のいずれか1つのDNAを用いて増殖性糸球体腎炎が発症した組織で発現量が増加する遺伝子のmRNAを検出する方法。
- 7. 請求項 $1 \sim 5$ いずれか1 項に記載のDNAを含有する、腎疾患の診断薬。
- 8. 請求項1~5いずれか1項に記載のDNAを用いて腎疾患の原因遺伝子を検出する方法。
- 9. 請求項1~5いずれか1項に記載のDNAを用いて増殖性糸球体腎炎が発症した組織で発現量が増加する遺伝子の転写もしくは翻訳を抑制または促進する物質をスクリーニングする方法。
- 10. 請求項1~5いずれか1項に記載のDNAを用いて腎疾患の治療薬を スクリーニングする方法。
- 11. 請求項1~5いずれか1項に記載のDNAを含有する、腎疾患の治療薬。
 - 12. 請求項1~5いずれか1項に記載のDNAを含む組換えベクター。
- 13. 請求項1~5いずれか1項に記載のDNAのセンス鎖と相同な配列からなるRNAを含む組換えベクター。
- 14. 組換えベクターがウイルスベクターである、請求項12または13に 記載のベクター。

- 15. 請求項12~14いずれか1項に記載の組換えベクターを含有する、 腎疾患の治療薬。
- 16. 配列番号7、9、11、13、15、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、30、31、32、33、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、45、46、47、48、49、50、51、52、53、54、55、56、57、58、59、60、61、62、63、64、65、66、67、68、69、70、71、72、73、74、75、76、77、78、79、80、81、82、83、84、85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、95、96、97、98、99、100、101、102、103、104、105、106、107、108、109、110、111、112、113、114、115、116、117、118、119、120、121、122、123、124、125、126、127、128、129、130、131、132、133、134、135、136、137、138、139、140、141、142、1573よび159に表される塩基配列からなる群より選ばれる塩基配列を有するDNAを用いて、増殖性糸球体腎炎が発症した組織で発現量が増加する遺伝子のmRNAを検出する方法。
- 17. 配列番号7、9、11、13、15、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、30、31、32、33、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、45、46、47、48、49、50、51、52、53、54、55、56、57、58、59、60、61、62、63、64、65、66、67、68、69、70、71、72、73、74、75、76、77、78、79、80、81、82、83、84、85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、95、96、97、98、99、100、101、102、103、104、105、106、107、108、109、110、111、112、113、114、115、116、117、118、119、120、121、122、123、124、125、126、127、128、129、130、131、132、134、135、136、137、138、139、140、141、142、157および159に表される塩基配列からなる群より選ばれる塩基配列を有するDNAを含有する、腎疾患の診断薬。

83

18. 配列番号7、9、11、13、15、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、3.0、31、32、33、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、45、46、47、48、49、50、51、52、53、54、55、56、57、58、59、60、61、62、63、64、65、66、67、68、69、70、71、72、73、74、75、76、77、78、79、80、81、82、83、84、85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、95、96、97、98、99、100、101、102、103、104、105、106、107、108、109、110、111、112、113、114、115、116、117、118、119、120、121、122、123、124、125、126、127、128、129、130、131、132、133、134、135、136、137、138、139、140、141、142、157および159に表される塩基配列からなる群より選ばれる塩基配列を有するDNAを用いて腎疾患の原因遺伝子を検出する方法。

配列番号7、9、11、13、15、17、18、19、20、21 , 22, 23, 24, 25, 26, 27, 28, 29, 30, 31, 32, 33 , 34, 35, 36, 37, 38, 39, 40, 41, 42, 43, 44, 45 . 46, 47, 48, 49, 50, 51, 52, 53, 54, 55, 56, 57 , 58, 59, 60, 61, 62, 63, 64, 65, 66, 67, 68, 69 70, 71, 72, 73, 74, 75, 76, 77, 78, 79, 80, 81 . 82, 83, 84, 85, 86, 87, 88, 89, 90, 91, 92, 93 , 94, 95, 96, 97, 98, 99, 100, 101, 102, 103, 1 04, 105, 106, 107, 108, 109, 110, 111, 112, 1 13, 114, 115, 116, 117, 118, 119, 120, 121, 1 22, 123, 124, 125, 126, 127, 128, 129, 130, 1 31, 132, 133, 134, 135, 136, 137, 138, 139, 1 40、141、142、157および159に表される塩基配列からなる群より 選ばれる塩基配列を有するDNAを用いて、増殖性糸球体腎炎が発症した組織で 発現量が増加する遺伝子の転写もしくは翻訳を抑制または促進する物質をスクリ ーニングする方法。

20. 配列番号7、9、11、13、15、17、18、19、20、21

84

、22、23、24、25、26、27、28、29、30、31、32、33、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、45、46、47、48、49、50、51、52、53、54、55、56、57、58、59、60、61、62、63、64、65、66、67、68、69、70、71、72、73、74、75、76、77、78、79、80、81、82、83、84、85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、95、96、97、98、99、100、101、102、103、104、105、106、107、108、109、110、111、112、113、114、115、116、117、118、119、120、121、122、123、124、125、126、127、128、129、130、131、132、133、134、135、136、137、138、139、140、141、142、157および159に表される塩基配列からなる群より選ばれる塩基配列を有するDNAを用いて、腎疾患の治療薬をスクリーニングする方法。

21. 配列番号7、9、11、13、15、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、30、31、32、33、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、45、46、47、48、49、50、51、52、53、54、55、56、57、58、59、60、61、62、63、64、65、66、67、68、69、70、71、72、73、74、75、76、77、78、79、80、81、82、83、84、85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、95、96、97、98、99、100、101、102、103、104、105、106、107、108、109、110、111、112、113、114、115、116、117、118、119、120、121、122、123、124、125、126、127、128、129、130、131、132、133、134、135、136、137、138、139、140、141、142、157および159に表される塩基配列からなる群より選ばれる塩基配列を有するDNAを含有する、腎疾患の治療薬。

 22.
 配列番号7、9、11、13、15、17、18、19、20、21

 、22、23、24、25、26、27、28、29、30、31、32、33

 、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、45

85

. 46. 47. 48. 49. 50. 51. 52. 53. 54. 55. 56. 57

. 58. 59. 60. 61. 62. 63. 64. 65. 66. 67. 68. 69

. 70. 71. 72. 73. 74. 75. 76. 77. 78. 79. 80. 81

. 82. 83. 84. 85. 86. 87. 88. 89. 90. 91. 92. 93

. 94. 95. 96. 97. 98. 99. 100. 101. 102. 103. 1

04. 105. 106. 107. 108. 109. 110. 111. 112. 1

13. 114. 115. 116. 117. 118. 119. 120. 121. 1

22. 123. 124. 125. 126. 127. 128. 129. 130. 1

31. 132. 133. 134. 135. 136. 137. 138. 139. 1

40、141、142、157および159に表される塩基配列からなる群より

選ばれる塩基配列を有するDNAを含む組換えベクター。

- 23. 配列番号7、9、11、13、15、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、30、31、32、33、34、35、36、37、38、39、40、41、42、43、44、45、46、47、48、49、50、51、52、53、54、55、56、57、58、59、60、61、62、63、64、65、66、67、68、69、70、71、72、73、74、75、76、77、78、79、80、81、82、83、84、85、86、87、88、89、90、91、92、93、94、95、96、97、98、99、100、101、102、103、104、105、106、107、108、109、110、111、112、113、114、115、116、117、118、119、120、121、122、123、124、125、126、127、128、129、130、131、132、133、134、135、136、137、138、139、140、141、142、157および159に表される塩基配列からなる肝入を含む組換えベクター。
- 24. 組換えベクターがウイルスベクターである、請求項22または23に 記載のベクター。
- 25. 請求項22~24いずれか1項に記載の組換えベクターを含有する、 腎疾患の治療薬。
 - 26. 請求項1または2記載のDNAによりコードされるポリペプチド。

- 27. 配列番号2、4および6に表されるアミノ酸配列からなる群より選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチド。
- 28. 請求項26または27記載のポリペプチドの有するアミノ酸配列において1以上のアミノ酸が欠失、置換または付加したアミノ酸配列からなり、かつ障害を受けた腎臓の修復に関与する活性を有するポリペプチド。
- 29. 請求項26~28いずれか1項に記載のポリペプチドをコードするDNAをベクターに組み込んで得られる組換え体DNA。
- 30. 請求項29記載の組換え体DNAを宿主細胞に導入して得られる形質 転換体。
- 31. 請求項30記載の形質転換体を培地に培養し、培養物中に請求項26~28いずれか1項に記載のポリペプチドを生成蓄積させ、該培養物から該ポリペプチドを採取することを特徴とするポリペプチドの製造方法。
- 32. 請求項30記載の形質転換体を培地に培養し、得られる培養物を用いて腎疾患の治療薬をスクリーニングする方法。
- 33. 請求項26~28いずれか1項に記載のポリペプチドを用いて、腎疾患の治療薬をスクリーニングする方法。
- 34. 請求項26~28いずれか1項に記載のポリペプチドを含有する、腎疾患の治療薬。
 - 35. 請求項26~28いずれか1項に記載のポリペプチドを認識する抗体
- 36. 請求項35記載の抗体を用いる、請求項26~28いずれか1項に記載のポリペプチドの免疫学的検出方法。
- 37. 請求項35記載の抗体を用いて、腎疾患の治療薬をスクリーニングする方法。
- 38. 請求項35記載の抗体を用いて、増殖性糸球体腎炎を発症した組織で発現量が増加する遺伝子の転写もしくは翻訳を抑制または促進する物質をスクリーニングする方法。
 - 39. 請求項35記載の抗体を含有する、腎疾患の診断薬。
 - 40. 請求項35記載の抗体を含有する、腎疾患の治療薬。
- 41. 請求項35記載の抗体と放射性同位元素、ポリペプチドおよび低分子 化合物から選ばれる薬剤とを結合させた融合抗体を腎臓障害部位へ誘導するドラ

ッグデリバリー法。

- 42. 配列番号8、10、12、14、16、158および160に表されるアミノ酸配列からなる群より選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチドをコードするDNAをベクターに組み込んで得られる組換え体DNA。
- 43. 請求項42記載の組換え体DNAを宿主細胞に導入して得られる形質 転換体を培地に培養し、得られる培養物を用いて腎疾患の治療薬をスクリーニン グする方法。
- 44. 配列番号8、10、12、14、16、158および160に表されるアミノ酸配列からなる群より選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチドを用いて、腎疾患の治療薬をスクリーニングする方法。
- 45. 配列番号8、10、12、14、16、158および160に表されるアミノ酸配列からなる群より選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチドを含有する、腎疾患の治療薬。
- 46. 配列番号8、10、12、14、16、158および160に表されるアミノ酸配列からなる群より選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチドを認識する抗体を用いて、腎疾患の治療薬をスクリーニングする方法。
- 47. 配列番号8、10、12、14、16、158および160に表されるアミノ酸配列からなる群より選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチドを認識する抗体を用いて、増殖性糸球体腎炎を発症発した組織で発現量が増加する遺伝子の転写もしくは翻訳を抑制または促進する物質をスクリーニングする方法。
- 48. 配列番号8、10、12、14、16、158および160に表されるアミノ酸配列からなる群より選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチドを認識する抗体を含有する、腎疾患の診断薬。
- 49. 配列番号8、10、12、14、16、158および160に表されるアミノ酸配列からなる群より選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチドを認識する抗体を含有する、腎疾患の治療薬。
- 50. 配列番号8、10、12、14、16、158および160に表されるアミノ酸配列からなる群より選ばれるアミノ酸配列を有するポリペプチドを認識する抗体と放射性同位元素、ポリペプチドおよび低分子化合物から選ばれる薬剤とを結合させた融合抗体を腎臓障害部位へ誘導するドラッグデリバリー法。

1/219

SEQUENCE LISTING

<110> KYOWA HAKKO KOGYO CO., LTD

<120> Novel DNAs related to proliferative glomerulonephritis

<130> 11292

<140>

<141>

<150> JP 2000/90137

<151> 2000-03-29

<160> 163

 $\langle 170 \rangle$ Patent In Ver. 2.0

<210> 1

<211> 2470

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<220>

<221> CDS

<222> (79).. (2160)

<400> 1

ggcggggatc tgcgcggcgg cggaggcggg acctctggca tcagtagcac cgtgagccca 60

gacattecte tetgagte atg acg gat gee aag tat gte etc tge ega tgg 111

2/219

					Met	Thr	Asp	Ala	Lys	Tyr	Val	Leu	Cys	Arg	Trp	
					1				5					10		
gag	aag	cga	ctg	tgg	cct	gca	aag	gtt	ttg	gcc	aga	ac t	gag	act	tca	159
Glu	Lys	Arg	Leu	Trp	Pro	Ala	Lys	Val	Leu	Ala	Arg	Thr	Glu	Thr	Ser	
			15					20					25			
gca	aaa	aac	aag	aga	aaa	aag	gaa	ttc	ttt	cta	gat	gtt	caa	ata	ctc	207
Ala	Lys	Asn	Lys	Arg	Lys	Lys	Glu	Phe	Phe	Leu	Asp	Val	Gln	Ile	Leu	
		30					35					40				•
	•															
tca	cta	aag	gaa	aag	atc	cag	gtt	aag	agc	tca	gcc	gtg	gag	gca	ctg	255
Ser	Leu	Lys	Glu	Lys	Ile	Gln	Val	Lys	Ser	Ser	Ala	Val	Glu	Ala	Leu	
	45					50					55					
cag	aag	tca	cac	at t	gag	aac	att	gcc	gcc	ttc	ttg	gcc	tct	cag	aat	303
Gln	Lys	Ser	His	Ile	Glu	Asın	Ile	Ala	Ala	Phe	Leu	Ala	Ser	Gln	Asn	
60					65					70					75	
											1					
gaa	gtc	cca	gc t	ac t	cct	ctg	gag	gag	ctg	ac t	tac	cga	cgg	tcc	ctg	351
Glu	Val	Pro	Ala	Thr	Pro	Leu	Glu	Glu	Leu	Thr	Tyr	Arg	Arg	Ser	Leu	
				80					85		•			90		
cga	gtg	gcc	ctg	gat	gtc	ttg	aac	gag	agg	acc	agt	ttg	agt	cct	gaa	399
Arg	Val	Ala	Leu	Asp	Val	Leu	Asn	Glu	Arg	Thr	Ser	Leu	Ser	Pro	Glu	
			95			,		100					105			
agt	cat	cca	gtc	gaa	aat	ggg	agc	aca	cca	t c t	cag	aag	ggc	aag	cca	447
Ser	His	Pro	Val	Glu	Asn	Gly	Ser	Thr	Pro	Ser	Gln	Lys	Gly	Lys	Pro	

115

120

110

rat.	സ്വ	cra t	art ar	me e	tea	ითი	at e	tet	act	ora t	o o t	tot	000	tat	+ + +	405
			gtg													495
ASP		ASD	Val	Ala	ser		vai	Ser	Ser	Ala		Ser	Pro	Ser	Phe	
	125					130					135					
ctc	agt	gaa	gat	gat	cag	gct	gtg	gca	gcc	cag	tgt	gca	tcc	aag	agg	543
Leu	Ser	Glu	Asp	qaA	Gln	Ala	Val	Ala	Ala	Gln	Cys	Ala	Ser	Lys	Arg,	
140					145					150					155	
						•										
agg	tgg	gag	tgc	agt	cca	aaa	agc	ctg	tcg	ccg	ttg	tct	gcc	tcg	gaa	591
Arg	Trp	Glu	Cys	Ser	Pro	Lys	Ser	Leu	Ser	Pro	Leu	Ser	Ala	Ser	Glu	
				160					165					170		
gag	gat	ctc	agg	tgc	aaa	gtg	gac	ccc	ลลg	аса	ggc	ctc	tca	ឧងឧ	agt.	639
			Arg											_	-	000
014	ı ı o p	204	175	0,0	2,5	, 41	пор	180	12,0	1.11	01,	Dou	185	oru	501	
			110					100					100			
നനാ	ar c	c t c	ggg	a c t	ഗാവ	a ta	cet	go e	0.00	a c t	or or or	on t	an a	tot	a a c	687
																001
GIY	Ala		Gly	1111	GIU	Yai		Ald	F10	1111	GLY		GIU	ser	GIII	
		190					195					200				
,						,										
			ggg													735
Asn	Gly	Ser	Gly	Ser	Gln	Leu	Asp	His	Gly	Gln	Glu	Ser	Thr	Thr	Lys	
	205					210					215					
aag	aga	cag	agg	aat	tcg	gga	gag	aaa	cct	gcc	cgg	cgt	gga	aaa	gca	783
Lys	Arg	Gln	Arg	Asn	Ser	Gly	Glu	Lys	Pro	Ala	Arg	Arg	Gly	Lys	Ala	
220					225					230					235	
																;
gag	tct	ggc	ctt	tcc	aag	gga	gac	agt	gtc	gca	gag	agc	gga	gga	cag	831
			Leu													
				240					245				-	250		

gca	agc	agc	tgt	gtg	gcc	ctg	gc t	tca	ccc	agg	ctg	ccc	tcc	caa	acc	879
Ala	Ser	Ser	Cys	Val	Ala	Leu	Ala	Ser	Pro	Arg	Leu	Pro	Ser	Gln	Thr	
			255					260					265			
											•					
tgg	gag	ggg	gat	cca	tgt	gct	gga	gtc	gaa	ggc	tgt	gac	cca	gtt	gag	927
Trp	Glu	Gly	Asp	Pro	Cys	Ala	Gly	Val	Glu	Gly	Cys	Asp	Pro	Val	Glu	
		270					275					280				
tca	tct	ggc	aac	atc	agg	ccg	ctt	ctg	gac	tct	gag	aga	agc	aaa	gga	975
Ser	Ser	Gly	Asn	Ile	Arg	Pro	Leu	Leu	Asp	Ser	Glu	Arg	Ser	Lys	Gly	
	285					290					295					
cgc	ctc	aca	aag	agg	cca	cgc	ttg	gac	gga	ggc	cgg	aac	cca	ctg	ccc	1023
Arg	Leu	Thr	Lys	Arg	Pro	Arg	Leu	Asp	Gly	Gly	Arg	Asn	Pro	Leu	Pro	
300					305					310					315	
aga	cat	cta	gga	acc	aga	ac t	gtg	ggg	gca	gtg	ccc	tcc	cgt	agg	agc	1071
Arg	His	Leu	Gly	Thr	Arg	Thr	Val	Gly	Ala	Val	Pro	Ser	Arg	Arg	Ser	
				320					325					330		
																•
tgc	tct	ggg	gag	gtc	acg	acg	ctg	cgc	agg	gct	gga	gac	agt	gac	aga	1119
Cys	Ser	Gly	Glu	Val	Thr	Thr	Leu	Arg	Arg	Ala	Gly	Asp	Ser	Asp	Arg	
•			335					340					345			
			gat													1167
Pro	Glu	Glu	Asp	Pro	Met	Ser	Ser	Glu	Glu	Ser	Thr	Gly	Phe	Lys	Ser	
		350					355					360				
															ı	
gtc	cac	tcc	ctg	ctg	gag	gag	gag	gag	gag	gag	gag	gaa	gag	gag	gag	1215
Val	His	Ser	Leu	Leu	Glu	Glu	Glu	Glu	Glu	Glu	Glu	Glu	Glu	Glu	Glu	

5/219

gaa cca ccc cgg atc ctt ctg tat cac gaa cca cga tca ttt gaa gta Glu Pro Pro Arg Ile Leu Leu Tyr His Glu Pro Arg Ser Phe Glu Val gga atg ctg gtc tgg ctt aaa tac caa aaa tac cca ttc tgg cca gcc Gly Met Leu Val Trp Leu Lys Tyr Gln Lys Tyr Pro Phe Trp Pro Ala gtg gtc aag agt gtc cgg cgg agg gac aag aag gcc agt gtg ctc ttc Val Val Lys Ser Val Arg Arg Arg Asp Lys Lys Ala Ser Val Leu Phe att gag ggc aac atg aat ccc aag ggc cga gga atc acc gtg tcg ctg Ile Glu Gly Asn Met Asn Pro Lys Gly Arg Gly Ile Thr Val Ser Leu cga cgg ctc aag cac ttt gac tgc aag gaa aag cat gca cta ctg gac Arg Arg Leu Lys His Phe Asp Cys Lys Glu Lys His Ala Leu Leu Asp aga gcc aaa gag gac ttt gcc cag gct att ggc tgg tgt gtc tcg ctt Arg Ala Lys Glu Asp Phe Ala Gln Ala Ile Gly Trp Cys Val Ser Leu atc act gac tac cgc gtg cgg ctg ggc tgc ggc tcc ttc gcc ggg tcg lle Thr Asp Tyr Arg Val Arg Leu Gly Cys Gly Ser Phe Ala Gly Ser

ttc ttg gaa tat tac gct gct gat atc agc tat cct gtg cgc aag tct

Phe	Leu	Glu	Tyr	Tyr	Ala	Ala	Asp	Ile	Ser	Tyr	Pro	Val	Arg	Lys	Ser	
			495					500					505			
atc	caa	cag	gac	gtc	ctg	ggg	acc	agg	ttt	cct	cag	ctg	ggc	aag	ggg	1647
He	Gln	Gln	Asp	Val	Leu	Gly	Thr	Arg	Phe	Pro	Gln	Leu	Gly	Lys	Gly	
		510					515					520				*
gac	cct	gag	gag	cct	atg	ggg	gac	agc	cgg	ctg	gga	cag	tgg	cgg	cca	1695
Asp	Pro	Glu	Glu	Pro	Met	Gly	Asp	Ser	Arg	Leu	Gly	Gln	Trp	Arg	Pro	
	525					530					535					
tgc	agg	aag	gtg	ctg	cct	gac	cgc	tcc	agg	gct	gcc	cgg	gat	aaa	gcc	1743
Cys	Arg	Lys	Val	Leu	Pro	Asp	Arg	Ser	Arg	Ala	Ala	Arg	Asp	Lys	Ala	
540					545					550					555	•
aac	cag	aag	ctg	gtg	gag	tac	atc	gtg	aag	gcc	aag	ggt	gca	gag	agc	1791
Asn	Gln	Lys	Leu	Val	Glu	Tyr	Ile	Val	Lys	Ala	Lys	Gly	Ala	Glu	Ser	
				560					565					570		
cac	ctg	cgg	gc t	atc	ctg	cac	agc	cgc	aag	ccc	tca	cgc	tgg	ctg	aag	1839
His	Leu	Arg	Ala	Ile	Leu	His	Ser	Arg	Lys	Pro	Ser	Arg	Trp	Leu	Lys	
			575					580					585			
									•							
acg	ttc	ctg	agc	tcc	aat	cag	tac	gtg	aca	tgc	atg	gag	acg	tac	ctg	1887
Thr	Phe	Leu	Ser	Ser	Asn	Gln	Tyr	Val	Thr	Cys	Met	Glu	Thr	Tyr	Leu	
		590					595					600				
gag	gat	gag	gcg	cag	ctg	gat	gag	gtg	gtg	gag	tac	ctg	cag	ggc	gtc	1935
Glu	Asp	Glu	Ala	Gln	Leu	Asp	Glu	Val	Val	Glu	Tyr	Leu	Gln	Gly	Val	
	605					610					615					

tgc	cga	gac	atg	gat	ggc	gag	atg	cct	gcg	cgc	ggc	agc	ggc	gac	cgc	1983
Cys	Arg	qzA	Met	Asp	Gly	Glu	Met	Pro	Ala	Arg	Gly	Ser	Gly	Asp	Arg	1
620					625					630		•			635	
													٠			
atc	cgt	ttc	atc	ctg	gat	gtg	ctg	ctg	cct	gag	gcg	atc	atc	tgc	gcc	2031
Ile	Arg	Phe	Ile	Leu	Asp	Val	Leu	Leu	Pro	Glu	Ala	Ile	Ile	Cys	Ala	
				640					645					650		
atc	tcg	gca	gtg	gag	gca	gtg	gac	tac	aag	aca	gcc	gag	cag	aag	tac	2079
Ile	Ser	Ala	Val	Glu	Ala	Val	Asp	Tyr	Lys	Thr	Ala	Glu	Gln	Lys	Tyr	
			655					660					665			
ctc	cgt	ggc	ccc	aca	ctc	agc	tac	cgg	gaa	aag	gaa	atc	t t t	gac	aat	2127
Leu	Arg	Gly	Pro	Thr	Leu	Ser	Tyr	Arg	Glu	Lys	Glu	Ile	Phe	Asp	Asn	
		670					675					680				
gaa	ctc	ctg	gag	gag	agg	aac	cgt	cgc	cgt	cgc	tga	tgccs	gta į	gtcto	cacct	2180
Glu	Leu	Leu	Glu	Glu	Arg	Asn	Arg	Arg	Arg	Arg						
	685					690										
ggc	cagca	acc 8	gtgt	ctgtg	gg co	etge	cagag	g gco	ctgtg	gaga	atg	tgcta	aga :	agcaa	ıgaggc	2240
ctag	gtaai	tgt g	gctga	actt	tg a	tctg	tgca	t ggg	gttci	gcg	tct	tcago	ссс	tgago	ctggg	2300
agai	tcaga	agg (ccat	cttca	ac a	ctaga	aagao	c tgo	ctgca	atct	atg	aaca	gct	gctto	etggaa	2360
gtti	tctg	tgt g	gtgta	acgc	gt gi	tatg	tttgg	g tt	ttati	ttt	ttaa	atta	tta	ttttg	gtttat	2420
aaai	gcgi	ttt į	gaat	gcaaa	aa aa	aaaa	aaaa	a aaa	aaaa	ıaaa	aaaa	aaaa	aaa			2470

8/219

<210> 2

<211> 694

<212> PRT

<213> Rattus norvegicus

<400> 2

Met Thr Asp Ala Lys Tyr Val Leu Cys Arg Trp Glu Lys Arg Leu Trp

1 5 10 15

Pro Ala Lys Val Leu Ala Arg Thr Glu Thr Ser Ala Lys Asn Lys Arg
20 25 30

Lys Lys Glu Phe Phe Leu Asp Val Gln Ile Leu Ser Leu Lys Glu Lys

35 40 45

Ile Gln Val Lys Ser Ser Ala Val Glu Ala Leu Gln Lys Ser His Ile
50 55 60

Glu Asn Ile Ala Ala Phe Leu Ala Ser Gln Asn Glu Val Pro Ala Thr 65 70 75 80

Pro Leu Glu Glu Leu Thr Tyr Arg Arg Ser Leu Arg Val Ala Leu Asp
85 90 95

Val Leu Asn Glu Arg Thr Ser Leu Ser Pro Glu Ser His Pro Val Glu
100 105 110

Asn Gly Ser Thr Pro Ser Gln Lys Gly Lys Pro Asp Ala Asp Val Ala 115 120 125

Ser Arg Val Ser Ser Ala Pro Ser Pro Ser Phe Leu Ser Glu Asp Asp

9/219

130 135 140

Gln Ala Val Ala Ala Gln Cys Ala Ser Lys Arg Arg Trp Glu Cys Ser 145 150 155 160

Pro Lys Ser Leu Ser Pro Leu Ser Ala Ser Glu Glu Asp Leu Arg Cys
165 170 175

Lys Val Asp Pro Lys Thr Gly Leu Ser Glu Ser Gly Ala Leu Gly Thr 180 185 190

Glu Val Pro Ala Pro Thr Gly Asp Glu Ser Gln Asn Gly Ser Gly Ser 195 200 205

Gln Leu Asp His Gly Gln Glu Ser Thr Thr Lys Lys Arg Gln Arg Asn 210 215 220

Ser Gly Glu Lys Pro Ala Arg Arg Gly Lys Ala Glu Ser Gly Leu Ser 225 230 235 240

Lys Gly Asp Ser Val Ala Glu Ser Gly Gly Gln Ala Ser Ser Cys Val
245
250
255

Ala Leu Ala Ser Pro Arg Leu Pro Ser Gln Thr Trp Glu Gly Asp Pro
260 265 270

Cys Ala Gly Val Glu Gly Cys Asp Pro Val Glu Ser Ser Gly Asn Ile 275 280 285

Arg Pro Leu Leu Asp Ser Glu Arg Ser Lys Gly Arg Leu Thr Lys Arg
290 295 300

	ro 05	Arg	Leu	Asp	Gly	Gly 310	Arg	Asn	Pro	Leu	Pro 315	Arg	His	Leu	Gly	Thr
A	rg	Thr	Val	Gly	Ala 325	Val	Pro	Ser	Arg	Arg 330	Ser	Cys	Ser	Gly	Glu 335	Val
T	hr	Thr	Leu	Arg 340	Arg	Ala	Gly	Asp	Ser 345	Asp	Arg	Pro	Glu	Glu 350	Asp	Pro
M	et	Ser	Ser 355	Glu	Glu	Ser	Thr	Gly 360	Phe	Lys	Ser	Val	His 365	Ser	Leu	Leu
G	lu	G1u 370	Glu	Glu	Glu	Glu	Glu 375	Glu	Glu	Glu	Glu	Glu 380	Pro	Pro	Arg	Πe
	eu 85	Leu	Tyr	His	Glu	Pro 390	Arg	Ser	Phe	Glu	Val 395	Gly	Met	Leu	Val	Trp
L	eu	Lys	Tyr	Gln	Lys 405	Tyr	Pro	Phe	Trp	Pro 410	Ala	Val	Val	Lys	Ser 415	Val
A	rg	Arg	Arg	Asp 420	Lys	Lys	Ala	Ser	Val 425	Leu	Phe	Ile	Glu	Gly 430	Asn	Met
A	sn	Pro	Lys 435	Gly	Arg	Gly	Ile	Thr 440	Val	Ser	Leu	Arg	Arg 445	Leu	Lys	His
P	he	Asp 450	Суѕ	Lys	Glu	Lys	His 455	Ala	Leu	Leu	Asp	Arg 460	Ala	Lys	Glu	Asp

11/219

Phe Ala Gln Ala IIe Gly Trp Cys Val Ser Leu IIe Thr Asp Tyr Arg
465 470 475 480

Val Arg Leu Gly Cys Gly Ser Phe Ala Gly Ser Phe Leu Glu Tyr Tyr
485 490 495

Ala Ala Asp Ile Ser Tyr Pro Val Arg Lys Ser Ile Gln Gln Asp Val
500 505 510

Leu Gly Thr Arg Phe Pro Gln Leu Gly Lys Gly Asp Pro Glu Glu Pro 515 520 525

Met Gly Asp Ser Arg Leu Gly Gln Trp Arg Pro Cys Arg Lys Val Leu 530 535 540

Pro Asp Arg Ser Arg Ala Ala Arg Asp Lys Ala Asn Gln Lys Leu Val 545 550 555 560

Glu Tyr Ile Val Lys Ala Lys Gly Ala Glu Ser His Leu Arg Ala Ile 565 570 575

Leu His Ser Arg Lys Pro Ser Arg Trp Leu Lys Thr Phe Leu Ser Ser 580 585 590

Asn Gln Tyr Val Thr Cys Met Glu Thr Tyr Leu Glu Asp Glu Ala Gln
595 600 605

Leu Asp Glu Val Val Glu Tyr Leu Gln Gly Val Cys Arg Asp Met Asp 610 615 620

Gly Glu Met Pro Ala Arg Gly Ser Gly Asp Arg Ile Arg Phe Ile Leu

12/219

625 630 635 640

Asp Val Leu Leu Pro Glu Ala Ile Ile Cys Ala Ile Ser Ala Val Glu 645 650 655

Ala Val Asp Tyr Lys Thr Ala Glu Gln Lys Tyr Leu Arg Gly Pro Thr
660 665 670

Leu Ser Tyr Arg Glu Lys Glu Ile Phe Asp Asn Glu Leu Leu Glu Glu 675 680 685

Arg Asn Arg Arg Arg Arg 690

<210> 3

<211> 1585

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<220>

<221> CDS

<222> (48).. (1097)

<400> 3

accggaagtt gtatcgaggc ttccgcacat ggatacttct ggagaac atg cca ctg 56

Met Pro Leu

1

gtc gtg gtt tgc ggg ctg ccg tcc agc ggc aag agc cgg cgt acg gaa 104 Val Val Val Cys Gly Leu Pro Ser Ser Gly Lys Ser Arg Arg Thr Glu

13/219

gag tta cgt cgg gcg ctg acc ggc gag gga cgt tcg gtg tat gtg gtg Glu Leu Arg Arg Ala Leu Thr Gly Glu Gly Arg Ser Val Tyr Val Val gac gat gct tcg gtg ctg ggc gcg cag gat tcc act gtg tac ggc gac Asp Asp Ala Ser Val Leu Gly Ala Gln Asp Ser Thr Val Tyr Gly Asp tct gcg ggt gag aag gcg cta cgt gct gcg ctg cgg gcc gcg gta gag Ser Ala Gly Glu Lys Ala Leu Arg Ala Ala Leu Arg Ala Ala Val Glu cgg cgc ctg agc cgg cag gac gtg gtc atc cta gac tcc atg aac tac Arg Arg Leu Ser Arg Gln Asp Val Val Ile Leu Asp Ser Met Asn Tyr atc aag ggg ttc cgc tac gag ttg tac tgc ctt gcg cga gct gtg cgc Ile Lys Gly Phe Arg Tyr Glu Leu Tyr Cys Leu Ala Arg Ala Val Arg acg ccg ctc tgc tta gtt tac tgc ata agg ccc ggc tgg cca agc cgc Thr Pro Leu Cys Leu Val Tyr Cys Ile Arg Pro Gly Trp Pro Ser Arg ggg ctt ccg gtg cct ggc gcc tgc gag agc tcg gac ccg gct gtc agt Gly Leu Pro Val Pro Gly Ala Cys Glu Ser Ser Asp Pro Ala Val Ser

gtg agc tgg agg ccg cgc gcc gac tac ggc gag aag act cag gcg gtc 488

Val	Ser	Trp	Arg	Pro	Arg	Ala	Asp	Tyr	Gly	Glu	Lys	Thr	Gln	Ala	Val	
			135					140					145			
ggc	gct	gta	gag	cag	cgc	gcc	atc	agc	ссс	tta	gca	aat	ggg	gga	gtc	536
Gly	Ala	Val	Glu	Gln	Arg	Ala	Ile	Ser	Pro	Leu	Ala	Asn	Gly	Gly	Val	
		150					155					160				
ccg	acc	gc t	gtc	ccc	aag	gaa	ctg	gat	cca	aag	gat	atc	ctg	cca	tca	584
Pro	Thr	Ala	Val	Pro	Lys	Glu	Leu	Asp	Pro	Lys	Asp	Ile	Leu	Pro	Ser	
	165					170					175					
aat	cct	cca	gct	gta	atg	ac t	ccg	gaa	tcc	gag	aaa	tct	gca	gag	cct	632
Asn	Pro	Pro	Ala	Val	Met	Thr	Pro	Glu	Ser	Glu	Lys	Ser	Ala	Glu	Pro	
180					185					190					195	
gcg	cca	tgt	gcc	ttt	cct	ссс	gaa	ctt	ttg	gag	tcc	tta	gcg	ctg	cgc	680
Ala	Pro	Cys	Ala	Phe	Pro	Pro	Glu	Leu	Leu	Glu	Ser	Leu	Ala	Leu	Arg	
				200					205					210		
ttt	gaa	gc t	ccc	gac	tct	cgg	aac	cgc	tgg	gat	cga	ccc	ttg	ttc	acc	728
Phe	Glu	Ala	Pro	Asp	Ser	Arg	Asn	Arg	Trp	Asp	Arg	Pro	Leu	Phe	Thr	
			215					220					225			
													•	,		
gţg	gtg	ggt	tta	gaa	gag	cca	ttg	ccc	ctg	gct	gag	atc	cgg	tct	gca	776
Val	Val	Gly	Leu	Glu	Glu	Pro	Leu	Pro	Leu	Ala	Glu	Ile	Arg	Ser	Ala	
		230					235					240				
ctg	ttc	gag	aat	cgg	gc t	ccc	cca	ccc	cat	cag	tct	aca	cag	tcc	cag	824
Leu	Phe	Glu	Asn	Arg	Ala	Pro	Pro	Pro	His	Gln	Ser	Thr	Gln	Ser	Gln	
	245					250					255					

ссс	ctg	gcc	tct	ggc	agc	ttt	cta	cac	cag	ttg	gat	cag	gcc	acg	agc	872
Pro	Leu	Ala	Ser	Gly	Ser	Phe	Leu	His	Gln	Leu	Asp	Gln	Ala	Thr	Ser	
260					265					270					275	
cag	gtg	ttg	ac t	gct	gtg	atg	gaa	aca	cag	aag	agc	gct	gta	ccc	gga	920
Gln	Val	Leu	Thr	Ala	Val	Met	Glu	Thr	Gln	Lys	Ser	Ala	Val	Pro	Gly	
				280					285					290		
gac	t t a	cta	acg	ctt	cct	ggc	acc	acg	gag	cac	ctc	cga	ttt	acc	cgt	968
Asp	Leu	Leu	Thr	Leu	Pro	Gly	Thr	Thr	Glu	His	Leu	Arg	Phe	Thr	Arg	
			295					300					305			
ccc	ttg	acc	ttg	gca	gaa	ttg	agt	cgc	ctc	cgt	cgc	cag	ttt	at t	tcc	1016
Pro	Leu	Thr	Leu	Ala	Glu	Leu	Ser	Arg	Leu	Arg	Arg	Gln	Phe	Ile	Ser	
		310					315					320				
tac	ac t	aaa	atg	cat	ccc	aac	aat	gag	aac	ctg	cct	caa	ttg	gcc	aac	1064
Tyr	Thr	Lys	Met	His	Pro	Asn	Asn	Glu	Așn	Leu	Pro	Gln	Leu	Ala	Asn	
	325					330					335					
atg	ttt	ctt	cag	tat	ctg	aac	cag	agt	ttg	cac	taa	t ggg	ata ,	gtgg	tctgca	1117
Met	Phe	Leu	Gln	Tyr	Leu	Asn	Gln	Ser	Leu	His						
340					345					350						
gcg	gtgg	ctc	ttgt	ctga	at to	cccc	tgta	c t t	tggc	t agg	aaa	aata	gtc	cgaa	ggtctg	1177
caa	agcg	cac	tgta	gtac	tg a	gatg	ctaa	a tt	tgac	tcat	ttt	ctta	act;	gcct	ctgcca	1237
tac	cctg	agt į	gtgc	tgca	ta a	gctga	aggc	a tt	gagc	acca	gct	ccaa	aaa	tacca	aggtgg	1297
ctt	cggt	tgg :	aatc	tact	tg g	ggat	tctt	c ata	acac	tgtt	ttc	cttt	cat	cggga	acggag	1357

16/219

⟨210⟩ 4

<211> 350

<212> PRT

<213> Rattus norvegicus

<400> 4

Met Pro Leu Val Val Cys Gly Leu Pro Ser Ser Gly Lys Ser Arg

1 5 10 15

Arg Thr Glu Glu Leu Arg Arg Ala Leu Thr Gly Glu Gly Arg Ser Val
20 25 30

Tyr Val Val Asp Asp Ala Ser Val Leu Gly Ala Gln Asp Ser Thr Val
35 40 45

Tyr Gly Asp Ser Ala Gly Glu Lys Ala Leu Arg Ala Ala Leu Arg Ala
50 55 60

Ala Val Glu Arg Arg Leu Ser Arg Gln Asp Val Val Ile Leu Asp Ser 65 70 75 80

17/219

Met Asn Tyr Ile Lys Gly Phe Arg Tyr Glu Leu Tyr Cys Leu Ala Arg 85 90 95

Ala Val Arg Thr Pro Leu Cys Leu Val Tyr Cys Ile Arg Pro Gly Trp

100 105 110

Pro Ser Arg Gly Leu Pro Val Pro Gly Ala Cys Glu Ser Ser Asp Pro 115 120 125

Ala Val Ser Val Ser Trp Arg Pro Arg Ala Asp Tyr Gly Glu Lys Thr 130 135 140

Gln Ala Val Gly Ala Val Glu Gln Arg Ala Ile Ser Pro Leu Ala Asn 145 150 155 160

Gly Gly Val Pro Thr Ala Val Pro Lys Glu Leu Asp Pro Lys Asp Ile
165 170 175

Leu Pro Ser Asn Pro Pro Ala Val Met Thr Pro Glu Ser Glu Lys Ser 180 185 190

Ala Glu Pro Ala Pro Cys Ala Phe Pro Pro Glu Leu Leu Glu Ser Leu 195 200 205

Ala Leu Arg Phe Glu Ala Pro Asp Ser Arg Asn Arg Trp Asp Arg Pro
210 215 220

Leu Phe Thr Val Val Gly Leu Glu Glu Pro Leu Pro Leu Ala Glu Ile 225 230 235 240

Arg Ser Ala Leu Phe Glu Asn Arg Ala Pro Pro Pro His Gln Ser Thr

18/219

245 250 255

Gln Ser Gln Pro Leu Ala Ser Gly Ser Phe Leu His Gln Leu Asp Gln 260 265 270

Ala Thr Ser Gln Val Leu Thr Ala Val Met Glu Thr Gln Lys Ser Ala 275 280 285

Val Pro Gly Asp Leu Leu Thr Leu Pro Gly Thr Thr Glu His Leu Arg 290 295 300

Phe Thr Arg Pro Leu Thr Leu Ala Glu Leu Ser Arg Leu Arg Arg Gln 305 310 315 320

Phe Ile Ser Tyr Thr Lys Met His Pro Asn Asn Glu Asn Leu Pro Gln
325
330
335

Leu Ala Asn Met Phe Leu Gln Tyr Leu Asn Gln Ser Leu His
340 345

<210> 5

<211> 1879

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<220>

<221> CDS

<222> (343).. (1410)

<400> 5

ctag	ccce	gg (caggo	ccgg	gc gg	gggg	ggce	ttg	gacct	tgc	ggg	eggto	aa	accgg	gccacc	60
cgtt	tttc	cc 1	t ggcg	ggtgg	ge ge	ctcgg	ggagt	cts	gggtg	gggg	gcci	tegga	ıgc	caggg	ggccac	120
ggac	tgca	itc a	acggt	agag	ga ga	atteg	gcgag	cct	cage	gcga	ggga	acgca	ac	ctcca	agctcc	180
gcgg	gagao	cg a	agggt	ggc	ca cg	gtcca	ıggga	ı cai	tctco	ggt	tcat	ttcal	tg	ggtto	ectact	240
gtgt	gcto	ett a	atace	ggcgo	et ca	agcca	agcco	aa(ctgai	gtg	gago	egetg	gtg	cgcgg	gccctg	300
ctag	ggc t t	ct	ttgte	ggatg	gg co	gggg	gcgag	ggt	ectel	ttca				cgg (Arg <i>A</i>		354
gca	cgg	agt	agc	agg	gca	tgg	cac	ttt	gtc	ctg	agt	gca	gca	cgc	cga	402
Ala	Arg	Ser	Ser	Arg	Ála	Trp	His	Phe	Val	Leu	Ser	Ala	Ala	Arg	Arg	
5					10					15					20	
gat	aca	gat	gct	cga	gct	gtg	gc t	ctg	gca	ggc	aac	tct	aac	tgg	ggc	450
														Trp		
				25					30					35		
tac	gac	tct	gat	ggg	cag	cac	agc	gac	tcc	gac	tct	gac	cct	gag	tac	498
Tyr	Asp	Ser	Asp	Gly	Gln	His	Ser	Asp	Ser	Asp	Ser	Asp	Pro	Glu	Tyr	,
			40					45					50			
, ,	,	,			,	,		,	,	,	,	,				= 1.0
							•							gga		546
ser	ser		rro	rro	ser	116		ser	Ala	val	Pro		Inr	Gly	GIU	
		55					60			•		65				
tcc	ttc	tgt	gac	tgt	gag	ggc	cag	aat	gag	gct	acc	ttc	tgc	aac	agt	594

Ser	Phe	Cys	Asp	Cys	Glu	Gly	Gln	Asn	Glu	Ala	Thr	Phe	Cys	Asn	Ser	
	70					75					80					
									1	,					,	0.10
						•					-	ggt				642
	His	Thr	Ala	His		Gly	Lys	Asp	Cys		Cys	Gly	Glu	Glu	Asp	
85					90					95					100	
gag	gat	ttt	gat	tgg	gta	t gg	gat	gac	ctg	aac	ลลช	tcc	tca	gcc	acc	690
												Ser				
0 2 4		2 0	110,0	105	, 41		110 p	110 p	110	11011	11,0	001	501	115	1111	
				100					110					110		
ttg	ctg	agc	tgt	gat	aat	cga	aag	gtt	agc	ttt	cac	atg	gag	tac	agc	738
												Met				
			120					125					130			
													•			
tgt	ggc	aca	gca	gcc	att	cgg	ggc	acc	aag	gag	cta	ggg	gat	ggc	caa	786
Cys	Gly	Thr	Ala	Ala	Ile	Arg	Gly	Thr	Lys	Glu	Leu	Gly	Asp	Gly	Gln	
		135					140					145				
cac	ttc	tgg	gaa	atc	aag	atg	acc	tct	ccg	gtg	tat	ggc	ac t	gat	atg	834
His	Phe	Trp	Glu	Ile	Lys	Met	Thr	Ser	Pro	Val	Tyr	Gly	Thr	Asp	Met	
	150					155					160					
atg	gtg	ggc	atc	ggg	aca	tca	gac	gta	gac	ctg	gac	aag	tac	cac	cac	882
Met	Val	Gly	Ile	Gly	Thr	Ser	Asp	Val	Asp	Leu	Asp	Lys	Tyr	His	His	
165					170					175					180	
acg	ttc	tgc	agc	ctg	ctg	ggc	agg	gat	gaa	gac	agc	tgg	ggg	ctc	tcc	930
Thr	Phe	Cys	Ser	Leu	Leu	Gly	Arg	Asp	Glu	Asp	Ser	Trp	Gly	Leu	Ser	
				185					190					195		

tac	acg	ggg	ctc	ctc	cac	cac	aaa	ggc	gac	aag	acg	agc	ttc	tct	tca	978
Гуr	Thr	Gly	Leu	Leu	His	His	Lys	Gly	Asp	Lys	Thr	Ser	Phe	Ser	Ser	
			200					205					210			
cgc	ttc	ggc	cag	ggc	tct	atc	att	ggc	gta	cac	ttg	gac	acc	tgg	cat	1026
Arg	Phe	Gly	Gln	Gly	Ser	Ile	He	Gly	Val	His	Leu	Asp	Thr	Trp	His	
		215					220					225				
ggg	aca	ctg	act	ttt	ttc	aag	aat	agg	aag	tgc	ata	gga	gtg	gct	gcc	1074
Gly	Thr	Leu	Thr	Phe	Phe	Lys	Asn	Arg	Lys	Cys	Ile	Gly	Val	Ala	Ala	
	230					235					240					
act	cgg	ctt	cag	aac	aga	agg	ttc	tac	ccg	atg	gtc	tgc	tcg	acc	gcc	1122
Thr	Arg	Leu	Gln	Asn	Arg	Arg	Phe.	Tyr	Pro	Met	Val	Cys	Ser	Thr	Ala	
245		•			250					255					260	
			agc													1170
Ala	Lys	Ser	Ser		Lys	Val	He	Arg		Cys	Ala	Ser	Ser		Ser	
				265					270					275		
			ctg												,	1218
Leu	ĢIn	Tyr	Leu	Cys	Cys	Tyr	Arg		Arg	GIn	Leu	Arg		Asp	Ser	
			280					285					290			
			,			,						,				1000
			ctc													1266
Gly	Asp		Leu	Glu	Gly	Leu		Leu	Pro	Pro	Gly		Lys	Gln	Val	
		295					300					305				
•								_			``					
			aag													1314
Leu		Asn	Lys	Leu	Gly		Val	Leu	Ser	Met		Cys	Ser	His	Trp	
	310					315					320					

22/219

aca	tcc	cct	gca	ccc	cct	ccg	ggc	aca	gct	gcc	cca	gcc	gct	gag	aga	1362
Thr	Ser	Pro	Ala	Pro	Pro	Pro	Gly	Thr	Ala	Ala	Pro	Ala	Ala	Glu	Arg	
325					330					335					340	
gat	tcc	cgg	gag	acc	agg	ссс	tgt	cag	agg	aag	cgc	tgc	cga	aga	agc	1410
Asp	Ser	Arg	Glu	Thr	Arg	Pro	Cys	Gln	Arg	Lys	Arg	Cys	Arg	Arg	Ser	
				345					350					355		
tgac	ettet	tcc o	cggg	gaatg	gc ag	gaca	ccttt	ct	ttcti	tgcc	ctto	ccag	ggc	agcag	ggagag	1470
ggga	ıgaac	egg a	aggto	ctagg	gc t	tttc	cctgt	cto	ccce	gagg	ccas	ggac	agt	cttc	tctgtt	1530
ggc	atgg	gag	tgtga	acago	et g	ttcta	accgo	cts	gtgc	tggt	aggg	gaaa	cag	cacto	ecttee	1590
		·														
tgti	tgto	cct	ttgag	gttgo	cc a	tgtai	tcctg	g gga	agct	gcag	ccag	ggcg	tct	ggac	ctagat	1650
tcca	agco	ctg g	ggagg	gctgg	gc tg	gacga	aagtg	g gag	gtgca	attc	ata	tccc	agg	gaaga	agatgg	1710
1.						- 3	, , ,		3		,		, ,	, ,		4 2 2 0
gcış	gicco	cga (cccao	caggi	ic is	gtggg	ggili	tco	ctga	cttg	cati	tgca	tgt	tgtca	agcgcc	1770
4					-4				.		1	ı ı .		,	,	1000
igc)	CCI	gic a	ıcaga	ıgaış	gi Ca	ag i g	ggtgo	cc ·	ıggga	agg	gati	ıctg	tct	cgtco	ccata	1830
mont i	toto	too :	1 + 0.0.		m+	a t a c -	1									1070
ggı	luld	ıca	ııada	aagu	31 C	i ca (caaat	gaa	adada	ıaaa	aaaa	idad	1d			1879

⟨210⟩ 6

<211> 356

<212> PRT

<213> Rattus norvegicus

23/219

	~	- \		-
<4	11	٤١.	`	6
٧4.			_	m

Met Ala Arg Arg Ala Arg Ser Ser Arg Ala Trp His Phe Val Leu Ser 1 , 5 10 15

Ala Ala Arg Arg Asp Thr Asp Ala Arg Ala Val Ala Leu Ala Gly Asn 20 25 30

Ser Asn Trp Gly Tyr Asp Ser Asp Gly Gln His Ser Asp Ser Asp Ser 35 40 45

Asp Pro Glu Tyr Ser Ser Leu Pro Pro Ser Ile Pro Ser Ala Val Pro 50 55 60

Val Thr Gly Glu Ser Phe Cys Asp Cys Glu Gly Gln Asn Glu Ala Thr 65 70 75 80

Phe Cys Asn Ser Leu His Thr Ala His Arg Gly Lys Asp Cys Arg Cys
85 90 95

Gly Glu Glu Asp Glu Asp Phe Asp Trp Val Trp Asp Asp Leu Asn Lys

100 105 110

Ser Ser Ala Thr Leu Leu Ser Cys Asp Asn Arg Lys Val Ser Phe His
115 120 125

Met Glu Tyr Ser Cys Gly Thr Ala Ala Ile Arg Gly Thr Lys Glu Leu 130 135 140

Gly Asp Gly Gln His Phe Trp Glu Ile Lys Met Thr Ser Pro Val Tyr 145 150 155 160

24/219

Gly Thr Asp Met Met Val Gly Ile Gly Thr Ser Asp Val Asp Leu Asp 165 170 175

Lys Tyr His His Thr Phe Cys Ser Leu Leu Gly Arg Asp Glu Asp Ser 180 185 190

Trp Gly Leu Ser Tyr Thr Gly Leu Leu His His Lys Gly Asp Lys Thr
195 200 205

Ser Phe Ser Ser Arg Phe Gly Gln Gly Ser Ile Ile Gly Val His Leu 210 215 220

Asp Thr Trp His Gly Thr Leu Thr Phe Phe Lys Asn Arg Lys Cys Ile
225 230 235 240

Gly Val Ala Ala Thr Arg Leu Gln Asn Arg Arg Phe Tyr Pro Met Val
245
250
255

Cys Ser Thr Ala Ala Lys Ser Ser Met Lys Val Ile Arg Ser Cys Ala 260 265 270

Ser Ser Thr Ser Leu Gln Tyr Leu Cys Cys Tyr Arg Leu Arg Gln Leu 275 280 285

Arg Pro Asp Ser Gly Asp Thr Leu Glu Gly Leu Pro Leu Pro Pro Gly 290 295 300

Leu Lys Gln Val Leu His Asn Lys Leu Gly Trp Val Leu Ser Met Asn 305 310 315 320

Cys Ser His Trp Thr Ser Pro Ala Pro Pro Pro Gly Thr Ala Ala Pro

25/219

325 330 335

Ala Ala Glu Arg Asp Ser Arg Glu Thr Arg Pro Cys Gln Arg Lys Arg
340 345 350

Cys Arg Arg Ser 355

<210> 7

<211> 1055

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<220>

<221> CDS

<222> (102).. (551)

<400> 7

ctcaaaccct gccctccctg agggtagaag tggagtctgg gggtttagca gccggaaccc 60

ctcctctgtc acggagaaga gatggagcag ttcggctgag g atg gag tta gtt gct 116 Met Glu Leu Val Ala

1 5

cca gag gag aca ggg aag gta cct ccc atc gac tct cgc ccc aac tcc 164

Pro Glu Glu Thr Gly Lys Val Pro Pro Ile Asp Ser Arg Pro Asn Ser

10 15 20

cca gcc ctc tac ttc gat gcc agc ctg gtt cac aag tct cca gac cca 212 Pro Ala Leu Tyr Phe Asp Ala Ser Leu Val His Lys Ser Pro Asp Pro

26/219

25	30	35

ttc	gga	gct	gca	gca	gcc	cag	agc	ctc	agc	ctg	gc t	cgg	tcc	atg	ttg	260
Phe	Gly	Ala	Ala	Ala	Ala	Gln	Ser	Leu	Ser	Leu	Ala	Arg	Ser	Met	Leu	
		40					45					50				
						•										
gcc	atc	agc	ggt	cac	ctg	gac	agt	gat	gac	gac	agt	ggt	tcc	gga	agc	308
Ala	Ile	Ser	Gly	His	Leu	Asp	Ser	Asp	Asp	Asp	Ser	Gly	Ser	Gly	Ser	
	55					60					65					
ctg	gtt	ggc	att	gac	aac	aag	a t t	gaa	caa	gcc	atg	gac	ttg	gţg	aag	356
Leu	Val	Gly	Ile	Asp	Asn	Lys	Ile	Glu	Gln	Ala	Met	Asp	Leu	Val	Lys	
70					75					80					85	
tcc	cac	ctc	atg	ttt	gcc	gtg	cga	gag	gag	gtg	gag	gtg	ctg	aag	gag	404
Ser	His	Leu	Met	Phe	Ala	Val	Arg	Glu	Glu	Val	Glu	Val	Leu	Lys	Glu	
				90	1				95					100		
				90	,				95					100		
cag	atc	cgg	gac		gca	gag	cgg	aat		gca	ctg	gag	cag		aa t	452
									gct					gaa		452
				ctg					gct					gaa		452
			Asp	ctg				Asn	gct				Gln	gaa		452
Gln	Ile	Arg	Asp 105	ctg	Ala	Glu	Arg	Asn 110	gct Ala	Ala	Leu	Glu	Gln 115	gaa Glu	Asn	452 500
Gln gga	Ile	Arg ctg	Asp 105	ctg Leu	Ala	Glu gcc	Arg agc	Asn 110 ccg	gct Ala	Ala cag	Leu	Glu	Gln 115 cag	gaa Glu ctg	Asn	
Gln gga	Ile	Arg ctg	Asp 105	ctg Leu	Ala	Glu gcc	Arg agc	Asn 110 ccg	gct Ala	Ala cag	Leu	Glu	Gln 115 cag	gaa Glu ctg	Asn	
Gln gga	Ile	Arg ctg Leu	Asp 105	ctg Leu	Ala	Glu gcc	Arg agc Ser	Asn 110 ccg	gct Ala	Ala cag	Leu	Glu gcc Ala	Gln 115 cag	gaa Glu ctg	Asn	
Gln gga Gly	Ile ttg Leu	Arg ctg Leu 120	Asp 105 cgt Arg	ctg Leu	Ala ctg Leu	Glu gcc Ala	agc Ser 125	Asn 110 ccg Pro	gct Ala gag Glu	Ala cag Gln	Leu ctg Leu	Glu gcc Ala 130	Gln 115 cag Gln	gaa Glu ctg Leu	Asn cca Pro	
Gln gga Gly	lle ttg Leu	Arg ctg Leu 120	Asp 105 cgt Arg	ctg Leu gcc Ala	Ala ctg Leu	Glu gcc Ala	agc Ser 125	Asn 110 ccg Pro	gct Ala gag Glu	Ala cag Gln gca	Leu ctg Leu ccc	gcc Ala 130	Gln 115 cag Gln	gaa Glu ctg Leu	Asn cca Pro	500
Gln gga Gly	lle ttg Leu	Arg ctg Leu 120	Asp 105 cgt Arg	ctg Leu gcc Ala	Ala ctg Leu	Glu gcc Ala	agc Ser 125	Asn 110 ccg Pro	gct Ala gag Glu	Ala cag Gln gca	Leu ctg Leu ccc	gcc Ala 130	Gln 115 cag Gln	gaa Glu ctg Leu	Asn cca Pro	500

atc tgagccttct ttccctcaca atgtgccttt gggggctgcc actggccgcc

601

27/219

Ile

150150

gggccttgtg ccagcagcct gccccctctt cctatgtagc titaatgccc acgcccgacc 661

ccaatgccca gggatgggag ttgaggctaa atattggcct gtcccttccc acctggtctc 721

cccagaagcc tcaggccttg ccggaagaga aagaacccag gaggggatgt ttatctgaag 781

cccctcatcc atgaaagaac ccagccccac ctccttccct gggtattagt gttctgggga 841

gcccctcagc agcagatggc tcagaaagat ttggaggttc cctggcaggc cccctcacca 901

tcccaccttg ttctcttcaa gtgccccctc tcctctgccc agggaggggg tatggacagt 961

atcttcaact tcttggattc aggttgttat taaaataata attataatta aaaaaaatct 1021

gaagaaactt gaaaaaaaaa aaaaaaaaa aaaa

<210> 8

<211> 150

<212> PRT

<213> Rattus norvegicus

<400> 8

Met Glu Leu Val Ala Pro Glu Glu Thr Gly Lys Val Pro Pro Ile Asp 1 5 10 15

Ser Arg Pro Asn Ser Pro Ala Leu Tyr Phe Asp Ala Ser Leu Val His
20 25 30

28/219

Lys Ser Pro Asp Pro Phe Gly Ala Ala Ala Ala Gln Ser Leu Ser Leu 35 40 45

Ala Arg Ser Met Leu Ala Ile Ser Gly His Leu Asp Ser Asp Asp Asp 50 55 60

Ser Gly Ser Gly Ser Leu Val Gly Ile Asp Asn Lys Ile Glu Gln Ala 65 70 75 80

Met Asp Leu Val Lys Ser His Leu Met Phe Ala Val Arg Glu Glu Val 85 90 95

Glu Val Leu Lys Glu Gln Ile Arg Asp Leu Ala Glu Arg Asn Ala Ala 100 105 110

Leu Glu Gln Glu Asn Gly Leu Leu Arg Ala Leu Ala Ser Pro Glu Gln 115 120 125

Leu Ala Gln Leu Pro Ser Ser Gly Leu Pro Arg Leu Gly Pro Ser Ala 130 135 140

Pro Asn Gly Pro Ser Ile 145 150

<210> 9

<211> 878

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<220>

29/219

<221> CDS

<222> (54).. (596)

5

<400> 9

ggcacgagca gagagattgt cccaacagag aggcaattct attccctacc aac atg 56
. Met

1

aag ctg ttg ctg ctg ctg tgt ctg ggc ctg aca ctg gtc tgt ggc 104° Lys Leu Leu Leu Leu Cys Leu Gly Leu Thr Leu Val Cys Gly

10 15

cat gca gaa gaa gct agt tcc aca aga ggg aac ctc gat gtg gct aag 152 His Ala Glu Glu Ala Ser Ser Thr Arg Gly Asn Leu Asp Val Ala Lys 20 25 30

ctc aat ggg gat tgg ttt tct att gtc gtg gcc tct aac aaa aga gaa 200 Leu Asn Gly Asp Trp Phe Ser Ile Val Val Ala Ser Asn Lys Arg Glu 35 40 45

aag ata gaa gag aat ggc agc atg aga gtt ttt atg cag cac atc gat 248 Lys Ile Glu Glu Asn Gly Ser Met Arg Val Phe Met Gln His Ile Asp 50 55 60 65

gtc ttg gag aat tcc tta ggc ttc aag ttc cgt att aag gaa aat gga 296 Val Leu Glu Asn Ser Leu Gly Phe Lys Phe Arg Ile Lys Glu Asn Gly 70 75 80

gag tgc agg gaa cta tat ttg gtt gcc tac aaa acg cca gag gat ggc 344 Glu Cys Arg Glu Leu Tyr Leu Val Ala Tyr Lys Thr Pro Glu Asp Gly

90 95

			gtt	00		840	604	666							uug	392
Glu T	Гуr	Phe	Val	Glu	Tyr	Asp	Gly	Gly	Asn	Thr	Phe	Thr	Ile	Leu	Lys	
		100					105					110				
							1.									
aca g														-		440
Thr A		Tyr	Asp	Arg	Tyr	Val	Met	Phe	His	Leu	Ile	Asn	Phe	Ļys	Asn	
1	115					120					125					
ggg g																488
Gly C	Glu	Thr	Phe	GIn		Met	Val	Leu	Tyr		Arg	Thr	Lys	Asp		
130					135					140					145	
										,	, ,			,		-0.
agt t																536
Ser S	Ser	Asp	He		Glu	Lys	Phe	Ala		Leu	Cys	Glu	Ala		Gly	
				150					155					160		
oto c	a a t	0.00	~ 0.0	0.0.t	0 + 0	0 + +	ma t	0 + 0			t	~ a 1		1 1		Ε0.4
atc a																584
Ile T	1111	Arg		ASII	He	116	ASD		1111	Lys	inr	ASP		Cys	Leu	
			165					170					175			
cag g	or e	രന്മ	ന്നു	tora	າຕາລຸ	വന്ന് ഗ	e e t as	a cree :	te e	a or troop	e t ma c	r ta	മാരാ	c t t c		636
Gln <i>A</i>					ıgaac	155 (JUIG	aguu	10 0	igigi	Ligae	5 158	gaga			USU
UIII I	па	180	Uly													
		100														
teace	ന മ ന വ	ያያ ሮ 1	tetad	ocat.	ים רו	ratt.	teet	or tea	rator	ra or	atcı	r t orac	ora c	2 2 2 t	tctgcg	606
ioacc	cuge	540	ισιαε	50011	<i>5a</i> 00	Jaii		5 101	J ll 1 6 8	sago	arci	ιξα	sac	aaaı	icigos	030
atrts	gat t	tr (ratro	rtrte	ot ca	arao:	2222	o tou	raati	rrto	ot c	tete	rao	cate:	ttccct	756
	0u i i	, , , , (. u i U	J 1 U 1 E	5 i U	ivug(uaau	5 151	Juuil	JUIS	Sic		cag	σαισ		100
										11-1	1	. 1 1 1	. 1 .		cccac	010

31/219

ccatgatcat tccgcacaaa tatcttgctc ttgcagttca ataaatgatt acccttgcac 876

tt . 878

<210> 10

<211> 181

<212> PRT

<213> Rattus norvegicus

<400> 10

Met Lys Leu Leu Leu Leu Leu Cys Leu Gly Leu Thr Leu Val Cys

1 5 10 15

Gly His Ala Glu Glu Ala Ser Ser Thr Arg Gly Asn Leu Asp Val Ala
20 25 30

Lys Leu Asn Gly Asp Trp Phe Ser Ile Val Val Ala Ser Asn Lys Arg

35 40 45

Glu Lys Ile Glu Glu Asn Gly Ser Met Arg Val Phe Met Gln His Ile
50 55 60

Asp Val Leu Glu Asn Ser Leu Gly Phe Lys Phe Arg Ile Lys Glu Asn 65 70 75 80

Gly Glu Cys Arg Glu Leu Tyr Leu Val Ala Tyr Lys Thr Pro Glu Asp 85 90 95

Gly Glu Tyr Phe Val Glu Tyr Asp Gly Gly Asn Thr Phe Thr Ile Leu
100 105 110

32/219

Lys Thr Asp Tyr Asp Arg Tyr Val Met Phe His Leu Ile Asn Phe Lys
115 120 125

Asn Gly Glu Thr Phe Gln Leu Met Val Leu Tyr Gly Arg Thr Lys Asp 130 135 140

Leu Ser Ser Asp Ile Lys Glu Lys Phe Ala Lys Leu Cys Glu Ala His

145 150 155 160

Gly Ile Thr Arg Asp Asn Ile Ile Asp Leu Thr Lys Thr Asp Arg Cys
165 170 175

Leu Gln Ala Arg Gly 180

<210> 11

<211> 1124

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<220>

<221> CDS

<222> (23).. (868)

<400> 11

gccgctgcca ccgcaccccg cc atg gag cgg ccg tcg ctg cgc gcc ctg ctc 52 Met Glu Arg Pro Ser Leu Arg Ala Leu Leu

1

5

10

ctc	ggc	gcc	gct	ggg	ctg	ctg	ctc	ctg	ctc	ctg	ccc	ctc	tcc	tct	tcc	100
Leu	Gly	Ala	Ala	Gly	Leu	Leu	Leu	Leu	Leu	Leu	Pro	Leu	Ser	Ser	Ser	
				15					20					25		
			•													
tcc	tct	tcg	gac	acc	tgc	ggc	ccc	tgc	gag	ccg	gcc	tcc	tgc	ccg	ccc	148
Ser	Ser	Ser	Asp	Thr	Cys	Gly	Pro	Cys	Glu	Pro	Ala	Ser	Cys	Pro	Pro	
			30					35					40			
ctg	ccc	ccg	ctg	ggc	tgc	ctg	ctg	ggc	gag	acc	cgc	gac	gcg	tgc	ggc	196
Leu	Pro	Pro	Leu	Gly	Cys	Leu	Leu	Gly	Glu	Thr	Arg	Asp.	Ala	Cys	Gly	
		45	٠				50					55				
tgc	tgc	cct	atg	tgc	gcc	cgc	ggc	gag	ggc	gag	ccg	tgc	ggg	ggt	ggc	244
Cys	Cys	Pro	Met	Cys	Ala	Arg	Gly	Glu	Gly	Glu	Pro	Cys	Gly	Gly	Gly	
	60					65					70					
ggc	gcc	ggc	agg	ggg	tac	tgc	gcg	ccg	ggc	atg	gag	tgc	gtg	aag	agc	292
Gly	Ala	Gly	Arg	Gly	Tyr	Cys	Ala	Pro	Gly	Met	Glu	Cys	Val	Lys	Ser	
75					80					85					90	
cgc	aag	agg	cgg	aag	ggt	aaa	gcc	ggg	gca	gca	gcc	ggc	ggt	ccg	ggt	340
Arg	Lys	Arg	Arg	Lys	Gly	Lys	Ala	Gly	Ala	Ala	Ala	Gly	Gly	Pro	Gly	
			•	95					100					105		
																•
gta	agc	ggc	gtg	tgc	gtg	tgc	aag	agc	cgc	tac	ccg	gtg	tgc	ggc	agc	388
Val	Ser	Gly	Val	Cys	Val	Cys	Lys	Ser	Arg	Tyr	Pro	Val	Cys	Gly	Ser	
			110					115					120			
gac	ggc	acc	acc	tac	ccg	agc	ggc	tgc	cag	ctg	cgc	gcc	gcc	agc	cag	436
Asp	Gly	Thr	Thr	Tyr	Pro	Ser	Gly	Cys	Gln	Leu	Arg	Ala	Ala	Ser	Gln	
		125					130					135				

agg	gcc	gag	agc	cgc	ggg	gag	aag	gcc	atc	acc	cag	gtc	agc	aag	ggc	484
Arg	Ala	Glu	Ser	Arg	Gly	Glu	Lys	Ala	Ile	Thr	Gln	Val	Ser	Lys	Gly	
	140					145					150					
																•
acc	tgc	gag	caa	ggt	cct	tcc	ata	gtg	acg	ссс	ссс	aag	gac	atc	tgg	532
Thr	Cys	Glu	Gln	Gly	Pro	Ser	Ile	Val	Thr	Pro	Pro	Lys	Asp	Ile	Trp	
155					160					165					170	
aat	gťc	ac t	ggt	gcc	cag	gtg	tac	ttg	agc	tgt	gag	gtc	atc	gga	atc	580
Asn	Val	Thr	Gly	Ala	Gln	Val	Ţyr	Leu	Ser	Cys	Glu	Val	Ile	Gly	Ile	
				175					180					185		
ccg	aca	cct	gtc	ctc	atc	tgg	aac	aag	gta	aaa	agg	ggt	cac	tat	gga	628
Pro	Thr	Pro	Val	Leu	Ile	Trp	Asn	Lys	Val	Lys	Arg	Gly	His	Tyr	Gly	
			190					195					200			
gtt	caa	agg	aca	gaa	ctc	ctg	cct	ggt	gac	cgg	gac	aac	ctg	gcc	att	676
Val	Gln	Arg	Thr	Glu	Leu	Leu	Pro	Gly	Asp	Arg	Asp	Asn	Leu	Ala	Ile	
		205					210					215				
cag	acc	cgg	ggt	ggc	cca	gaa	aag	cat	gaa	gta	act	ggc	tgg	gtg	ctg	724
Gln	Thr	Arg	Gly	Gly	Pro	Glu	Lys	His	Glu	Val	Thr	Gly	Trp	Val	Leu	
	220					225					230					
gta	tct	cct	cta	agt	aag	gaa	gat	gct	gga	gaa	tat	gag	tgc	cat	gca	772
	Ser														_	
235					240		-		-	245	-		-		250	
tcc	aat	tcc	caa	gga	cag	gct	tca	gea	tca	gca	ลลล	att	aca	gtg	gtt	820
		Ser														

35/219

255 260 265

gat gcc tta cat gaa ata cca gtg aaa aaa ggt gaa ggt gcc gag cta 868 Asp Ala Leu His Glu Ile Pro Val Lys Lys Gly Glu Gly Ala Glu Leu 270 275 280

taaacctcca gaatattatt agtctgcatg gttaaaagta gtcatggata actacattac 928
ctgttcttgc ctaataagtt tcttttaatc caatccacta acactttagt tatattcact 988
ggttttacac agagaaatac aaaataaaga tcacacatca agactatcta caaaaattta 1048
ttatatattt acagaagaaa agcatgcata tcattaaaca aataaaatac tttttatcac 1108
aaaaaaaaaa aaaaaa

<210> 12

<211> 282

<212> PRT

<213> Homo sapiens

<400> 12

Met Glu Arg Pro Ser Leu Arg Ala Leu Leu Gly Ala Ala Gly Leu

1 5 10 15

Leu Leu Leu Leu Pro Leu Ser Ser Ser Ser Ser Ser Asp Thr Cys
20 25 30

Gly Pro Cys Glu Pro Ala Ser Cys Pro Pro Leu Pro Pro Leu Gly Cys
35 40 45

36/219

Leu Leu Gly Glu Thr Arg Asp Ala Cys Gly Cys Cys Pro Met Cys Ala 50 55 60

Arg Gly Glu Gly Glu Pro Cys Gly Gly Gly Gly Ala Gly Arg Gly Tyr 65 70 75 80

Cys Ala Pro Gly Met Glu Cys Val Lys Ser Arg Lys Arg Arg Lys Gly
85 90 95

Lys Ala Gly Ala Ala Ala Gly Gly Pro Gly Val Ser Gly Val Cys Val
100 105 110

Cys Lys Ser Arg Tyr Pro Val Cys Gly Ser Asp Gly Thr Thr Tyr Pro
115 120 125

Ser Gly Cys Gln Leu Arg Ala Ala Ser Gln Arg Ala Glu Ser Arg Gly
130 135 140

Glu Lys Ala Ile Thr Gln Val Ser Lys Gly Thr Cys Glu Gln Gly Pro
145 150 155 160

Ser Ile Val Thr Pro Pro Lys Asp Ile Trp Asn Val Thr Gly Ala Gln 165 170 175

Val Tyr Leu Ser Cys Glu Val IIe Gly IIe Pro Thr Pro Val Leu IIe 180 185 190

Trp Asn Lys Val Lys Arg Gly His Tyr Gly Val Gln Arg Thr Glu Leu 195. 200 205

37/219

Leu Pro Gly Asp Arg Asp Asn Leu Ala Ile Gln Thr Arg Gly Gly Pro
210 215 220

Glu Lys His Glu Val Thr Gly Trp Val Leu Val Ser Pro Leu Ser Lys 225 230 235 240

Glu Asp Ala Gly Glu Tyr Glu Cys His Ala Ser Asn Ser Gln Gly Gln
245 250 255

Ala Ser Ala Ser Ala Lys Ile Thr Val Val Asp Ala Leu His Glu Ile
260 265 270

Pro Val Lys Lys Gly Glu Gly Ala Glu Leu 275 280

1

<210> 13

<211> 1043

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<220>

<221> CDS

<222> (15).. (674)

<400> 13

ggccggccgg cacg atg ttg ggc gcg agc cgc ggg tta gcg ggt ctg acg 50 Met Leu Gly Ala Ser Arg Gly Leu Ala Gly Leu Thr

5

10

ctg ctg ggg ctg ctg ctg gcg ctc tcg gtg cgg agc ggt ggc gcg tcg 98

Leu	Leu	Gly	Leu	Leu	Leu	Ala	Leu	Ser	Val	Arg	Ser	Gly	Gly	Ala	Ser	
		15					20					25				
aag	gcc	agc	gcc	ggg	cta	gtg	acc	tgc	ggg	tca	gtg	ctg	aag	cta	ctc	146
Lys	Ala	Ser	Ala	Gly	Leu	Val	Thr	Cys	Gly	Ser	Val	Leu	Lys	Leu	Leu	
	30					35					40					
aac	acc	cac	cac	aga	gtg	cgg	ctg	cac	tca	cat	gac	atc	aaa	tac	gga	194
Asn	Thr	His	His	Arg	Val	Arg	Leu	His	Ser	His	Asp	Ile	Lys	Tyr	Gly	
45					50					55					60	
tcc	ggc	agc	ggc	caa	cag	tcġ	gta	acc	ggc	gtg	gag	gcg	tcc	gac	gat	242
Ser	Gly	Ser	Gly	Gln	Gln	Ser	Val	Thr	Gly	Val	Glu	Ala	Ser	Asp	Asp	
				65					70					75		
gcc	aat	agt	tac	tgg	cga	a t t	cgc	ggc	ggc	tcc	gag	ggt	ggg	tgc	ccg	290
Ala	Asn	Ser	Tyr	Trp	Arg	Ile	Arg	Gly	Gly	Ser	Glu	Gly	Gly	Cys	Pro	
			80					85					90			
						•							*			
cgc	ggg	ctc	cca	gtg	cgc	tgt	ggg	cag	gca	gtg	cgg	ctc	acg	cac	gtg	338
Arg	Gly	Leu	Pro	Val	Arg	Cys	Gly	Gln	Ala	Val	Arg	Leu	Thr	His	Val	
		95					100					105				
ctc	acc	ggc	aag	aac	ctg	cac	acg	cac	cac	ttc	ccg	tca	ccg	cta	tcc	386
Leu	Thr	Gly	Lys	Asn	Leu	His	Thr	His	His	Phe	Pro	Ser	Pro	Leu	Ser	
	110					115					120					
aac	aac	cag	gag	gtg	agt	gct	t t t	ggg	gaa	gac	ggt	gag	.ggt	gat	gac	434
Asn	Asn	Gln	Glu	Val	Ser	Ala	Phe	Gly	Glu	Asp	Gly	Glu	Gly	Asp	Asp	
125					130					135					140	

2
)
3
6
4
4
4
4
4
-
4
•
34

40/219

1043

<210> 14

<211> 220

<212> PRT

<213> Rattus norvegicus

<400> 14

Met Leu Gly Ala Ser Arg Gly Leu Ala Gly Leu Thr Leu Leu Gly Leu

1 5 10 15

Leu Leu Ala Leu Ser Val Arg Ser Gly Gly Ala Ser Lys Ala Ser Ala
20 25 30

Gly Leu Val Thr Cys Gly Ser Val Leu Lys Leu Leu Asn Thr His His

35 40 45

Arg Val Arg Leu His Ser His Asp Ile Lys Tyr Gly Ser Gly Ser Gly 50 55 60

Gln Gln Ser Val Thr Gly Val Glu Ala Ser Asp Asp Ala Asn Ser Tyr 65 70 75 80

Trp Arg Ile Arg Gly Gly Ser Glu Gly Gly Cys Pro Arg Gly Leu Pro
85 90 95

Val Arg Cys Gly Gln Ala Val Arg Leu Thr His Val Leu Thr Gly Lys
100 105 110

41/219

Asn Leu His Thr His His Phe Pro Ser Pro Leu Ser Asn Asn Gln Glu
115 120 125

Val Ser Ala Phe Gly Glu Asp Gly Glu Gly Asp Asp Leu Asp Leu Trp 130 135 140

Thr Val Arg Cys Ser Gly Gln His Trp Glu Arg Glu Ala Ser Val Arg 145 150 155 160

Phe Gln His Val Gly Thr Ser Val Phe Leu Ser Val Thr Gly Glu Gln
165 170 175

Tyr Gly Asn Pro Ile Arg Gly Gln His Glu Val His Gly Met Pro Ser 180 185 190

Ala Asn Ala His Asn Thr Trp Lys Ala Met Glu Gly Ile Phe Ile Lys
195 200 205

Pro Gly Ala Asp Pro Ser Thr Gly His Asp Glu Leu 210 215

<210> 15

<211> 844

<212> DNA

<213 > Homo sapiens

<220>

<221> CDS

<222> (39).. (701)

11	Λ	Λ	\	1	_
<4	IJ	U	>	1	ก

ggcccctggg	cccgaggggc	tggagccggg	ccggggcg	atg	tgg	agc	gcg	ggc	cgc	56
				Met	Trp	Ser	Ala	Gly	Arg	
				1				5		

ggc	ggg	gc t	gcc	tgg	ccg	gtg	ctg	ttg	ggg	ctg	ctg	ctg	gcg	ctg	tta	104
Gly	Gly	Ala	Ala	Trp	Pro	Val	Leu	Leu	Gly	Leu	Leu	Leu	Ala	Leu	Leu	
	10				15					20						

- gtg ccg ggc ggt ggt gcc gcc aag acc ggt gcg gag ctc gtg acc tgc 152
 Val Pro Gly Gly Gly Ala Ala Lys Thr Gly Ala Glu Leu Val Thr Cys
 25 30 35
- ggg tcg gtg ctg aag ctg ctc aat acg cac cac cgc gtg cgg ctg cac 200
 Gly Ser Val Leu Lys Leu Leu Asn Thr His His Arg Val Arg Leu His
 40 45 50
- tcg cac gac atc aaa tac gga tcc ggc agc ggc cag caa tcg gtg acc 248

 Ser His Asp Ile Lys Tyr Gly Ser Gly Ser Gly Gln Gln Ser Val Thr

 55 60 65 70
- ggc gta gag gcg tcg gac gcc aat agc tac tgg cgg atc cgc ggc 296 Gly Val Glu Ala Ser Asp Asp Ala Asn Ser Tyr Trp Arg Ile Arg Gly 75 80 85
- ggc tcg gag ggc ggg tgc cgc cgc ggg tcc ccg gtg cgc tgc ggg cag 344 Gly Ser Glu Gly Gly Cys Arg Arg Gly Ser Pro Val Arg Cys Gly Gln 90 95 100
- gcg gtg agg ctc acg cat gtg ctt acg ggc aag aac ctg cac acg cac 392 Ala Val Arg Leu Thr His Val Leu Thr Gly Lys Asn Leu His Thr His

43/219

		105					110					115				
cac	ttc	ccg	tcg	ccg	ctg	tcc	aac	aac	cag	gag	gtg	agt	gcc	ttt	ggg	440
His	Phe	Pro	Ser	Pro	Leu	Ser	Asn	Asn	Gln	Glu	Val	Ser	Ala	Phe	Gly	
	120					125					130					
gaa	gac	ggc	gag	ggc	gac	gac	ctg	gac	cta	tgg	aca	gtg	cgc	tgc	t.c.t	488
	Asp															100
	пор	ory	oru	dly		пър	LCu	пор	Lou		1111	741	ms	Oys		
135					140					145		•			150	
gga	cag	cac	tgg	gag	cgt	gag	gct	gct	gtg	cgc	ttc	cag	cat	gtg	ggc	536
Gly	Gln	His	Trp	Glu	Arg	Glu	Ala	Ala	Val	Arg	Phe	Gln	His	Val	Gly	
				155	1				160					165		
acc	tct	gtg	ttc	ctg	tca	gtc	acg	ggt	gag	cag	tat	gga	agc	ссс	atc	584
Thr	Ser	Val	Phe	Leu	Ser	Val	Thr	Gly	Glu	Gln	Tyr	Gly	Ser	Pro	Ile	
			170					175					180			
cgt	ggg	cag	cat	gag	gtc	cac	ggc	atg	ccc	agt	gcc	aac	acg	cac	aat	632
Arg	Gly	Gln	His	Glu	Val	His	Gly	Met	Pro	Ser	Ala	Asn	Thr	His	Asn	
		185	•				190					195				
acg	tgg	aag	gcc	atg	gaa	ggc	atc	ttc	atc	aag	cc t	agt	gtg	gag	ccc	680
	Trp															
	200	_, _		1,200		205	110		110	2,5	210	501	, 41	oru	110	
tct	gca	ggt	cac	gat	gaa	ctc	tga	gtgt	gtg g	gatg	gatgg	gg t	ggat	ggag	g '	731
Ser	Ala	Gly	His	Asp	Glu	Leu										
215					220											

gtggcaggtg gggcgtctgc agggccactc ttggcagaga ctttgggttt gtaggggtcc 791

44/219

<210> 16

<211> 221

<212> PRT

<213> Homo sapiens

<400> 16

Met Trp Ser Ala Gly Arg Gly Gly Ala Ala Trp Pro Val Leu Leu Gly

1 5 10 15

Leu Leu Leu Ala Leu Leu Val Pro Gly Gly Gly Ala Ala Lys Thr Gly
20 25 30

Ala Glu Leu Val Thr Cys Gly Ser Val Leu Lys Leu Leu Asn Thr His

35 40 45

His Arg Val Arg Leu His Ser His Asp Ile Lys Tyr Gly Ser Gly Ser 50 55 60

Gly Gln Gln Ser Val Thr Gly Val Glu Ala Ser Asp Asp Ala Asn Ser 65 70 75 80

Tyr Trp Arg Ile Arg Gly Gly Ser Glu Gly Gly Cys Arg Arg Gly Ser
85 90 95

Pro Val Arg Cys Gly Gln Ala Val Arg Leu Thr His Val Leu Thr Gly
100 105 110

45/219

Lys Asn Leu His Thr His His Phe Pro Ser Pro Leu Ser Asn Asn Gln
115 120 125

Glu Val Ser Ala Phe Gly Glu Asp Gly Glu Gly Asp Asp Leu Asp Leu 130 135 140

Trp Thr Val Arg Cys Ser Gly Gln His Trp Glu Arg Glu Ala Ala Val 145 150 155 160

Arg Phe Gln His Val Gly Thr Ser Val Phe Leu Ser Val Thr Gly Glu 165 170 175

Gln Tyr Gly Ser Pro Ile Arg Gly Gln His Glu Val His Gly Met Pro 180 185 190

Ser Ala Asn Thr His Asn Thr Trp Lys Ala Met Glu Gly Ile Phe Ile 195 200 205

Lys Pro Ser Val Glu Pro Ser Ala Gly His Asp Glu Leu 210 215 220

<210>17

<211> 927

<212>DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 17

angctcgaaa ttaaccctca ctaaagggaa caaaagctgg agctccaccg cggtggcggc 60

cgctctagaa ctagtggatc ccccgggctg caggaattcg gcacgaggga cagagagcgc 120

46/219

atggagatgg gaagactgtc gccacccaga cagccacgca agtgccttta actttgagaa 180 ggccttttct ccttttctga tttggtgcta cggactcacg acagaactca gacaccagca 240 gacaagagtc tcggcctagg tggcggtggc cactctggcc agacgaaagc cagtttgttt 300 ctgatttttg ccttctttac aactaagcag ttttgtgtag cagggcaggc ctgttccggc 360 cagctttctt ttaagatccg ggttaatttt cctttccagc agccttctct ctggagtggc 420 ctctaccaca ctaacaggag gtgtcttcag agtatggaca gctagccacg aggcccctcc 480 gctcctggga gggctactcc gttcctagga caccagaggc cacaaactag ggttgggcca 540 caagcacaca atgctttctt ccacggcagg aattcatacc aaaaccacaa gcaaaaaaca 600 aaacaaaaaa aaaaaaaaaa aactcgaggg ggggcccggt acccaattcg ccctatagtg 660 gagtcgtatt acaattcant gggccgtcgt tttacaacgt cgtgactggg aaaaccctgg 720 ggttacccaa ctttaatcgc cttgnagcaa atcccccttt tggccagctg gggtaatagc 780 gaagaaggcc cgnaccggat tggcctttcc aaaagttgcg cagcttgaat ggggaatggg 840 aaattgtaag gggtaanaat ttggttaaaa atcggngtta aaattttggt aaaatcaggc 900 ccanttttt aacccaaaaa ggggggg 927

47/219

<211> 933

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 18

caaggtcgaa attaaccctc actaaaggga acaaaagctg gagctccacc gcggtggcgg 60 tgatctatct ctccgttctc catggctctg.atgtcaggcc gcagcctgca gtcagtcttg 180 ggaatcacgg tctccatctc cttgtctacc tcattcaaga ccatggcaaa gctggtaaaa 240 ttatacatct gagcagagtt gggaggccgc ggggctatcc gccacaggag cgcactgcca 300 ggaataacaa atacgctctc agagtccggc actgggcatt tcgtcagact cctcagatgg 360 cgcttgcctg tttggctgtt cttcttctct tctgtgtttt tcttatcgtt ttttttgtaa 420 gcgtcaaaag tggcagggtc tacactgtac aagcactcgg tccacttccc gtagagagca 480 cagagitici titigcitti anciiggatg tagcciicaa ciitgigtaa ticciigcca 540 aaaagaccac atggcttaaa attcaacaca cacttgtccc cagtcttgtg gtttangatt 600 tccacattgc catactgttc gatccagagt ttgcccacga tgatgttatg cacacagcag 660 tggggttigt ccatgigtat gggggggcc cggtacccaa tcgncctana gtgagicgta 720 atacaattca cngggccggt cggtttacaa agtcgtggaa tgggaaaaac ctgggcggtt 780

48/219

acccaaactt naatcgcctt gcagcaaaaa ccccctttcg gcaaannggg ggnaaaaagc 840 gaanaaggcc cggaancgga attggcncct tccccaaaaa gnttgcggac nctngaaaag 900 ggggaaatgg gcaaaatgga aaancggtta aaa

<210> 19

<211> 933

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 19

caaggicgaa attaacccic actaaagga acaaaagcig gagciccacc gcggiggcgg 60
ccgcictaga actagiggat cccccgggct gcaggiiitt tiititiitt ticacnagci 120
tgatciatci ciccgiict caiggcictg atgicaggcc gcagccigca gicagiciig 180
ggaatcacgg tciccatcic ctigictacc icaticaaga ccaiggcaaa gciggiaaaa 240
ttatacatci gagcagagti gggaggccgc ggggciatcc gccacaggag cgcacigca 300
ggaataacaa atacgcictc agagiccggc actgggatt tcgicagact ccicagaigg 360
cgciigccig tiiggcigii ciictictci icigigiiii tcitaicgii tiitiigiaa 420
gcgicaaaag iggcagggic tacactgiac aagcactcgg tccacticcc gtagagagca 480
cagagtiict tiitigciitt anctiggatg tagccitcaa ciitigigtaa ttcctigcca 540

49/219

aaaagaccac atggcttaaa attcaacaca cacttgtccc cagtcttgtg gtttangatt 600

tccacattgc catactgttc gatccagagt ttgcccacga tgatgttatg cacacagcag 660

tggggtttgt ccatgtgtat ggggggggcc cggtacccaa tcgncctana gtgagtcgta 720

atacaattca cngggccggt cggtttacaa agtcgtggaa tgggaaaaac ctgggcggtt 780

acccaaactt naatcgcctt gcagcaaaaa ccccctttcg gcaaannggg ggnaaaaagc 840

gaanaaggcc cggaancgga attggcncct tccccaaaaa gnttgcggac nctngaaaag 900

ggggaaatgg gcaaaatgga aaancggtta aaa 933

<210> 20

<211> 942

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 20

caagngcgaa attaaccctc actaaaggga acaaaagctg gagctccacc gcggtggcgg 60 ccgctctaga actagtggat cccccgggct gcaggctgac tttataggaa aactgattat 120 atcaatgtgt atatgtgtta tatatacata tattcaatac tgccttctct ttttgtctac 180 agtatcaaaa ttgactgacg gaatcatgaa aagaatgttc cccatcacca tttagagttt 240 tattttgtt ttctttgttt atcaatgaat ggtgtaagaa tcaagtctct tgttttttg 300

50/219

aagaaaaaaa gcaatattcc tigaagagca aggaggattg aaggattttg titgagtgag 360 gaacagagti cataactagt ttgttggata cttgtaaggt tggtatcttt gtgggcctat 420 atactctaaa atgaaccttg gtggcttgtg ggccattact tgacctatga atctttaagg 480 gcacaatcag ttatctttta catataaaga tcgcttggag tgatggccac cgctcctgcc, 540 cgncctccct ccctcccttc cttccgggaa aannngcggg ncnnnnnncc nccnnncnnn 600 cccnncnnnn nnnnnnnnn nnnnnnngcc gnggggggn ccggnnnccn nnngnccnnn 660 nnnnnnnn nnnnnnnn nnnnnnnnn nn 942

<210> 21

<211> 929

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 21

ncaagegeng aaattaacce teactaaagg gaacaaaage tggageteea eegeggtgge 60

51/219

ggccgctcta gaactagtgg atccccggg ctgcagggtt gcgggctttg aaccgcctgg 120 ccgcgcgcc cgggggccag cccccaaccc tgctccttct gcccgtgcgc ggccgcaaga 180 cccgccacga tccgcctgcc aagtccaagg tcgggcgcgt gaaaatgcct cctgcagtgg 240 accetgegga attgttegtg ttgacegage getacegaea gtacegggag aeggtgegeg 300 ctctcaggcg agagttcaca ttggaggtgc gagggaaatt gcacgaggcc cgagccgggg 360 ttctggctga gcgcaaggcg caagaggcca tcagagagca ccaggagctg atggcctgga 420 accgggagga gaaccggaga ctgcaggaac tacgggatag ctaggttgca gctcgaagca 480 caggcccagg agctgcggca ggctgaggtc caggcccaga gggcccagga ggagcaggct 540 tgggtgcaac tgaaagaaca agaagttctc aaactgcagg aggaggccaa aaacttcatc 600 actcggggag aacctggagg gcacggatag aagaggcctt ggactctccg aagagttata 660 actggggcgg ttcaccaaag aagggcaggt ggttcaggaa ctgagaacag aggctcttca 720 ggcccaaata aggacatgct tgcctaagga tggatattgg ggtagaaatt ggtgcatccc 780 aggaggging caanancitg ticcagagen agececcatt teatiteina gantingeae 840 caaggtatag taccetgtte ttgacaceaa catnecaaac ttegggacag canttaaaac 900 tcctgggnaa nttctatcaa accagaagg 929

52/219

<210> 22

<211> 925

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 22

ncaagegneg aaattaacce teactaaagg gaacaaaage tggageteea cegeggtgge 60 ggccgctcta gaactagtgg atccccggg ctgcaggaat tcggcacgag atggcagacg 120 tecteccage tatgeagaag acaactictg gagteagite tgteaaceat gigggietea 180 gggatggaac tcagttggtc atgattggca gcaagcacct ttacctgctg acccacctca 240 gcactcctga tggagcagat gtagatgaac aatatcatct atgaaacatt ccaaacaaaa 300 ctaacttgaa tccatcaagc cttcccatca aacacgcaat ttttttaatt tgttttatta 360 ttttttgatg tctgtgtgtt atgtctgcat gtatgtctgt gtgccatgtt tgttcccggt 420 gcccctgga agtcagaaga aggaatcaga tcccctagaa ctggagtttc agaaagatga 480 gctgcaggtg ggggctggga attgaacctg tgtcctctgg aagagcagct ggtgctctta 540 acagcigaac acciciccag igccaaacac accatitata agaaatacaa caggiggaaa 600 taacaaatto tgtggccatt ctggaggata actggtgtat aagottcaac aatgtatoat 660 cctggaagaa acaatggctg tgtggggaaa aaaaaaatct aagggacatt acagcctgac 720 ccagatecna tictggaaca gacaagetat aaaacacett teageacaat tggaaggagg 780

53/219

aacgaaagcc atgggaatat ttggataaga tgaagttgtg ttgccatgca agccttggga 840 ggncattaag gaaacgggca agtccncaaa aagggggngn tgnnccanaa naaccccggg 900 gttaaaaann nnaaaagggg gggg

<210> 23

<211> 1828

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 23

ncaagegega aattaaennt eactaaaggg aacaaaaget ggageteeae egeggtggeg 60
geegetetag aactagtgga teeceegge igeagggttt tgeegagggg tettgggetg 120
gggeggacag tgtaegggat ggaggegaet ttggageage atttggagga eacaatgaag 180
aateeateea ttgttggagt ectatgeaea gatteaeaag gaettaatet gggetgeegt 240
ggtaeeetgt eggatgagea tgetggagtg atatetgtte tegeeeagea ggeagetaag 300
etgaeeetetg acceeacega eateeetgta gtgtgttag agteagataa egggaatgit 360
atgateeaga aacaegatgg eateacagtg getgtgeaea aaatggeete ttgaeatetg 420
atgeeagete teeagtggte teeeaceggg atteagteat geetgtetea gttaaettg 480
aaaaetatta aagtteeaga aategggeea tteaettaat gteeaatgtg gaettettat 540

54/219

taatatgaca gtcagttacc aagacgtcag ttaggagtgt ggtggccttg tctgggcttt 600 tgtcactctg ctctttggtg acagccactg tagtccagga tcatatccct caggcctaga 660 actgtgtage ceaggetgae tteaaattta tggtetteet getteaaaet eetatateet 720 ggggatttag cattgtcatg ggtctaggtc actttgtata tagaactttg ttgtgggtca 780 ataaaccggg ggggnccggg tacccaattc gnccnaaagt ggagtcggaa ttacaaattc 840 cactggccgt ccgtttttac aaaggtcgtg actggggaaa aacctgggcg gttancccaa 900 cttnaaacgg cctgncaagc gcgaaattaa cnntcactaa agggaacaaa agctggagct 960 ccaccgcggt ggcggccgct ctagaactag tggatccccc gggctgcagg gttttgccga 1020 ggggtcttgg gctggggcgg acagtgtacg ggatggaggc gactttggag cagcatttgg 1080 aggacacaat gaagaatcca tccattgttg gagtcctatg cacagattca caaggactta 1140 atctgggctg ccgtggtacc ctgtcggatg agcatgctgg agtgatatct gttctcgccc 1200 agcaggcagc taagctgacc totgaccoca cogacatoco tgtagtgtgt ttagagtcag 1260 ataacgggaa tgttatgatc cagaaacacg atggcatcac agtggctgtg cacaaaatgg 1320 cctcttgaca tctgatgcca gctctccagt ggtctcccac cgggattcag tcatgcctgt 1380 ctcagttaac ttgtaaaact attaaagttc cagaaatcgg gccattcact taatgtccaa 1440

55/219

tgtggacttc ttattaatat gacagtcagt taccaagacg tcagttagga gtgtggtggc 1500
cttgtctggg cttttgtcac tctgctcttt ggtgacagcc actgtagtcc aggatcatat 1560
ccctcaggcc tagaactgtg tagcccaggc tgacttcaaa tttatggtct tcctgcttca 1620
aactcctata tcctggggat ttagcattgt catgggtcta ggtcactttg tatatagaac 1680
tttgttgtgg gtcaataaac cgggggggnc cgggtaccca attcgnccna aagtggagtc 1740
ggaattacaa attccactgg ccgtccgttt ttacaaaggt cgtgactggg gaaaaacctg 1800
ggcggttanc ccaacttnaa acggcctg

<210> 24

<211> 936

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 24

caagegegaa attaaceete aegtaaagg aacaaaaget ggageteeae egegtggeg 60
geegetetag aactagtgga teeceeggee tgeaggteta eagegatete tegttgatet 120
ceaactgeeg eeteetee eagegeeee eaactgetee tgtgeeaag atggateetg 180
cteetegeet ggeteetgea aatgeaaaca atgeaaatge aecteetgea agaaaagetg 240
ctgtteetge tgeeeegtg getgtgegaa gtgeteeeag ggetgeatet geaaagagge 300

56/219

ttcggacaag tgcagctgca gcgcctgaag tgggggggtc ctcacaatgg tgtaaataaa 360 acaacgtagg gaacctagcc ttttttgta caaccctgac aggttctcca cacttttttc 420 aaaaaaaaac tcgaggggg gcccggtacc caattcgccc tatagtgagt cgtattacaa 540 ttcactggcc gtcgttttac aacgtcgtga ctgggaaaac cctggcgtta cccaacttaa 600 teggeettge ageacatece eettteggee agetggegta aatagegaag aggeeegeae 660 cggatcgccc ttcccaanag ttgcgcacct ggaatggcga atggcaaatt gtaagcgtta 720 atattttgtt aaaattcgcg ttaaattttt gntaaatcag ctcatttttt aaccaatagg 780 gccgaaatcg gggaaaatcc cttaataaat caaaagnata gnccggagat agggttgant 840 ggttgttccc agttttggaa ccaaggagtc caccnattta aagaaccgtg ggactccaan 900 ggccaaaagg gnggaaaaaa ccggnntaat cagggg 936

<210> 25

<211> 941

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 25

ncaagcgcgg aaattaaccc gtcacgtaaa gggaacaaaa gctggagctc caccgcggtg 60

57/219

gcggccgctc tagaactagt ggatccccg ggctgcagga attcggcacg agcttccttg 120 agactactgc gccatgagag cgaagtgggc ggaagaagag aatgcgcagg ctgaagcgca 180 agagaagaaa gatgaggcag aggtccaagt aaaccatctt gtgcacccac gaagcctgcg 240 ggagcagaag taagggatgc tgaagcccgg aacaagtggt tggactgtat gctgctgtcg 300 gtaataagtc tcagtagacc cggaatgtca cctcgccgag atcagctggg aaaatgacta 360 ccttcctcac aaccaaaaca gtcccgctgg ccctctgccc tgggaccttt gggcattctg 420 ggactagtic tgttctcttg tggccaagtg taactcgtgt acaataaacc ctcttgctgt 480 cagciggaag aatcaaaaaa aaaaaaaaaa aacicgaggg ggggcccggt acccaaticg 540 ccctatagtg agtcgtatta caattcactg gccgtcgttt tacaacgtcg tgactgggaa 600 aaccetggcg ttacceaact taatcgcett geageacate eccetttege eagetgggt 660 naatagegaa gaggeeegea eegateggee etteeeaaca gttgegeace tggaatggeg 720 aatgggcaaa tigtaagcgi taataatitg tiaaaaticg cgitaaaati titgtiaaat 780 cagctcattt tttaaccaat agggcggaaa tcggcaaaaa tnccttataa atcaaaaagg 840 ataggaccgg agataggggn tgaagtggtt ggtnccagnt tinggnacaa agagtccccc 900 taattaaaag gaangggggg gcctcccaaa nggtcnaaan g 941

58/219

<210> 26

<211> 929

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 26

ncaagegegg aaattaacce teactaaagg gaacaaaage tggageteea eegeggtgge 60 ggccgctcta gaactagtgg atccccggg ctgcaggctc aggatgagag agcacgtcat 120 gaatgagatt gataacaaca aagaccgatt ggtgactctg gaggaattct tgagagccac 180 agagaagaaa gaattottgg agcccgatag ctgggagaca ctggaccagc agcagttatt 240 caccgaggia gagctcaaag agtatgaaag tatcattgct atccaagaga gtgaacttaa 300 gaagaaggca gatgaactgc agaagcagaa ggaggagctg cagcgccagc acgaccacct 360 tgagggccca gaagcaggag tatcagcagg gccgttacag cagctgggaa cagaagaaat 420 tccaacaagg gattgctcca tcagggggccg gcaggagagc tgaagtttga gccaaacaca 480 taaaagteet gatgtetgee agaacttggg aagaaaaeeg ttgacteaae atetgtttea 540 tettteaaca teeettettt tefetteact caataaatae tttaaaagea aaaaaaaaaa 600 aaaaaaaaaa aactcgaggg ggggcccggt acccaattcg ccctatagtg agtcgtatta 660 caattcactg gccgtcgttt tacaacgtcg tgactgggaa aaccctgggg ttacccaact 720 taatcgcctt gnagcacatc cccctttcgc cagctggngt aaatagcgaa gaggcccgca 780

59/219

ccggatnggc ccttcccnaa cagttgngca ccttgaaatg ggcggaatgg gcaaattgta 840
agcgttaana ttttgttaaa attcgcgtta aatttttngn naaatcaggc ccanttttt 900
aacccaatag ggccgaaatc ggnaaaatn 929

<210> 27

<211> 921

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 27

ncaagegega aattaaeeet eactaaagg aacaaaaget ggageteeae egeggtggeg 60
geegetetag aactagtgga teeceegge tgeagggaga actatetega gittititi 120
tittititit titaatitig agaetgggie teetetatgit gieeaggeta giettgaaet 180
tetggattea agteatetae tigtgieage etettagete etaceaceae actigaetii 240
gettgiaaet tigaaaagte eatteaaaat taagetetta agagaetgaa tggaaaggea 300
attitgietg aaggatatit eetatgiaag ggagaatage attigeagaa tataattetg 360
gigetgetag gggaaaaate agtaggaagt tatagtieee agtiggetii aaceaactae 420
aacetteete eaatataaag tatteaagaa taaagagtat ggtatetaet tateagaaag 480
geatgittee tattgggeaa agttagtgaa aaagtgaett taeteattit geatttaeet 540

60/219

cggctgtata agcatttcct agcgcaggat gcttcttcca gaaatcaaga accaggtgaa 600
tacaggacta agaccttcct ggatgttctt cccacatcta gtatgttgac cccaacactg 660
aacttggcaa atcttaagtt gaccctggaa tactcaggct tccccnattt cccttcagct 720
gataacagaa tcntttggaa agctctcagc agatccgnan agttgcttac ccgataataa 780
atgcatatca aagcctttaa aggaaggaat ccnangccaa aggatccanc ccttnggnnt 840
tacnaaaggn tacctagggg ggattaangg aaaaaaggnt tggcccccc aaggtccttc 900
ccagntneng gggaggnaan a

<210> 28

<211> 925

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 28

ncaagegega aattaaeeet eactaaaggg aacaaaaget ggageteeae egeggtggeg 60 geegetetag aactagtgga teeeeegge tgeaggtggg aagatagtet taagaataae 120 ettttaatga aggagttgge aaatatttea agttgtgeet getggtteea gggttettaa 180 eeteetetagt taagggetta getttettgg gacateaaet gtettattte tgaaaaagae 240 eaaatgtaae tggtgteaee ageagtgtgg gaatgaeeaa gtatgaettt gteeetgtga 300

61/219

ttcaaaagat gtttgtcagg tagagttggg tgaatgccat tattgtgtgc atgggtatgt 360 aaaaaaaact cgagggggg cccggtaccc aattcgccct atagtgagtc gtattacaat 480 tcactggccg tcgttttaca acgtcgtgac tgggaaaacc ctggcgttac ccaacttaat 540 cgccttgcag cacatccccc tttcgccagc tggcgtaata gcgaagaggc ccgcaccgat 600 cgcccttccc aanagttgcg cacctggaat ggcgaatggc aaattgtaag cgttaaaatt 660 tgttaaaatc gngttaaatt ttgttaaatc agctcatttt taaccaatag gcgaaatcgg 720 gcaaaatccc ctataaatcc aaagnataga ccgngatagg ggtnagtgtt gttccagttt 780 gggacaagag tccccctatt taaagaaccg tgggctccca aaggtccaaa nggggggaaa 840 aaccggccta atccangggc gatgggccca ctaacggggn acccatcaac ccnnaaanca 900 aggttttttt gggggcccaa ggtgc 925

<210> 29

<211> 918

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 29

ncaagcgngn aaattaaccc tcactaaagg gaacaaaagc tggagctcca ccgcggtggc 60

62/219

ggccgctcta gaactagtgg atcccccggg ctgcagggtt ctgatggtat aagcaaaaca 120 aataaaacat gtttctaaaa gttgtatctt gaaacactgg tgttcaacag ctagcagcta 180 aagtgattca caccatgcat tgttagtgtc acagactttg tggttatgtc taatagctgt 240 ttctgaagta ttttcgttta tcttttgtct aatttaaccc taagtgaatt ctctcctttt 300 tcttgaggac acacttatgc tcaaagtgtt gactctgccg tagtggcata aagagagtgt 360 accetttgac agagatgcaa agttcagcag tggacctaac cagatgtcct gtggctggga 420 totgtgctag cagtttggag cacgagetgt gtgcctgtga actggaatge cacttgteec 480 actccatcta cgccttgcag aatcagttcc acttgttaaa ggcaaaggct acttaccacc 540 ttaatgetat titetgtaaa gaaattaaat titaetitta geettitigea aactititti 600 ttccaagccg gtaatcagcc actccaaaac aactattctc agatattcat cattagacaa 660 ctgggagttt tttgcnggtt ttgtagccta ctaaaactgc ttaggctgtt gaacattcca 720 cattcaaagt tttgtagggt ggtgggataa tgggggaaac ttcaatgntt aatttaaaaa 780 taaataaaat aagtteetgg acttttaaaa aaaaaaaaaa aaaaccccga gggggggcc 840 nggnacccaa ttcgncccaa aaggggggcc ggatnacaaa ttcccngggc cgccggtttt 900 aaaacggncg ggaccggg 918

63/219

<210> 30

<211> 918

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 30

ncaagntcga aattaaccct cactaaaggg aacaaaagct ggagctccac cgcggtggcg 60 gccgctctag aactagtgga tcccccgggc tgcaggtcga gtttttttt ttttttttt 120 ttttaaaagg tgagtcaaga tacacagctt taatacatat tagaaatatc caatgtgcca 180 ccaatacgat tcccctaaaa cacagcaagt gccagcgctt ggggccacac tcatctgtct 240 ttgtatcact agacatctga atgaccaacc atccattttt cccacatcct gccattcatt 300 aaggtattit cagccagatt tittagcaat atgctittit tcttictitc aaatacaaca 360 agccacacag ggagttctac tatggaatgt ccaacaacaa cagggctgta tgggggccaa 420 gccttttctg gaaaaacatg gcggatctct aaaagattct ctgtcttccc tttatggagt 480 cagcagtgct ccacgttaat taagccactt caatttactg tatcagtttg gatattcgtt 540 ttaattgtgg gactagacac agaaactcac atttctggcc ttttcctctg catttctcaa 600 tatactatgg gttttttttt cccacaccgt aaatacagca tggattgaca ggtagaaact 660 cgtgtcaata gtctgtgggn tttatgccaa ctcagtggag tgatactata tattantncc 720

64/219

agnitocoton caaggootan antaagatgn ngnaatagit gonatggigg giaacciico 780
tggoggitaa gagaagigac ggcanccign cottagatoa gaaggiaaaa accoccaati 840
ggocaaggaa aaggooggoo caggngggac oggnoaggni naaaggaaan goottaanna 900
aatgggaacc occggnng

<210> 31

<211> 925

<212> DNA

<213 Rattus norvegicus

<400> 31

gecageted analtanece teactanage gaacanange tegageted ecgegetege 60 georgeteta gaactagteg atceecegg etgeagett ecctgaceca cagitegace 120 gegeatigta gecageted giegeacitt teggigetet geaeggacitg ageenacieg 180 gigtegacea teteeteget giggetegit geetagteen ecittegagit teengtagte 240 agactegagit etetitegan geagetetan genateen aggateten getitatet 300 tetageecet getateeteg agetetetet giagaecage etgegetega actgagece 360 agitegetet geetetete geaeggate nateeteg agetetetet giagaecage etgegetega actgagece 420 tittggateta ecceenaate tetggaceae ateaeceteg gaececegat gegeteet 480 tittggateta ecceenaate tetggaceae ateaeceteg gaececegat gegeteget 480

65/219

gagcaacctg ggagatggaa agcctgagaa tgagacaaag ggggaccaag aaacccccga 540
aaggggagag gagccacgga gaagcccagc ccctgacttc cccacctggg aaaagatgcc 600
gttccaccat gtaactgctg ggcttgttgt acaagggaat tacctcaacc gntcttctgt 660
ctgcaggcag cgacagtgag cagttgggct aatatctctg tggaagaatc gatgataaga 720
gtcaaaaatcg ttcaaaggaa agctgggctt ggtggctgtc cactggaanc ccagtatcca 780
ggggactaaa gaccaggagc tgatgccggn ttccantacc cagggggnaa ttgtcctttg 840
gaaaaccaac gggtgaanaa tgtaagcccc gtggnaaaaa ntgcngggc cttgtgctgc 900
aaaaaaagcnn gtttaatnaa anncc

 $\langle 210 \rangle 32$

<211> 921

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 32

tnigcaagcg cgaaattaaa ccicactaaa gggaacaaaa gciggagcic caccgcgig 60 gcggccgcic tagaactagi ggaiccccg ggcigcaggi gggccicgig cgiitigggig 120 tgiggiataa cicciiccgg gcciggaagg gaggciictc iggaaaciit gaaggcgaag 180 gciicaicci cggagggii tiigigatag gaiciggaaa gcagggcgii ciiciigagc 240

66/219

accgagaaaa agagtttgga gacagagtga acctgctctc tgttctggaa gccgtaaaga 300 agatcaagcc acagacccca gcctccaggc aaagctgatc acctgctggc tgggggggg 360 ggaacggggg cctgtgcagt gttcaccaga tgagctgtgc tttcactgtg accccaagag 420 ctaggaggcc attgcaccat atttactggg aattggtgat gtattttaaa attgtctgtt 480 taggtcccag aatgtttaac attccgttta gacccaatag ggcaaatagg tcccagacag 540 aacagagtaa aatctaacaa atcagtgaga gttatttgag gaaagatcta gaaaatttaa 600 ggcctaaagt tgactgttaa gcctcccgtt cacaggaata tgtcctaagt gccagggatg 660 tgaagtagag gaagnitica igcciaatta aaaagaaaac atcigaaatc igagaaaagt 720 ggggactaag aaacaactac aactccagtg gtagagcatt tacctaacgt gcacatggnc 780 ctgggtagga taccccagac cagaccagac cattcacacc acctaagaga agctgatggg 840 ttgacttgat aattagggga atatcctaaa gccaattgtg ccggngttcc tnggacagtt 900 tggccaangg naaaattcca a 921

<210> 33

<211> 933

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 33

67/219

ncaagcgcga aattaaccct cactaaaggg aacaaaagct ggagctccac cgcggtggcg 60 gccgctctag aactagtgga tccccgggc tgcaggcgtg gtcgcgctcg cgtgctccgt 120 tccctgcggc tgcccggacc cttggccatg tcctgaatgg gaaacagcac atcctcgttt 180 tgggggaagt cagccactac tcctgtgaac cagatccaag aaacaatttc taataattgt 240 gtggtgattt teteaaaate ateetgetea taetgtteaa tggeeaagaa gatttteeat 300 gacatgaatg tcaactataa agtcgtggag ttggatatgg tggaatatgg tagccagttt 360 caagaggete titacaagat ggactggaga aagaactgit eecagggata titgigaatg 420 gaatatttat cggaggtggc gggccgacac tcacaggctt cacaaagaag ggaaattgct 480 ggcctctggt tcaccagtgg ctatttaaac aaaagcaaga ggaaagacgt cgaatgacat 540 ggctagtcgc cgtaccagta aacgttagtg cagtcataac ctttcacttg aggatgtttt 600 cagtgtgtgg gatgccctca taaagatgaa aataatgaac aataaattgc catggacccc 660 nnnnnnnn nnnnnnnnc nnnnngggg ggg 933

68/219

<210> 34

<211> 945

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 34

agttatgcaa ggnngaaatt aacccgtcac taaagggaac aaaagctgga gctccaccgc 60 ggtggcggcc gctctagaac tagtggatcc cccgggctgc aggaattcgg cacgagggcg 120 gccagaagaa ggagagactt cggagcacaa tgccagcatg gactttgcag accttccage 180 tctatttggg gccactctga gcgatgaggg actccagggg ttccttgtgg aggcccaccc 240 agaaaatgcc tgcagtccta ttgccccacc accctcagcc ccagtcaatg ggtcagtctt 300 tattgcactg cttcgaagat tcgactgcaa ctttgacctc aaggtcctaa atgctcagaa 360 agctgggtat ggtgcagctg tggtacacaa cgtgaattcc aatgaacttc taaacatggt 420 gtggaatagt gaggaaatcc aacaacagat ctgggatccc atctgtattt atcggagaga 480 gaagtgcaga gtacttacga gctctttttg tctacgagaa gggggctcgg gtgcttctgg 540 tcccagacaa tagcttcccc ttgggctatt acctcattcc tttcactggg gattgtagga 600 ctgctggttt tgggccatgg ggaacagtat tgatagttcg ttgcatccag caccggaaac 660 ggcttcaacg gaacagactt accaaagagc aactgaaaca gattcctact catgattatc 720

69/219

aaaaagggag atgagtatga tgtctgtgcc atctgtctgg atgagtatgg aggacgggga 780
caagctttcg ggatacttcc ctggtggcnc caaggcntta ccaacagtcg ctgtgtggga 840
ncccctgggg tcaattcaga acccggcaag aacctggccc caancnggna aaanaagcct 900
ggtccaaccg gggggggcct tggggggain aagggaaaaa ggnan 945

<210> 35

<211> 975

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 35

70/219

tggaattgcg tgagtctccc ctagcttctc aataaacact gattttttt tciccagaat 540
ctgaaaacta actacacaag gaaattattt tcaaatggct gctcagtttt ggiggcttgg 600
gctatataca ctgtcccaaa acctggctgg acttinaaaa ganacatata ctitaaatct 660
aaagcacttn cacacaagan atccagagat tcacaatcaa aaggggacac tgatgtggga 720
attctccaaa atactcaaaa aggcatgaat ttgtnttgaa titggtttct gggagaatic 780
tttctttcct tcataataaa aatagctccn atngaagggc tggaataagn aaacggaaca 840
atggcaaagg cctaagtnca aaggggggg ggnccgggn acccnaaant tcggccccta 900
anaaggtgga agccgggaan nnancaattc caactgggc cgggccggt tntaaanaan 960
ggccggtgga acntg

· <210> 36

<210> 1036

<211> <212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 36

cgcacattaa ccctcactaa agggaacaaa agctggagct ccaccgcggt ggcggccgct 60 ctagaactag tggatccccc gggctgcagg ctggagagat ggatcagcag ttaagaacac 120 taactgttct tccagaggtc ttgagttcaa ttcccagcaa ccacatggtg gctcacaacc 180

71/219

atctgcagtg ggatccgatg ccctcttctg gtacacacaa ctacagtgta ctcatacata 240 atanataaac ctttaaaaaa agatacataa ctgcaagtaa ttaanaaaaa aaaaaaaaa 300 ctcgaggggg ggcccggtac ccaattcgcc ctatagtgag tcgtattaca attcactggg 360 ccgtcgtttt anaangtcgt gactgggaaa accctgggcg ttacccaact taatcgcctt 420 ggcaggcana tccccctttc gccagctggg gtaatagcga agagggcccg gcaccggatc 480 ggcccttccc aanagttgcg gcagcctgga atggcgaatg ggaaattgta agngttaata 540 ttttgttaaa attcgggnta aanttttgtt aaatcagcnn atttttnaac cnntaggngg 600 naaangggca aaannnenta aaaatnaang gntttgeane gagteanggt tnngceatnt 660 nncagattgg genaaaaagn cenecacega tagneentgg caacaantge gnacegggaa 720 tggcgaatgg caaatngtaa gcgntaanaa tttggttaaa aattcgcgtn aaaattttgt 780 taaaatccag ccccantttt taaaccaata gggccgggga atccggnaaa anggcccnn 840 nngnaattca aaaagantaa anccggnnaa aaggggttta aatngnnggt ncccantttt 900 gggaacaaan agnncccccn natttaaagn aacnnggggg cccccaacgg nccaaaaggg 960 gggaaaaaac ceggnenaan taaggggngn annggeeece etaaanggng aacceatnnn 1020 ccccnaanc aaaggg 1036

72/219

<210> 37

<211> 1023

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 37

ncaagegga aattaacect caegtaaagg gaacaaaage tggageteca cegeggtgge 60 ggccgctcta gaactagtgg atccccggg ctgcaggttc tatacattgc ctacagtgat 120 gaaagcgtct acggtctgtg aagttgctgt cccggaggtg ggggttccat tctacaaaga 180 gaggtggcgc tectteettg geatecagtt ceteetteag geteaaacae cateteettt 240 cttcaggacc tgcacttaat gtttgaggct gtctctccag tccctctgag caggagggt 300 aatggtagat gtacagcggg gggggcccgg tacccaattc gccctatagt gagtcgtatt 360 acaattcact gggccgtcgt tttacaacgt cgtgactggg gaaaaccctg gcgttaccca 420 acttaatcgc cttgcagcac atcccccttt cgccagctgg cgttaatagc gaagagggcc 480 cgcaccgatc gcccttccca acagttgcgc acctggaatg gcgaatgggc aaatgtaagc 540 gttaatattt tgttaaaatc gcgttaaatt ttgttaaatc agctcatttt ttaaccaata 600 ggccgaaatc ggcaaaatcc cttataaaat caaaagnata gaccgagata gggttgagtg 660 ttgttccagt ttggaacaag agtccactat taaagaacgt ggatccaacg tcaaaagggc 720

73/219

gaaaaaccgt channaggg ggatggcca chaacgtgaa accaatthic cctggnggga 780
agangtittg gggnaaggaa gtaaactgg ggaanccctt aaaagggggg gaccccgaan 840
titggaggcc tichagggg ggaaaagccg ggngnaaagg tgggggnnga aaagggaagg 900
gggaggaaaa gggaaaaggg aangggggg gtaaggggg titgggaaaa titaanggg 960
taaanitgg gggaaaann aanaaaaac ngggggggg titaaatngg gggtaaaag 1020
ggg

<210> 38

<211> 979

<212> DNA

<213 Rattus norvegicus

<400> 38

aagegegaaa ttaaceetea etaaagggaa caaaagetgg ageteeaceg eggtggegge 60 egetetagaa etagtggate eeceggetg eagggagtaa tggtggagea gaatggatge 120 eacttgteae tgtgetegat gacaagttge ageceataaa aaggttgaet tgettgeaaa 180 eacattgtgt tegttggeat ttteeteaget teteeteact acetetgggt ggagatggge 240 acettetgtg ggeetggget gggggeeace eetgetatge aatggaggg eaaaggeaga 300 ggteeaggaa taaggagget tetaceaatg attttgitta atggtgettg acagagatat 360

74/219

tgtatggttc tctggagagc tcccctggaa aaccttacct ccaaccacac aagggcttcc 420 tcccagagag cgctcgctgg gcagcaaggg acacactccc atacttgcca agcatatcaa 480 gtacccaaag attggcagaa aagatcctgg cctgaccacc cagccacatc cttcagggct 540 ccaccggatt gactgtgtgt ctgagatgga gagggctttg tgacatttaa gtgcctttca 600 gaaatgcctt atacggtgag aagccaaagg tttatgtcag catggcagag ctcctgagac 660 cgaagccttc ctggagcctt tcgttactgg cagcgttctt tccgaagcca ccggggtnca 720 ttccacagat cgtattaagg aggagctcna caaaanctcg tggggcnagt tttcagcaag 780 ggcgatagnn gntgcttgca accatgantc cnagcaactg gccnnnngaa nnagtnggaa 840 anaaannanc ccggnagcan tcnagggggt ntaagnanag gggncaancc anggnnnngn 900 antgggaant tgggatgcga tngnaaantn ccggnnaaan ccgggttgaa ancgganagt 960 tgaaaaangg gtcgggatt 979

<210> 39

<211> 1112

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 39

aaacggcant anccetnact aaagggnacn aaagetggag etceacegeg gtggeggeeg 60

75/219

ctctagaact agtggatccc ccgggctgca ggttgaatat taactcgtgc cagcaggtga 120 aacaaaaaga aaccttctgt cgtcgtagaa gaatatttcg cccaggctgt gcgacgacat 180 tcacagcatt tcaaaccaga ccatctctgt aaatagctga gtgcctaata aaccattatt 240 ttggtaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaannaa aaaaaacncg ngggggggcc cggtacccaa 300 tingccctat agigagicgi attanaattc nciggccgic gittianaac giacgignac 360 tgggnaaacc ctggggttac ccannttaat gcgccttngg gtnanntccc cctttgcgcc 420 agctggngtg aataagcgaa gaggccngga ncattggccn ttncccanaa aattgngcnn 480 nnnnatnggn aaanggnaaa tinngngggg taanaatitig nginaanagn ngcgcginaa 540 annttnaggn gaaangcggn gcanttntna gcnaaaaggg ccaaaaaggg gannaaancg 600 cengangatg agaanaggat aggaegngnn gaanngnnag ggatgaggga ganaatnnng 660 naanaanggg nacngnnagg aagaaaggnn aggngnaagt gganaganng acaaagtnga 720 gagaagnana gngggagang agggacggag agggaanaan ngagaganng nggagntann 780 cgggaggtnn angnggntnn ggagagnaga gngngnanag gnngaggaga ngagagggng 840 ganggaagag acgaaagngg gaggnnnann nnggggatgg ggagngnnng gancagngna 900 ggggangaca ggtnntggan tgggggnaga atngagantg tgnagngagg gntnnatata 960 gagaggtgna gagaantggg gganagntgn gacnnngaga taaggagaag ganacngacg 1020

76/219

aganggngaa gnaggnagag tantgangaa agaaanacga gagaagagag tnannancnt 1080 agatanacga ggngaagnnn agnnacgngg tc 1112

<210> 40

<211> 1026

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 40

aagceggaaa ttaacccica ctaaagggaa caaaagctgg agctccaccg cggtggcggc 60 cgctctagaa ctagtggatc ccccgggctg caggggacga gatgctcagc atggtgagtg 120 aaggggaggg aaaacccatg agagagtgag atggtcagag aatgggagct gattgtgaca 180 tggaactgca gagagaagca cagacttgaa acatcgctaa gatgtgtgca tacaaaaatg 240 aagcaagtta tgctaagtac acacagtgtc cagcacattt tattttcact tttggttttg 300 aagacaaagt ctcattaigc agaccaggtt gactttgaat tcagatctgc ctgtctcigc 360 ctctggagta ttaggatgaa aggtgtatg tcaccatgcc cagccictta gtatatttca 420 gaacagtaaa tactgcatga aaggtcattg taaattcccc tcttaattat tgcttcaaic 480 aagttggaaa tgctttcatg tattaaagac aatgtttta atggcaagaa aaaagtaatg 540 ttttattttt atagtttata agccatgcat tacnattttt atggtaaaaaa aagnactaat 600

77/219

gggttnagcc caatgggana gcgcntgncc gaaggaagnc acaaggncnc ggggtanggg 720
nnccccagnc nccggaaaaa aaagacccnn ganaanaaga nangaaaaaa cnccnagggg 780
gggggncccg ggtnanccna aantcggccc cnaanngggg aagnccnaaa gnannaantt 840
cncnngggnc ggnngggttt aacaaanggc ggngggcnng ggggaaaaac cccgggggga 900
nnnncccagc gnganttngg cnnggnggg ggnaancccc ccnnnnnnng ccnggngggg 960
nggnnnatng gngnnnggaa nccnngcgnn nngaaagnng ggannnncna anngaanngg 1020
gggncg 1026

<210> 41

<211> 1044

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 41

aagcnngaaa ttaaccctca ctaaagggaa caaaagctgg agctccaccg cggtggcggc 60 cgctctagaa ctagtggatc ccccgggctg caggcgagtt ttttttttt ttttttttt 120 ttttttttt ttttttttt tttttgattt ttatggaaat tttaattggc aaatttaaaa aaataagttt 180 gtaaccatta ttttatatag aaatattcaa ctttcccaag atttctcaca aacagnggta 240

78/219

caaaagttgg ctctaaattc atccaaggta ttttaagaac taaatggnct tgcacttgat 300 tgactccagt ctcagtgatg ctgggaagga agcctaggac cttgcacatg cncagtaaga 360 gctttaatgc caagccacag gcccattccn cagttgacnc cttatcaata atcttcatct 420 tgggagtttt cnccaagaat caattcacag ggntgttcag tctttctcta cctcaaccct 480 acccagtgng nctaaatcan cagtttagtc catttcggga aacaaaccac ttgtcaaacg 540 nggaaatgaa atgaagagat cttagtagtc aggnattntg gtaccanccc aactgggggg 600 gncaatagta gaaatggctg taaacaaaag ngaatctaan cnaagggggg ggcncggtnn 660 ccaaannegn eecaaaangn ggagngegga aacaaaaaat engeegggng gneegttata 720 ananangttg gggganngng gnaaaaaccc tgnggtgttn gcngaaantn attcggccgg 780 tgggggggan aaaaccacnn ccttggganc ngggggggaa aaaaagagaa aaaagncccn 840 gangggggg gcccggttan cccaaattcg gccncnaatn ggagnaggnc ggaaatgnga 900 aattcccntg ggccggncgg ttttnanaan ggnccgggga nctgggggga aaaancccng 960 gggggntaac cccaaccctt aaancggccc ttngnggnga naatnccccc cttttggnca 1020 aggcggggng gnaaaaaagc ggag 1044

79/219

<211> 997

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 42

aagcgngaaa ttaaccctca cgtaaaggga acaaaagctg gagctccacc gcggtggcgg 60 ccgctctaga actagtggat cccccgggct gcaggcttct tttagtgcca gctcagtggc 120 tttatcgctc aagagagaca gccggtaaca gataggctgc ccctctgctc acttttctgt 180 ttcacagaca caaggtgttt ttgtcccaag aaagcctcct ggcttagctg tgtgactaaa 240 tgctatttgc cctcttcagt ggacctctat tctcgagggg gggcccggta cccaattcgc 300 cctatagtga gtcgtattac aattcactgg ccgtcgtttt acaacgtcgt gactgggaaa 360 accetggcgt tacceaactt aatcgccttg cagcacatce ccctttcgcc agctggcgta 420 atagcgaaga ggcccgcacc gatcgccctt cccaacagtt gcgcacctga atggcgaatg 480. gcaaattgta agcgttaata ttttgttaaa attcgcgtta aatttttgtt aaatcagctc 540 atttttaac caacaggeeg aaateggeaa aateeettat aaateaaaag aatagaeega 600 gatagggttg agtgttgttc cagtttggga acaagagtcc actattaaag aacgtgggac 660 tccaacgtca aaggggcgaa aaaccgtcta tcaggggcga tgggcccact acgtgaanca 720 tcaccctaat ccaagttttt ttggggncga ggtggccgtn aaaagcnact aaaatcggga 780

80/219

acccctaaaa gggagccccc cggtttagaa gctttnaagg ggggaaaanc cngggggaac 840 gtgggccnag aaaaggnagg ggnggnaaan cggaaagggg ncggncgctn aggggannag 900 gccaagggnn aannggntng ngntgngggg nannccnnnn nnnannccnn nngggggnga 960 aaanncgggg gnaaaaacgg gngnnnnaag gnnnggg

<210> 43

<211> 1019

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 43

aagenggaaa ttaaceetea etaaagggaa caaaagetgg ageteeaceg eggtggegge 60

cgetetagaa etagtggate eeeeggetg eageggaact eeageacite tgetetigtt 120

titgttitgt titeeggta aaceetetgge eeaceeteeaa aaggeaagat geeagetaat 180

gteeeggegg atatgattaa titgegeete ateetegga gegaaagae gaaagagite 240

ctetteeee eaaaegaete tgeetetgae ategeaaage aegtgataga eaaetggeee 300

atggaetggg aagaagaga ggteageage eegaacatte tiegaeteat ttateaagge 360

agattietae aegggaaacg tgeaceetag ggageattaa aaceteetit tggeaaaaca 420

acagtgatgg cattiggtgg eeagagagae eetggeeaga geecaattea eaagteaga 480

81/219

gaaaccggga gaaaactggt gagagcaact gctgtgtgat cctgtaacat cgtcgccagc 540
gcagtgtggc agtctgttac cactgcgggg acagaggaga ctcggcagct tccgganacc 600
tgtgggacag tcgcccgcac atcnaggact gaaccactnc atgagctctg tgatctctcc 660
tcacaaagtt aaaaggaacc aaggaacatt tcncagttct ggtcctttan tccngtnnct 720
cttgtctggt gtttgagcca ntctgnaaat ggcacagggg gtcttcnaag ggggnaaatt 780
agcgaagtct tctnaagggg gggtttctgn aaggggggg ggcccgggta anccaaattt 840
nggccctaan aaggnggnn nggnaattna caannttcaa ctggggccgg nggttttaa 900
aaanggtcgn tggnnnnggg gaaaaacctt ggggggnan cncaaanttn naanngngnt 960
ttnnggggna anncnccntt ntggaaagng ggggggaaat ttgggnaana anggggggg 1019

<210> 44

<211> 952

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 44

agctngaaat taaccctcac taaagggaac aaaagctgga gctccaccgc ggtggcggcc 60 gctctagaac tagtggatcc cccgggctgc aggcgagtit titttgtggt tiggtatita 120 titgaaccac gtgatctcgt gtagtitggg ctagcctcaa titaaactta aactcctaac 180

82/219

cttccttcct ccactctgag tgaggggctt gggggatata ccaggctcta attcttttta 240 ctttactttt ttagatgtac ttacgtcact ttatgtgtat gaacgttttg cctacatgca 300 tgtatgttca ctgtgtctgt aggctcctcc taggattaca gacagttgtg agccaccatg 360 tggtgtctgg ggaatggagt ctgggttctc ttcaagagca acagtgttct cggccctgg 420 aagtcaggtt ctaatacctg ttaggtaagc agtgttgggc tgatcagatg caaagtgatt 480 tagecectat cataacagae tgteagtete ggeeteeagg cactecacea cetgetacte 540 cagttgaagt gtcctgccag gtgaccttgg ctgggctatc ggatcatgtg aaatacagac 600 cctgctcaaa ggaacaagct tgcgggntgg agagaggctc ancggttaag agcacctgac 660 tgctctccag aggtccgagt caatcccagn aaccacaggt ggctcacaan canctntaaa 720 gagateegaa geennettet gggggaaeng aagananeta cagngnaeta nannnaanaa 780 aaggngaann aaacntnann aaaaanaann nnnnnnnnn nnnnnnnnn nnggnnnnnn 840 nnnnnnnnn nngnnnnnnn nngnaaaann nnnnggnnnn nngggnaaaa tg 952

<210> 45

<211> 993

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

83/219

<400> 45

aagcgcgaaa ttanccctca cgtaaaggga acaaaagctg gagctccacc gcggtggcgg 60 ccgctctaga actagtggat cccccgggct gcaggcaaac tggatgaaac tttgttctaa 120 ggggaatttc atttaaaagt ttacctttac cagagcagga ggcgtagagt cagctctggg 180 gaaggagtgg gtaacttcac gacactctca ttctccgcac ttactgctcc acctgagtag 240 ctgtaaagga acttgggctg ggatggggtg gcaggcagtg tctctccttc atgggcctat 300 ggctgaatca aacaatcctt ccatagcaca tgcttaaccc tggactcact cttaagtccc 360 ttctttccca ttctgctaca aagtcaggct ccctaataac atgtaactgg agctgccttg 420 tcaacagaga aagaagaaag ctaacgaata cccatgatcc tattcttcac cgtccatgtc 480 tegatgetee ateteettee tggateetet tgttgettte tagaatttte accaactate 540 actcgantta ntagtccaat ctgtcttgaa agaaaaataa agttgaacaa agcaacaaaa 600 nannaanaan naaaaaaaaa ctcggagggg gggcccggna ccnaattggg nctannagng 660 ngggggnaat aacaatgang gggggtngtt tnnanaangn nggggntggg gaaaacnctg 720 gggtngancn naattaatgg gnctngnagg naaagggccn ntttnggggg aggggggga 780 nagaagggna gggggnccgg nannggnggg ggcnnnngnn agnnntgggg gaggnnggan 840 tgggngaagg ggngnaagng nganngnggn naagnattnn gngaaaaaan ngggggnnaa 900

84/219

aatnnnnggn aaannggggg ggnantgggn taangnanng gggngnanan nggggagaaa 960 angggngnnn ggaagnnnaa annggnggnc ggg (993

<210> 46

<211> 1033

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 46

aagcgngaaa ttaacccica cgtaaaggga acaaaagctg gagctccacc gcggtggcgg 60
ccgctctaga actagtggat cccccgggct gcaggcaagt ttagtcctag tgcccacain 120
aagtggttca cagctgccct gtaaccccag ciccagaaga tccaagaccc cctctagcct 180
ctgagcacat agccccaigc atacacacat cacatacatg atttaaaatt aagtaagctt 240
tttaggccit atatttaatt cacctattaa atgcttagac accttcaaga aattiggcaa 300
gtttgaagta ataagggaag gaaatgagta ttggttgagt aaaacagcct caagacagac 360
acctgggtca aatgtatgig gcagcagcat gccaaggccc tagctccagn ttactggtga 420
gaaactggag cttgagagag accacataac ctgggagtga gtcataatga aaaccaagtg 480
gcagacctgt ttcaaaagta taacctcagg ggttggggat ttagctcagt ggtagagcan 540
ttgcctagca agcacaaggc cctgggttcg gtcccagct ccgaaaaaaa anaaaaaaa 600

85/219

aactcgaggg ggggccnggt nacccaattn ggncctanng tgngncgtat tanattnant 660
gggccgggcg ttttaanaan gtcgngacng gggaaaaccn ngggggttng ccnnanntan 720
angggngtgg gaagcgagat ncggccntgt gggggagntg gggnnngata ggggnngngg 780
gnncnngnnn nnggantcgg gccnntgnnn nanggagnng gggnnggnng gaantggggn 840
ananantggg ananttngga nngnggtna ggnnnnngng gnggaangag ttgnggggtt 900
gaagntntgn ggggaggaan nnggngngg anttntggaa ancggaggaa ggnggngaaa 960
nggggngagn anngcnggng aagangnga naaggnnng gncggggan ngagggnnn 1020
ggnngttttn ttg

<210> 47

<211> 1005

<212> DNA

<213 Rattus norvegicus

<400> 47

aagcgnggaa attanccctc actaaaggga acaaaagctg gagctccacc gcggtggcgg 60 ccgctctaga actagtggat cccccgggct gcaggaggct gccgtttntg agtttnagtc 120 cttgagaggc tgggaaggca cagagctctg gctctgcact gttcttactg agtgactagg 180 tgtgagccct ttacattaga gggaacctgg tttgagctca cttgtacttt gtgtggcgtt 240

86/219

agtgttccat tactggcccc tctaagtaat ggtcttcaca gtgcacagca agttcccagt 300 gtgtagaaag ccatacacca ggatgtgggt caaccatgaa gatgtggcat tgcagacagg 360 ggaacatgtg gatgcatggn tatcaccttg agcagcccct gcagttgctt gtgttaacac 420 aaaagtgttt agcattctgc cgnttttata tttatgtaat aactctttaa agccattcag 480 atggataact atttaatttc ttaaagacag ttgtaaaggt ctctctctga ggacaatgac 540 ttggtaaaac tgggggcaca gccagtccca gacactggtc gtggntacág tgggnttttt 600 gggctcaggn tcaacacgca tcagagtagg actggggnca acangtggtg ggngtgtgca 660 aacaggnngg cnctnganca gcccaggncc tttggagagc acgtnctctg gcaccaaggn 720 ccctcngntn tgggaagggg gaaaactttc acaagggaaa tgggngncaa gcttttannc 780 cncngaaggn cntgggnggg gggcangggc aagngggggc gggnggggga cnnntgnttt 840 ggggggnann ttntgggggn cngaggggnn naaanccgcn ccctgnaggn nggcggaggn 900 gggtgnnann naccngttgg agnaagagcg ngggggntna agggnggtgg naaggatgtg 960 ggncggaacg ttgngggaag tnggaagagn nagggnganc cgcgg 1005

<210> 48

<211> 975

<212> DNA

87/219

<213> Rattus norvegicus

<400> 48

aagngcgaaa ttaaccctca ctaaagggaa caaaagctgg nagctccacc gcggtggcgg 60 ccgctctaga actagtggat cccccgggct gcagggtcat acttaggaat ttctcctact 120 ctacactete tgtacaaaaa taaagcaaaa caacaacaac aacaacaaca acaacaacaa 180 ccataccaga acaagaacaa gaacaacaat ggtttacatg aacacagctg ctgaagaggc 240 gagagacaga atgataatcc agtaagcaca cgtttattca cgggtgtcag ctttgctttc 300 cctgaaggct cttggtgaca gtgtgtgtgt gtgtgtgtgt gtgtgtgtgt gtgtgtgtgt 360 ggtgtgtact tgtttggaga agtacatgtg tacacatgtg aggacctggg ggcacctgga 420 ccagaacgaa caagggcgaa cccctttcaa atgggcagca tttccatgga agacacactt 480 aaaacctaca acttcaaaat giicatatic tatacaaaag aaaaatagat aaatataaac 540 attitgaagt tgtagcattt ccatgaagac acacttaaaa cctacagggg gggcccggta 600 cccaattcgc cctatagtga gtcgtattac aatcactggg ccgtcgtttt acaacgtcgt 660 gactggggaa aaccctgggc gttacccaac ttaatcggcc ttgcagcaca tccccctttt 720 ggccantggn gnaatagcgg agangcccgc accgattggc ccttcccaac anttggcggc 780 nnctgaaatg ggcggaatgg gccaaatttg ttaaggcggn naaaaatttt ggttaaaaaa 840

88/219

ttngcggtn aaaatttttg ggaaaaacca gcccnatttt ttnaanccaa tagggggga 900
aattngggaa aaaacccccc tnataaannc naaanggaat naggcccgg ngaaanggg 960
ttgnaattgt tgttc 975

<210> 49

<211> 949

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 49

aagcicgaaa itaacccica ciaaagggna acaaaagcig gagciccacc gcggtggcgg 60
ccgctctaga actagiggat cccccgggct gcaggattag acttaccgct accaaacaat 120
tctttactta gattataggt gccctccicc cattgitagc atgggggata itaggataat 180
atcactttaa gataacacat gaggggitgg ggattiggct cagtggtgga gcgcttgcct 240
ggggagcgca aggccctggg itcgatccc agctccgaaa aaaaaaagaa ccaaaaaaaa 300
aaaaaaaaaa ctcgaggggg ggcccggtac ccaattcgcc ciatagigag itcgiattaca 360
attcactggc cgicgitta caacgicgig actggggaaa accctggcgi tacccaacti 420
aatcgcctig gcagcacatc cccctitcgc cagctggcgi taatagcgaa gaggcccgca 480
ccgatcgccc itcccaanag itgcgcacct gnaatggcga atggcaaatt gtaagcgita 540

89/219

atattttgtt aaaattcgcg ttaaattttt gttaaatcag ctcatttttt aaccaatagg 600 ccgaaatcgg caaaatccct tataaatcaa aagaatagac cgagataggg ttgagtgttg 660 ttccatttgg nacaagagtc cactattaaa gaangtggac tccaacgtca aagggcgaaa 720 aaccgtctat caggggcgat ggcccactac gtgaaccatc accctaatca agttttttgg 780 gggtcgaggt ggccgtaaag cnctaaatcg ggaaccctaa agggggnccc ccgatttaga 840 gccttnangg gggnaanccc gggggaaacg tgggcggaga aaaggaaggg gaagaaacc 900 gnaaaggnan cnggggcgct aaaggggnct gggaaaattg tancgggnn 949

 $\langle 210 \rangle 50$

<211> 958

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 50

aagntcgaaa ttaaccctca ctaaagggaa caaaagctgg agctccaccg cggtggcggc 60 cgctctagaa ctagtggatc ccccgggctg caggaattcg gcacgagatc atggctgcag 120 tcagatctcc gttgtctctg tggaggttcc agttgagcac tcggcgagca cggcgggtct 180 gtactcgggt cgcagcccag cgccactccg atgctctgct cgcgacgtgg tcccagccct 240 ttgaagtggg gcagcctcgc cgccctttca gctccgaggc agaatctggt agctcaaaag 300

90/219

tcaagaaacc tacttttatg gatgaggagg tccagagcat cctcaccaag atgacaggcc 360 tggacttggc agaagacttt caagcctggc tgtacaacca ctggaagcca ccaacctaca 420 agttaatgac ccaggcacag ctggagggag gctacgagac tgggcagttg aggcagctaa 480 agtacgatta aagatgccac cagttctggg aagaacgaaa gccaataaat gatgtgttag 540 ccgaggataa gatcttggaa ggaacagaaa caaacaaata tgtgtttact gacatatcgt 600 ataacatacc acaccgggaa cgttttattg ttgttagaga accaagtggg cacactacgc 660 aaagetttea tgggaaagaa eggggaeang gtgatacaaa tttattteee gaaagaaggt 720 cgtagagttt tgccaccagt aatttttcaa agntgagaac cttaagacca tgtacagcca 780 agaccgggca tgctgatgtn cctcnaatct ctgtgttgcc cagtttttga gccagattcc 840 antggggtat anccaagggg tnntcaccca gacconnngg aggntttnng nccggncntg 900 ggnaaanang gggttnttac ggggccaana anggcanctt ttggggggga atggggtg 958

<210> 51

<211> 979

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 51

gcaagntcga aatnaaccct cactaaaggg aacaaaagct ggagctccac cgaggtggcg 60

91/219

gccgctctag aactagtgga tcccccgggc tgcaggagat caaacactcc tggttttgat 120 ctgtgagctc attatcacat gttagggaag aancaaactg tgataatgag ctcacagatc 180 aaaaccagga gtgtttgatg tttgcactag gagctcctga acaaataaag tttagcaatt 240 gcagcataaa aaaaaaaaaa aaaaactcga gggggggccc ggtacccaat tcgccctata 300 gtgagtcgta ttacaattca ctggccgtcg ttttacaacg tcgtgactgg gaaaaccctg 360 gcgttaccca acttaatcgc cttgcagcac atcccccttt cgccagctgg cgttaatagc 420 gaagaggccc gcaccgatcg cccttcccaa cagttgcgca nctgaaatgg cggaatggca 480 aattgtaagn gttaatattt tgttaaaatt cgcgttaaat ttttgttaaa tcagctcatt 540 ttttanccaa taggccgaaa tcggcaaaat cccttataaa tnaaaagnnt agaccgngat 600 agggttgatg ttgtttccag tttgggaaca agagtccact attaaagaac gtgggactcc 660 aacgtcaaag gggcnnaaaa accgtntnat caggcgatgg ccccactacg tgaaaccgtc 720 accctaance aagttttttg ggggtcgaag ggtgnccggn aaaagcactt aaatcgggga 780 aaccctaaaa gggggaggcc cccggatttt tagagcttgg acggggggga aagnccgggn 840 ggaacgitgg gnggaaaaaa gggnaagggn anaaanceng nnaaaggnag gggggnetnn 900 aggggcgngg gaanagnagg gggggnnngg gggggggnga gnagcgagna aagacncggg 960

92/219

<210> 52

<211> 951

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 52

aaggtcgaaa ttaaccctca ctaaagggaa caaaagctgg agctccaccg cggtggcggc 60 cgctctagaa ctagtggatc ccccgggctg caggcacata tctaagttgc ccaaagcacc 120 ttagaagcag aggctacaca gcttttctct gctatccatt ttccttaccc ttcctacacc 180 acctctacag ccaaagaagg gggaggtggg tgcttgtagc cccagcccca cttagcactg 240 atgtcctacc cctccccagc actgagcagg caagtgctcc aagacctctt cctagggaca 300 gccagcctgg ctggcacatt tccccaacaa atgctccctg gccacacggg gcagctctca 360 ccacctccgg gctggccaaa cagcagtctg cgagtcagta agtagtccga ggctagcagt 420 ctcccagcca gctctcccgg gatgctcctg ccagcacagg gttcagcagg gcatgcatgc 480 cccaggcaga gagaatgagc catgctgccc tttcctgctc agggnccctt gtcctttggg 540 ttaagtgtaa gacgggggtg gtgaaggctc cacattgtca gtgctcagga atgtgaactg 600 ggagaacgct gaagccataa tccccaacta tttcccttgg ctggatgccc aagtaatcag 660 ctgggccaat ctacagccag actccagccc tgctgcttca aatgtgggaa gtttagagaa 720

93/219

gaggccatga agaatctgaa tggattgcac agttactcct gtgggttcat cttaactggg 780
aaanantttg ttctgtagat ataataaata ttaacctagn attgggaaaa aaaaaaaana 840
aaaaaaaccc nnggggggg gccnggnanc cnaatttggc ccnaaaaagg ggggnnggnn 900
ttaaaattcn atngggnggg ggttttaaaa aggnngggaa tnggggaaaa c 951

<210> 53

<211> 962

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 53

gcaagnicga aattaaccci cactaaaggg aacaaaagci ggagciccac cgcggiggcg 60 gccgcictag aactagigga tcccccgggc tgcaggaatt cggcacgaga ttatactata 120 aaggtitica giggatcaaa atgiictact aiggaatata iggggagcca gccitaatca 180 taaataggag ttaacigagg giggacaaga gcaggciatt citacaaaig tictgcataa 240 aatgatgcat tatataatta agaaaagggi aittcattit tcitatgigi aigggigtit 300 tgtatgcatg igtgicctg tacigtigti gigcagcacc cictgagita agagaaggga 360 attiggaact agggatgcag aiggitgin agatgctatg igggigtagg gaatagaagt 420 caggcccict agaagagcaa ccagigtict taacigctga gccatcgccc tatcccaata 480

94/219

tittataatit taatititti ggaaacaccg ccicagitat cciaggcigg cciiggaata 540

tgitcigtag cigagcaigg cciiggaaci tcicaiccic ciaaciccag ccicccigcc 600

ggaitacagg igagigciai caigcicagi tiatggcaig tigacatita aggccciggi 660

tcaciaatit taigcaaaga tciacaicic tagccccata catatattat tiaagggggi 720

tantittata aigggatata nggtanaigg gccitagcai tccnatcaaa aaataaaaig 780

ggattianga aaaataggaa tataggcagg aaacninchi tiitggniig gccngaaggg 840

atggaaainc aigggnccig gnaaccanac niaagggcaa accattaagg ncaccigagg 900

ntaanggagc ccccagginc ccaaaggaan tiitiggggga ccnggaggcc ctaaccggga 960

ag 962

<210> 54

<211> 991

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 54

ncaaggtcga aatanccctc actaaaggga acaaaagctg gagctccacc gcggtggcgg 60 ccgctctaga actagtggat cccccgggct gcaggcaaag tggaattcaa gttatgtcta 120

95/219

ttatagatgc taaactgaag cacctactga tctctaccta catcagatta atgctctgtg 180 tcccaaatgt tcgtcagtgt tgtgtgacgg tgtttagaaa ttggcctatc atatcagtac 240 cttcaggcat gtgatataaa accgctatgt gatgttactt atggtattta atgaactgct 300 cactctacct tttatacgtg aaactagttc atcagcgtgg tacaaaattt aatatttat 360 caaaactatc attctggcca aatattgtta aactaatttt aaagggcgga atgcattagc 420 atttactgca ggtgagcaaa aaaaatttat tttggctttt ctgggaaatc aaaaggtcat 480 gctgtcttgc cagccgtgag taccccaaat gtcaatataa ttaatagata attganataa 540 aaatttegte aactgggeat etgtaattea geteeatata caacttegte ettteeaace 600 ctggtgtaca gggttgtgcc ccttcanant tggghtgtac gttccaccat atagttaggt 660 ttgtattnac ctaaaacaaa cttngttana gctgggtgga aancagccca tcggaactag 720 ccccatccaa tggtcacggt attitagati ccttaatcna acgnncaaaa cnagnggtca 780 gttccacaaa ncttangngg aanaaaatng ggccaaggga aaagacnatt gaagnaaaaa 840 gccgctttan aggccaaggg gggtgggcgn cccgtaaccc ggggggncct gggggngccg 900 gagnenecga aaccaeegag gteaeengge egnattnaaa eenaaeggnt teeeagggag 960 ccaggggctg gcttccaagg cggtgnacnt c 991

96/219

<210> 55

<211> 956

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 55

aaggccgaaa ttaaccctca ctaaagggaa caaaagctgg agctccaccg cggtggcggc 60 cgctctagaa ctagtggatc ccccgggctg caggcacagc caagtggcta tgacaacctg 120 accttcctcc cagacaacaa ggccaagtgg tcacccacct ccaaccggaa gccagagccg 180 ggccctgagc ctgtccagcc gcccctccgg cctcctagtc ccatgtcttc cagtcccacg 240 cccccagct ccatgcctcc tagccctcag cccaaagctt ccgggtctcc caagacagtc 300 caggcagggg acagtccttc agccgtgagt ctatcctgga ctaaggagcg gcggccggna 360 ggggagggcg gctacaaggg ctgtgtggtt cgggcaagga catcgggggc agaggctgat 420 gtggtggttc tcaacgaacc caccgccgac gtgggacagc gccagtgcct cgggaagtga 480 ggggagcgat gatgatgatg accetgacca gaagaagagt eteegeettg gegeagtege 540 agacaacact tacgtctagc teagegeeeg gacteteege eecaageeac teecetttee 600 gtacccaatt cgccctatag tgagtcgtat taaaatttca atggccgtcg ttttaaaaag 720 togtgactgg gaaaaacctg ggggttancc aacttaatcg gottgnagca aatcccctt 780

97/219

ttggnannig gggtaatagn gaagaaggcc cgnaacggat tggnncticc caaaaattig 840 gggcagnitg aaattgggga atgggaaatt ginaagcggt taaaaattit gggtaaaaat 900 tcgggggita aaattitigg inaaaatcaa ggncaattit titaaaccna aagang 956

<210> 56

<211> 969

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 56

98/219

ggcccttccc aaaagttggg cncctgnaat ggngaatggc aaattntaag ngtnaatatt 600
ttgttaaaat tcgngttaaa ttttngtnaa ancagcccca ttttttaacc aatagggcng 660
gaaatngggn aaaatccctt ntaaatccaa aagantagcc cgngnaangg gttgantgtt 720
gttcccgttt tgggaacaag nggnccncta ttnaangaac ggngggactc ccaacggtca 780
aaaggggggg aaaaaaccgt ctattcaggg gggagggccc nncnnggggn anccattnac 840
ancannatca aagnttttt ngggggncga gggtnccgga aaaggnnctt aaatttggga 900
accccnaaag ggggncccc ggatttaga gnnttngacn gggggaaacc cggggaaacn 960
ttggngatg 969

<210> 57

<211> 888

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 57

aagenegaaa ttaaceetea etaaaggaa caaaagetgg ageneeaceg eggtggegge 60

cgetetagaa enagtggate eeeeggetg eagggggeg aegaggtgtg getggeegte 120

aacgaetaca aeggeatggt gggeaetgag ggetetgaea gegtettete tggttteeta 180

etgttteetg aetagaatgg eaggetgggt eeageaeeeg gaegeeegee tegeteeete 240

99/219

tgctttcccc atcctcactc agacctcttc cttcaggaag tccaccctgg ttcctgaccc 300 atcagccctc tgtctcctca gagtttctct gggaatcact gactggttcc attccagtgg 360 ncagittatc gagacettta tgagaciatt tittitteag gigggaagag agaaaaataa 420 atagatcact aaataaaaaa aaaaaaaaaa aaaacncgag ggggggcccg gtacccaatt 480 cgccctatag tgagtcgtat tacaattcac nggccgtcgt tttacaacgt cgtgactggg 540 aaaaccctgg cgttacccaa cttaatcgcc ttgcagcana tncccctttc gccagctggc 600 gtaaatagcg caagaggccc gnaccgatcg accttcccaa cagttgcgca gctgnaatgn 660 cgaatggcaa attgtaagcg ttaatatttt gtnaaaattc gcgttaaaat ttitgttaaa 720 tccagcccaa ttttttaacc caatagggcg gaaaatcggc aaaaatnccn taataaaatc 780 caaaaggaat agaccggnga ataaggggtt tnaagtggtn gntnccaagt ttgggaaana 840 agaaggccca ncgaatttaa aggaacggtg gganctccca anggtcaa 888

<210> 58

<211> 931

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 58

tagcgcaagc ncgaaattaa ccctcactaa agggaacaaa agctggagct ccaccgcggt 60

100/219

ggcggccgct ctagaactag tggatccccc gggctgcagg cttcaatccc aacctttaca 120 atgatggcaa ggtttgttta agcatcctga atacgtggca tggaagacca gaagagaagt 180 ggaatcctca gacatcaagt tttttgcaag tgttggtttc tgtccagtcc cttatattag 240 tagctgagcc ttacttcaat gaaccaggat atgaacggtc tagaggcact cccagtggca 300 cacagagete tegagggggg geeeggtace caattegeee tatagtgagt egtattacaa 360 ttcactgggc cgtcgtttta caacgtcgtg gactgggcaa aaccctggcg ttacccaact 420 taatcgcctt gcagcacatc cccctttcgc cagctggcgt aatagcgaag agggcccgca 480 ccgatcggcc cttcccaaca gttgcgcanc tgaatggcga atggcaaatt gtaagcgtta 540 atattitgtt aaaattcgcg ttaaattttt gttaaatcag ctcatttttt aaccaatagg 600 gccgaaatcg gcaaaatccc ttnataaatc aaaagaatag accggagata gggttggagt 660 gttgtttcca gtttggaaca agattccact antaaaagaa cgtgggantt ccaaacgtcc 720 aaaggggcgn aaaaaaccgt cctatcaggg gcgnatgggc cccactaacg gtggaaacca 780 tcaaccctta aatccaagnt tttttttggg gggtaaaggg tgcccggtaa aaagccaccc 840 naaaatcggg ggaaccccct aaaaggggaa gccccccgg gattttaaga acccttggaa 900 931 cggggggaa aagcccgggc gaaacggtgg g

101/219

<210> 59

<211> 964

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 59

nnaagenega aattaaeeet eactaaaggg aacaaaaget ggageteeae egeggtggeg 60 gccgctctag aactagtgga tcccccgggc tgcaggtgag ctcttgctgc agcttctctc 120 ctctgccctg gtttctgcct gacattagaa agcagcccag gagaaaatcg actccccgga 180 cgctgatttc ctgtgtcacc ttttgatgag tgttcctggg ctctgccatt ggttttcgcc 240 tccctgcgac acacacagga atggccatct ccagggtgtg gcggaaccgc ctgtccttca 300 tggccatcat gatectegtg gccatggtee tgteeetgea tgteetaege teteetetgg 360° aaggctggac aacctccact gacgtaccta acctgcagaa tcggcttctc acaacttnct 420 gtctgtggca aggcaggcac attggcttct ctnagagtgt tacaactttc ctggagctgg 480 gggtgctggg gatacctcaa gttggccttg ccctggctag ggcttggtgt gtatggagcc 540 ctggtcctcg catcttcgtc cctctgnctc tcctccttgc ccagtgcaac agtggatgca 600 gggcacaatg gcgggctagc cgtgggctnt nctgggggca atccnctgat gctggttgng 660 acggngggaa ctaaagncct cttgcnctnt tccttgggng gtggaaangg gctccangnt 720

102/219

aggacentta actecaaane aatentnngg eetnaatggg eetaaggggt naaanggnte 840
cecaanenaa eegaaggana aaagaaaggg gancaangga aaaceaactg ggggnaacaa 900
actggeetna agneecaagg necentnaac aaaaaaggge eetaanngng gaaangggga 960
aatg

<210> 60

<211> 868

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 60

ggcaagcncg caaattaacc ctcactaaag ggaacaaaag ctggagctcc accgcggtgg 60 cggccgctct agaactagtg gatcccccgg gctgcagggc ctggtgctga ccatctttgc 120 taacctcttc ccctcagcct acagcggcgt gaacgagcgc acgttcttgg cagtgaagcc 180 cgacggcgtg cagcggcgc tggtgggcga gatcgtgcgt cgctttgaaa ggaagggctt 240 caagctggtg gcactgaagc ttgtacagcc ctccgaagag ctactgcggn gagcattatg 300 tcgaggtgcg ggagagacct ttctacagcc gattagttaa atacatgggc tctggtcccg 360 tggtggccat ggtgggcaa gggctggatg tcgtgcgcg ttcgnggncc ctcatagggg 420

103/219

ccactgaccc aggggacgcc acgcccggta cgatccgtgg tgatttctgt gtggaggttg 480
gcaatgctca gagagagatc gctctttggt tccgtgagga tgagcttctg tgctgggagg 540
acagcgcggg acactggcta tatgatagac gctaaatcaa cattaccaat ctggaggttg 600
ttggtcttct gtgatcttca catgaacatg ctatgtgggt gcaagtccac ccaacccagt 660
ctgtccaggg gcaaccactt ccacatccca ccctctattt cctttcataa taaaccgcag 720
aaaacccttt tgcgctggtg cagtttcaag acaaaaaaaa aanangnnna nnnaannnnn 780
nnnagnngaa nngnnnnnn nnnannnna aaaaaaacct cgagggggg ggcccggnaa 840
ccccaaattc cgcccaaan aggggntg

<210> 61

<211> 887

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 61

tnggcaagcn cgaaattaac cctcactaaa gggaacaaaa gctggagctc caccgcggtg 60 gcggccgctc tagaactagt ggatccccg ggctgcaggg agaactagtc tcgagtttta 120 ttttattttt ttattttcta ttttttgcg atgctctaac tgtaaagtag actgaagaca 180 aaaggaaaaa cacaacaaga cacagttctt cgagcagcaa ccaacagaga gtcagagtca 240

104/219

caggagaacg cctcacgcag ccgcgggtta ccagggttgt gcaagcatct cccagcatcc 300 ttgtgctgct gctttaggct caaccagtct cgccccgggc gttcacgttc tacactgtaa 360 aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa actcgagggg gggcccggta cccaattcgc cctatagtga 540 gtcgtattac aattcactgg ccgtcgtttt acaacgtcgt gactgggaaa accctggngt 600 tacccaactt aatcgccttg cagcanatcc ccctttcgcc agctgggtta atagcgaaga 660 ggcccgcacc ggatcggccc ttcccaaaag ttgngcagcc tggaatggcg naatggcaaa 720 ttgtaagngg ttaatatttt gttaaaattc gcgttaaatt tttggttaaa tcagccncat 780 tttttaacca atagggccga aatcgggcaa aaatccctta ataantncaa aaaggattga 840 nccggnggat taggggttga antggtggtt nccagntttn ggaaana 887

<210> 62

<211> 864

<212> DNA

<213 Rattus norvegicus

<400> 62

tnccgcaagc ncngaaatta accctcacta aagggaacaa aagctggagc tccaccgcgg 60

105/219

tggcggccgc tctagaacta gtggatcccc cgggctgcag gaattcggca cgagccaaga 120 cgatcttttc ctttaggttg aatatttgaa tcttatgtgt atcaaaaaag aaatgggttt 180 tagtactttc tgtgccctga tattttgtat actcctgact tccccagtgt gctggctctg 240 agggcgtgtg gagagctctg taatgcctgg ttgggcactg ctgaggggcc tgccgagctt 300 gtttctattt catacttttt atactttgtg gaaaaagtca acggaaaact atagtattgg 360 agggaaccag tgtgaccaag gnaaaagatg atttcaacaa gcagcctcca tgggnacttg 420 gcgtgcactc tgggttccag ttatctcgag ctgctccacc cctccccagc ccaacggttc 480 tctctgcaaa cgcttggatc taagaagcta gtctcctggg ttagctgatg cctgcctgc 540 tttctggtta cttacattct gtttcttgct ttaaaagaaa gacaagactg ttggaccagt 600 attgcaattc tgtagagtcg tttcttatta aaacaataat gtgattacca aaattggcat 660 atttaaggcc taatgccatt ctaataaagg caaaaatttc tttttacnac taaaaaaaga 720 aaananaaaa nanaannaaa aaaaaaaccc gaggggggc ccggtaccca attngcccna 780 tagggagncg tattacaaat tcactgggcc ggncgtttta aaaaangtcg gtnactgggg 840 gaaaaccctn gggggttacc caaa 864

<210> 63

<211> 864

106/219

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 63

cncaageneg aaattaacce teactaaagg gaacaaaage tggageteea eegeggtgge 60 ggccgctcta gaactagtgg atccccggg ctgcaggggg ggggtgttat gtgtacagtg 120 gaatgaagac cagaagaggg cattggttac agggagttga gatccaccat gcaggggctg 180 caaatcctti tgtaagagti citagagcat attitigiig tigtiggiit tiigtigit 240 gtttttttt ttgtggaaac agggttttcc tctgtatatc tggctatttg aactcagatc 300 tatctgcctc tacctcatga gtgctggggt taaagacctg tgccaccata ctgagctctg 360 tagtaacage tegtaacett ggaaceattg gettaagtet gggnaaacne etaatagtgg 420 ttatttctaa gacctggaac ttggaatcat tagttttggt gggtattttt cagttgagtg 480 gaatgaatca cicaaattac tgaagttata atcttccaat taaaaaaaaa aacatctgcg 540 ggttggggat ttagctcagt ggtagagcgc ttgcctagga agcgcaaggc cctgggttcg 600 tcgccctaaa agtgagncgt attacaattc acnggccgtc gttttancaa cgtcgtgact 720 ggggaaaacc ctggcgttac ccaacttaat cgccttgcag caacatcccc ccctttcgcc 780 aactggcgta atagcgaaga ggcccgcnac cgantggccc tttccccaaa ccaagttggc 840

107/219

gcaagcctgg aaatggcgga aang

864

<210> 64

<211> 899

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 64

caagetegaa attaaeeete actaaaggga acaaaagetg gageteeaee geggtggegg 60 ccgctctaga actagtggat cccccgggct gcaggaattc ggcacgagag tgtaaccgct 120 gtctgcctgg ttgaacttct gggatcaaga aggtgtgttg aaatcggttt cctttgggag 180 cggtgggcac agctaacgca actgtgaaca gacacgtctc acacaatcac ctgctgctgg 240 cacteggeet gggtetgeet ttgecegeee tgeeeteege catagetgtg tggtggeeet 300 tagaatagat ggggaggctt caggtagcag ccgtgggact gaccaccgct gggcttgggg 360 cgctttggct gcacccctgc tttcttaagt cttaagtgat tgccccatcc aagccatggt 420 ccccactcct ccactcccac ccttgggcca aagcttagat tgtaatctcc cttccctctg 480 gaaatiggcc gigggigagg aattcagggc itcccgictc cccaccitta icaaggggig 540 ctgctttccc ctcctcaagt cccttgttgc ccgtcaccac ccaacacttg ctgtggccag 600 aagccaccag atgaggttgg aagagcctgg cctccctcaa ttagctccgg accacaatcg 660

108/219

ttcacctgcc aacagcctgg gaagggagcg ccgggtcctc gggccctgcc aacaaccatc 720
agcccttgag ctttgagctc aggtctagag gtgaacagag cagtcaacgg gggcgaatca 780
agaaggggcc aancgntcaa ggggtccctt gggaatataa ntgccttaga agaaaagggc 840
caatgcngga gaagntcctt cgggtggnan aatggggtnc tgnagtttgg gttcctttg 899

<210> 65

<211> 941

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 65

gccgctctag aactagtgga tcccccgggc tgcaggcact ttcctaaata gaaaanggta 120 gctcacaggc ggcagagcac agaaacactg gtgggtgtgc ccagccagat gccagagttt 180 ctgtgctctg ccgcctgtga gctaccactt tcctaaatag aaaatggcat tattitiatt 240 tacttttigt aaagtgattt ccagtcttct gttggcgttc agggtggccc tgtttctgca 300 ctgtgtacag taatagatgc acacggttga cctgtcctgg ggcctaggtg ggttgtacac 360 tgagcatcag ctcacgtaat ggcattgcct gtaacgatgc taataaaaaa acacaggtgg ggcccggtac ccaattcgcc ctatagtgag 480

109/219

tegtattaca atteaetgge egiegittta caaegtegtg actgggaaaa ceetggegtt 540
acceaactta ategeettgn ageacateee eetitegeea getggggtaa tagegaagag 600
geeegeaaeg ategeeettt eeeaaacagt tigeggeane tggaatgge gnaatgggen 660
aattgtaage ggtttaaata aatttggtta aaaattegeg ttaaaaattt tggtaaaate 720
cageeneaat ttitttaaae eeaanangge eggaaaateg ggeaaaaatn eeettaaa 780
aateeaaaaa ggnattagae eeggngaata aaggggttna aatggttggn tneeeagttt 840
tgggaacaaa gaggteeeae etaattaaaa gaaaneggng ggaeeneeea aanggteaaa 900
aagggggga aaaaaneegg getateaang gggggnangg e

<210> 66

<211> 877

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 66

aagcgcgaaa ttaaccctca ctaaagggaa caaaagctgg agcnccaccg cggtggcggc 60
cgctctagaa cnagtggatc ccccgggctg cagggtctga gctccctacc ctgnaagagg 120
ctgtgggctt gctcgtagcc taacccctca ccgacagttt gatggcgaag agacggtcct 180
tgtgcgtaag gaaggacagt tctcacnccg cagaataaca ggagacagaa atgttcaatt 240

110/219

aaaaagagtt tactttagac cacagcctgc tgtgtgccca ctcactgccc tgtctgctgg 300 gaggcgggat caggggagat aggcggatgg ctgtctcatt aatgtgctat gcctagttag 360 ccctgtgctt tctgtccttg aaccnctggg gtgggaggaa ccctattatc tgcctctcgg 480 ataacaaagg acggattgat tattctgggg acncctaagt ggggagaggg gtgaggcatt 540 tgcaagtgac ccctgggacc tggaaccctc aagaggagcc taatgtctct gcccacagga 600 acatetgtgg nttcantact tettgttttg teeetgtatg ettttetetg caeteaaatg 660 gggtgatgag ggaaggcggg gggctctcaa atcctgtctg tgaacttttc ccttcttgct 720 gatgenactt ettegneaag ceaaggtetg aaagaaggag teeteecagg ntgntgneng 780 nttgccggag atcataaagc ananggtcag gggctggncn ccctgggnnn caagtncggg 840 ctttggccng tgggatgccn ggggcaaaag gacctng 877

<210> 67

<211> 895

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 67

caagegegaa atnaaceete actaaaggga acaaaagetg gageteeace geggtggegg 60

111/219

nccgctctag aactagtgga tcccccgggc tgcaggtggg acgccggatt cgcaagcccg 120 atttggtcag tcggtgaagg ggcttctcac ggaaaaggtg aacacctgcg gcaccgacgt 180 aatcgcgctc accaagcagg tgctgaaagg ctcgcgaact tctgagctgc tggggcaggc 240 agctcgaaat atggtgctac aggaagatgc catcttgcac tcagaagata gtttaaggaa 300 gatggcgata ataacaacac accttcagta ccagcaagaa gctattcaga agaacgttga 360 acagicgcct ggaccigcaa gaccagcigg agicattiac iggaagiagc icicgccaga 420 acagcagttg gacttctttg gcctgatgct gagaaggacg cgggccttag tttccatttt 480 catctccaaa aattcatcta gaaaagactt gtgaaaagaa gaagccaagt gaccaaacgt 540 gaaagcactt cttaagttgg gagtaactca tcttcaagtg gttttatatt aaaattaata 600 ggttgaatca tttagcatca gatccctctc tctctctccc tcctgtgtag cccgctgctt 660 ttgaactcat aatccccgtg ccgtagcctc tcaagtagtg agattaaaaa ccaccatacc 720 tggccactgg agtaacacat tagtcgcaga tacttgggag gctgagggca gggaggatcc 780 tgtggagccc cnaacggttg agtccatcca gggnnacaca ggaagaacct atctccaaga 840 aggagaaggg gcaaggggaa gggggcttct aactggggat cacgtgagaa gtgnt 895

112/219

<211> 947

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 68

tntgcaagen egaaattaac eetcactaaa gggaacaaaa getggagete eacegeggtg 60 gcggccgctc tagaactagt ggatcccccg ggctgcagga attcggcacg agctactttc 120 cagtgtaacc atagcctgct tagcttgggg taagacttag tagaaaatgg tgcttcagta 180 aaccgcttac ttccagtcac aatcaccttg ttgctgtggg acccgaccct gtttgagccg 240 gctgccctca ttcccactta aatcaaagca gctggctagt ccccctgttt ccttcccaaa 300 aaaaaactcg aggggggcc cggtacccaa ttcgccctat agtgagtcgt attacaattc 420 actggccgtc gttttacaac gtcgtgactg gggaaaaccc tggcgttacc caacttaatc 480 gccttggcag cacatccccc tttcgccagc tggcgtaata gcgaagaagg cccgcaccgg 540 atngcccttc ccaacagttg cgcanctgna atgggcgaat gggcaaattg taagcgttaa 600 nattttgtta aaattcgcgt taaatttttg ntaaatcagc tcatttttta ancaatnggc 660 cgaaatcggc aaaatccctt tataaaatcn aaaagantag gaccgagata gggtttgagt 720 gntgttccna gttttgggaa caaagangtn acacctattt naaaagaaac gtgggagctc 780

113/219

ncaacggtna aaaggggcgg aaaaaanccg gtctaatnca ngggcggatn gggcccaacg 840
gaanggtgaa acccaatgga anngtaaatc naaggattnt tnnggggggn cncgaaggtn 900
gccgggaaaa ggcacctaaa aatncgggga ncccntaaaa gggggng 947

<210> 69

<211> 895

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 69

caagcgcgaa attaaccctc actaaaggga acaaaagctg gagctccacc gcggtggcgg 60

ccgcictaga actagtggat cccccgggct gcaggttttt tittaaggat ggaaactgit 120

tatttatggg taaagaatag ctgagagaac acttgaattt gatgaagctg tgccactttg 180

caggtcgggt tggtttatca tcaaaaggtc caaaataaaa gttacttcac agaaaggagg 240

aggaagcaat aagttaatgc ataataagcg cttttacaag catactttat aggaaggaga 300

ttcataatta tagccaatat attctagaca gtaactttga ctatttcaca agaacataaa 360

attactgagt atggaatggg tggcagacac gaccatggac gaagaagggc atatgttgig 420

tacctggcca tggatcacag ctcctaagct ttggaactac attttggctg tgggacacaa 480

gaacataaga ttttcictag gagttaaggg agtggccaat gggctgatag tgggcagtgg 540

114/219

agaaagaaca ctgtacattc ttaaaagtct gccatagttg aagagtagg tgaggtttgt 600
agttaacaaa aacatggact ttttcctttt taatacaggt ttacctgcta atgcaaattt 660
agaaggaatt taaccaagtc agtaaaaatg ttgaaggctt tcaccggaac caatgactgt 720
tttggcctct ttattcaaag tacaagatgg atgtcaccaa aactgggatt tgagantgga 780
aaatttccaa aagggggaga aaaatccngg ggttatttan aggttaaaaa accggggaag 840
gatttggtta aaggccanca ggatagginc aggacccaat tgggaaccca tainc 895

<210> 70

<211> 896

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 70

ncaagctcga aattaaccct cactaaaggg aacaaaagct ggagctccac cgcggtggcg 60 gccgctctag aactagtgga tcccccgggc tgcaggaatt cggcacgaga agaactcaag 120 agagtagcca ccatcttaaa gcaaagtagc aggtgggaa aaggtgggta gaggagatgc 180 tacttaggg gtgggatttt ccagtcaggg ccatttagac acgggaatcg ctgaggcttt 240 cagtcgatgg ggctttcttt tttccctgct tcatctctcg gcctcaggag aggtattaac 300 agtattatca ccatttatat cctagctgtc ctgagccaaa tctgccattg gaggtgtcit 360

115/219

cttgitctct aaatgiccag aaacactcta attaccatt ccacctgggt gcctcacaca 480
ctccccagag gggaggttaa catctctgcc ccatttccct catgitcctt ggcttggtca 540
ttccctacct ttctattttg tgitaaactt ggcttittt tittitcat attgaaaaga 600
tgacattgcc ccgagagcca aaaataaatg gggaatggaa aaaaaaaaa aannnanaan 660
nnananannn annanaaaa aaaancccgn ggggggccc ggtacccaat tngcccnaaa 720
agggggnggn atnaaaattc cngnggccgg ncggttitaa aanggncggn angggnaaaa 780
ncccnggggg gtinacccan nitaaancgc ctinggagga aaaatccccc ctitinngca 840
aaannggggg gaaanaangg aaaaagggcc cggaacnggn atggcncttt tccnag 896

<210> 71

<211> 929

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 71

cncaagcgcg aaatnaaccc tcactaaagg gaacaaaagc tggagctcca ccgcggtggc 60 ggccgctcta gaactagtgg atcccccggg ctgcaggaat tcggcacgag aatagagctt 120 ttgtgcggcg gcagcggcg cggcgtctct ctgatttgaa cgccgaacag cggtagcttc 180

116/219

tcatctgtgg cctgacctcg aagcctaaga acagagcggc gagatgacgg accggtacac 240 catccacage cagetegage atetgeagte caagtacate ggeaeggee aegeegacae 300 caccaagtgg gaatggcttg tgaaccagca tcgggattcc tactgctcct acatgggtca 360 cttcgacctc ctcaactnac ttcgccattg ctgagaatgn agagcaaagc gcgcgtgncg 420 ttttcaacct ggatggagaa aatgctgcag cccagcgggc cgaccggcgg gacaagccgg 480 aggagaactg aggcgagcgc ttcccagcct tccccatctg ccatctgtgg accgatcctc 540 ctgactcctg cttctcgacc attctccgtt gggtgtatcg cctgacctgg cttacctgtg 600 ggacggttcc gaacaagtca tcgagagact gtcgggtctc ctgggggaagc tgtgcgggaa 660 ggagtgatcc cagaatcggg caaagcgang ggagaagact gcctggggaa tggatgacgc 720 attccgagtt cagcttttcg aataagttga tgtcgttctc gccttttttn tttttttaaa 780 tanntannat acataaaagt tagggatttt gntaaaaaaa aaaaaananaa aaaaaaaact 840 tcgnagggg ggggnccggg taccccaaat ttcggcccct aaanaaggng gaagtncggn 900 atttaaaaaa tttcaacttg ggccngntg 929

<210> 72

<211> 944

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

117/219

<400> 72

ntcaagcgtc gaaattaacc ctcacntaaa gggaacaaaa gctggagctc caccgcggtg 60 gcggccgctc tagaactagt ggatccccg ggctgcaggc ggccttggaa ccgctcgatt 120 tctatagaga agctggcggc tggtgccagt ggcttctgag ttctcgattc ttggacnccg 180 agaaggctgc aaggccatgc tggcttggcg cgtggcacgc ggcgcgtgga gggtcccttc 240 gcgtggctgt ccggcctccg ggggcgcgc tcggcagggg cggctcccgc aggccctgct 300 accaccegeg gcctgctgcc tgggctgcct ggccgagege tggcggctgc gtccggccgc 360 gttcgccttg cggctgccag gcaccagccc gcggacccac tgnctccggc gccgggaagg 420 cagccccgga gcccgcagcc ggaggagatn ccgccggcgc agncccctan gnncccggtg 480 ggtccgggcg agcgcaacca nctcgtatga aaatccatgg acaatcccaa atttgttgtc 540 aatgacaaga attancctgg ccccantgtt gggctatctg attcttgaag aanattttaa 600 tgttgcacna gggtgttttt gctttaacta ggactaacgg gatttgttgg natgggnatt 660 taatnnennn aaaactnngg encaatnaaa aatnaagett tngggaaant getettggat 720 cccaactngc ttgnanaaan gtttnttaan caaggaatct tgaanaagaa tnangccngg 780 nanctaatgn nnagaatcct taaattcgaa antncccaag nnaacttaac aggnntaaat 840 tttcaangaa gnatggaaan gggtggaaac ggcaggcnga gnnntnttaa nnnnnaanat 900

118/219

aaacgagaaa nnnntggnga aaaaaccggg gaaacagant anng

944

<210> 73

<211> 886

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 73

caagcgtcga aattaaccct cactaaaggg aacaaaagct ggagctccac cgcggtggcg 60 ggccgctcta gaactagtgg atcccccggg ctgcaggcca tcgccccact ccaccctcct 120 ctgacaggcc agggaaggtc ctgctgtggc cgcctgagag atggctcaag tactctgtga 240 ttccttgtgg cccagagccc tgtgtgctgg ctgctatcag acaccttgcc cctgtgctgg 300 tettaaagaa teattateea tegtggteae taegteetge tteetetggg catetggagt 360. tcccagattc ctctgtccct ttcctggata tgcttttgta tacacatttt tagcacgaga 420 ctttccccct ttacaaaggt gtcaacttga aaaatgtttt aaaccacagg atagcacttt 480 caatctaact tttgtggtat cttccatcag aatcatcttt tcctatctgt tttttccctt 540 cacgggttaa ggttcacatc cccatggaaa ccagtttaaa tctgcctcag aacaatttgt 600 atctttggga aggaattgtg tccttggagg cccatgtaag tggattctaa gtgggggcca 660

119/219

gctgctcctg tgtgcatgct gggactctgg ggaggagac cccctggcat acacctcaat 720
ttgccctcag tcaaggtgag gcaaggggtg ctggagtttc ctcancccag caaggctttg 780
ctgtcaataa ggaaggagg aagaaaagtc ncccggtggc naatgaggac catagcatac 840
ctaananggc ccaataagaa nggaaacaag tggnctacna aagccg 886

<210> 74

<211> 888

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 74

gcaagcncga aattaaccct cactaaaggg aacaaaagct ggagctccac cgcggtggcg 60
gccgctctag aactagtgga tcccccgggc tgcaggcatg ggcagagttt tcaccaccaa 120
aaacatgtgc ctcaagccag tacccggatc cctgaggcca cagaagggaa acctccagac 180
acaagcacgg ctgtacagtt tcagagcacc cagcagtcca cttttccatc tggagcacca 240
tccttgaaca aagagctcac ccgccactgg gaaacaacca ttctcccttc aggctatggt 300
ctggaggcta ggcctgtgc tgaggcaaat gagaaacagc acaaacagca aaaagaacca 360
ggagctggtg ctgggcacac aagccttggt gccggtgcta tccctcctgg gccatcgtct 420
tcttcctcgt gggcagccat ggtctgtgtg ctgtgcaaca ggaggagtga ctcgggcaga 480

120/219

getetteagg titigeagete tigttatacae etigtigaace aagaeeeea gigeetigage 540
aagaatigaa getegtgaga gatgaegtgig gagaggtige agaeagaetig geaggetagg 600
ctecateaae gaactgaate tigageteati tititetigigig atigtittgaa teaaagtage 660
cattatigtaa tetagggaea getitigaaet acagageetig tigeeeegaee teetagatte 720
tigggattata gatatateet actigeatetig eeetegteta attiteataaa taaggintaa 780
attiteangg tititigtittig gittageega agaateetat titagneeaag eeaaceteaa 840
aatneeeeaa giggaanenet aanggneeee aggeetteet taaaaaaag 888

<210> 75

<211> 893

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 75

caagegegaa attaaceete actaaaggga acaaaagetg gageteeace geggtggegg 60
cegetetaga acnagtggat eeeeegget geagggagaa gagateetgg ateacagtge 120
tgteegeeat gacagaggag geagetgttg caateaagge eatggeaaaa taactggett 180
ceagggtgge ggtggtgga neagtgatee atgageetae agaggeeeet eeeeeggete 240
tggetgggee ettggetgga eteetateea atttatttga egttttattt tggtttteet 300

121/219

<210> 76

<211> 940

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 76

nancgcaagc gengaaatta acceteacta aagggaacaa aagetggage tecacegeg 60 tggcggccgc tetagaacta gtggateece egggetgeag gaatteggea egageegeat 120

122/219

ccaagaagac aggtggcagt tctaagaacc ttggtggcaa atcacgaggc aaacactatg 180 gcatcaagaa aatggaaggt cactacgttc atgccggcaa catccttggc actcagcggc 240 agttcagatg gcacccaggc gcccatgtgg gactggggaa gaacaagtgc ctgtatgccc 300 tggaggaggg gatagttcgc tacacgaaag aagtctacgt gcccaatccc aaaaactcgg 360 aggotgtgaa totggtoact agtotgooca agggtgotgt gototacaag acttttgtoo 420 acgtggttcc tgccaaaccg gaggnaacct tcaaactggt agacatggct ttgaagtcct 480 gttgagacca tcggatgacg ggcgaccgga acccaggtca caggagcaag tgatgatgga 540 agtcaagggt cagggtgagg acaaggtctc cacagaagag gcctattgga tggggactct 600 gcaggggcct ttgtgctgtg gttgctggaa anctcttggn agctctggca tgantgtcaa 660 taaagctgna ggaatteetg gaaaaaaaan aaaaannaaa naaaaaacct egagggggg 720 ggcccgggtt accccaaatt cgnccctaat annngaaanc ggnaanttaa caaattcaac 780 ngggccggtc ngntttaaac aaaggtccgt nganctgggg naaaaacccc ngggnnggtt 840 taccccaaac ttaaatccgg nncttggaga gggaaaattc cccccctttt gggccaaggc 900 ctgggggnaa gataagcgga naaaagggcc ccgcaacccg 940

<210> 77

123/219

<211> 896

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 77

cgcaagcncg aaattaaccc tcactaaagg gaacaaaagc tggagctcca ccgcggtggc 60 ggccgctcta gaactagtgg atccccggg ctgcaggtgt tagcctccgg taccggctct 120 cttctttttc aatgtagcgc ttgaagccct agctagagca ataaggtaag gaaactaaag 180 gagcataaat agaaaaagtc aaattatccc tattagccaa tgatattatg catatgagat 240 tctaaacact ttcaggagag tggaaggata caaaaacaaa ttacaaaacc cagtagctct 300 tctctatgcc aataacagca tcctgcgaaa gaaatcctgg aaaaccatcc cattcacaac 360 aacctcaaac acgtatacat tegtacteat eeccataaaa ageetaacca aggggttgeg 420 agacctctac aatgatgatt ttacatctct gagggaagac aatagaggat gggaagacct 480. tccacgctca tggactggta gaattcagag tgtggcaatg gtcacgccta aaaaccatgt 540 gcggattcat gacagtgcaa ccacctggta atcaaccacc gaaaaatgca aacgagagga 600 cagaaagtat tatttacaaa cggggctgga aaacattgga tgtccacagg tagaagaatg 660 agattagaac ctttaccgct tcctctggca caaaaccaac tcccaccagg tccaagatgc 720 cagtgngaaa ctttcagtct ctgggaaccc tgcagactct tggagagcaa tggttacaca 780

124/219

gggagaatcc tcatttccgg ctttatgggg ggagactacc tggagggaaa agtgcccngt 840 ccttccccng gggcttctaa ggaaaccctt cttagaggag gggtaaaaat taaacc 896

<210> 78

<211> 892

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 78

caagetegaa attaaecete actaaagga acaaaagetg gageteeace geggtggegg 60

cegetetaga actagtggat eeeeegget geaggeecaa eeageecaca tittgitetet 120

aaaceeaaac agetgteece tgietgtetg tggettittg ticattitat tiagtgatgt 180

titticagit aaaceacegt ggacaaatgt eicaetaaga aateegtgg aagetgata 240

gettaeacet gtaattgtag aaegtgggag getggaetga ggggatagea tigagticaa 300

ggeeageeag agetgteage tatatagagt teeaggetga teicagtaec agagtaagac 360

cettieteag aaagacaaag aatetaaatg aggtaggatt eigtgggete agtggtaatt 420

ggeetaactt ggetgteac aetigtaagg eeeagaattt gateeecaca eeetecaaaa 480

aagaagttig gggatggaa etgaattage ateagtgeet etgateete etcageegta 540

gaetagaatg aegaggagee etggttaae ettggeactg etgeetaeee tetetaaget 600

125/219

cgctttcctc atctgtagg agcctcgga tggagcctca gggagtgcgg gtggatattt 660

ttatattgtc tattaaaatg taggcattaa gctccaacat ttntgcttgt tacaatttta 720

nggcctatat tttattgatt aaaaaatgcc cctggcggg ttgggggatt tagccccagt 780

ggtagagcgg cttgnctagc aagcgcaaag gccctngggg nttgggttcc cagcncccgn 840

aaaaaaaaaa annannnna nnanaaaaaa aaccnncgag gggggggcc cg 892

<210> 79

<211> 979

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 79

aagcgcgaaa ttaaccctca ctaaagggaa caaaagctgg agctccaccg cggtggcggc 60 cgctctagaa ctagtggatc ccccgggctg caggctgaca tgtggcactg gtggttttc 120 attaccttgg atgtcagagg actttcattg aaacaaaatt ttatgttgga ctggaaaatg 180 ggggctagaa gtatcatgta tggtcaaacg gaagactggg taacctccaa acagagcatt 240 catgaaattg tcaacagtat tcgtcccaag tattttcata tgctgtcaca caagaggacc 300 agatgctgga ggatctccag tctgtcccct ctcagcagag aggaaagaca gtatggcaga 360 aaacctgtgt agctttagct tcaggtcctg ttaaagcatt actgtttgca cagcaggaaa 420

126/219

ticccctgn aactgrage tittecctgt gitactggca cigitggaat gaggiggaaa 480 giacacgaat ggatgccaig gictigitgg iggicagggi cciactgccg igiaaigaag 540 gccigcagig cagacactca ciigiticte ictaticaca giatictccg gaaacgcait 600 cgagaggata gaaaggciac aaccgcicag aaggigcage agatgagaca gaggciaaat 660 gaaactgaac ggaaaaggaa aaggccaaga iigacagaca cciaaaigii caigaciiga 720 gactaticig cagciataaa iiitgaacci iigaigigca aagcaagace igaagccace 780 iccggaaact aaagigagge iigciaance igiagatige cicacaagni gictgiitac 840 aaagtaagci iitacatccag gggatgaaga aacgccacca gcagagacti gcaaacccci 900 taaaningan ggaatiggnn iiitaaccan ggnggiatga aitggaggaa agaigtaaag 960 naaaainaat itagggggg

<210> 80

<211> 973

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 80

agncaagcgc gaaattaacc ctcactaaag ggaacaaaag ctggagctcc accgcggtgg 60 cggccgctct agaactagtg gatccccgg gctgcaggtt ttttttttt tttcacaatg 120

127/219

aatatgtctc atttattagg tagaaaacac ttaactgcat aaaacttaca gggaaaaatg 180 gccgtatttg aaaacagcta aaaggatcag agtagaacac agaaccgtaa tgagcagtgt 240 cacggagcac actaaggagg tgtgtatagt cagtcccact ggcacctgca ctgtcaaatt 300 cttaagtatt gatttgtact gcatgttttt ccactgggca gatctcctca ctcttcaaag 360 aacaagggag ctgctacttt ctgactgagc ccagcatttc aaaattgggg aactcttggt 420 cacagtgcat cagtaagtca gggttgttga ccacaatgga gggtgtctcc atccttctta 480 tgtggacgca attttggggc tccttcgggc acttcgggca cctctacagc caccgcggca 540 ccggcgggcg ggtttggcgg atttggaaca acaactacaa ctgcaggctc tgcattcagc 600 ttttctgccc caacaaacac agggcagtac aggccttctc ggcggnactc agaacaaagg 660 ttttggcttt ggcactggtt ttggcacatc gacgggtact ggcactggtt taggcactgg 720 cttgggaanc ggacttggat tcggaggatt taacacccag cagcagcagc agcagcagca 780 gacticitta ggcggtctct tcagtcagcc tgcacanggc cctgcgcagt ccaaaccaac 840 tcatcaaact ggcagggtct ttctggncca aagcnaantg gggggtgaaa aaangccanc 900 ttggcaaagt gggaccagtt gcagggcttc tgggggaaag ggaaagggga tttccataan 960 aaaaaatccc ccc 973

128/219

<210> 81

<211> 1004

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 81

cgcaagcgnn gaaattaacc ctcacgtaaa gggaacaaaa gctggagctc caccgcggtg 60 gcggccgctc tagaactagt ggatccccg ggctgcaggt ttgatttcaa atggatctac 120 actgitaact gaatgatgag actccactgi gattcactcg titacttaat caaaaaatti 180 cagggatgtc tgtaaatttc agtgttgtgc acaacaagaa gtgctgttgg ttgatttaag 240 gagggaccag aaataatttc tactattcca gtactgaagg aaaaaaaata ctgatttata 300 ctgtttttaa aaactaaata ttaataaagc cccctgtcag aaatttaacc ttaaaaatta 360 ttttaaatat catcctatat tattagaagg gaactacaag tgactggata aataccaaaa 420 agattcacaa gcagcttcat ttaaaaaagca caaagaggtt ctggtgtgaa atgcccaaat 480 ctcaaatgtt ttctgtagtt ctgagtttac agatgtaaaa gctgtccctg gaaggctgca 540 gtacctgtat ctgctgtccc tgtgaactac actcgcacca ccccagaaac cctggtactg 600 gatagggtag cgtgggggta cagtctcaga gggggtgagc cacagtcacc caacggggtc 660 agcttgcaga aagaccaaaa cagggaaagg cgagtgggat aattacttaa cagcacattc 720 actctctacg gagtaatcac atatgggttg aaatttgaag agcagattgt ggatcatttt 780

129/219

gacccctggn caaaatccct gtacttggag aantttggag gcggacgtgg gcatccacgt 840
gggcggttgc ctttaccaac aggnccgtgg gactggttgc caaaaaggnc ggggtncnct 900
ggaaaaaaag ccaggncccc ccncggtggc ctggcaaagg accaggttan gggaaaggaa 960
aancccnnnn taintttgnn gaacccaaan ttttaatncc ccgg 1004

<210> 82

<211> 1003

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 82

aggeaagege ngaaattaac ecteactaaa gggaacaaaa getggagete cacegeggtg 60 geggeegete tagaactagt ggateeeeg ggetgeagga atteggeaeg aggetateea 120 gaeggeaga gttacceagg agetgeagga eaggtacetg gaecacaeee eggtggetae 180 tateetggae etcecatgg tgggggeeag tatggeagtg gatteeeee tggtggttae 240 ggageteetg eccetggagg accetatgge taceceagtg etggaggaae eccetetgga 300 acteeaggeg gaecatatgg eggtggaeet ecaggaggee ectatggtg tggaceteea 360 ggaggeeeet atggteagge acateeaagt ecctatggta eccageege tggacettat 420 ggaeagggtg gtgteeeee eaatgeagt ecctatggta eccageege tacteetggt teeagtat 420 ggaeagggtg gtgteeeee eaatgtegat ectgagggee tacteetggt teeagteagt 480

130/219

ggatgccgac cacagiggct atatctcact tcaaggagct gaagcaggcc ciggicaact 540

ccaactggtc ctcattcaat gatgagacgt gcctcatgat gataaacatg titigacaaga 600

ccaagactgg ccgaattgat gtcgtcggct tctcagcctt atggaattcc tccagcagtg 660

gaagaacctc ttttcagcag tatgaccggg accactcggg atccatcagc tccacagaag 720

ctgcagcaag cgctgtccca gatgggctac aaacctgnag cctcagitca agcaagctic 780

ctggitttcc cgaatactgt aaaaggntct ggncaattcc cggccaatgc agctgggaat 840

ggtttcaatc aagggtggt tnacccaagc titcaanggt gitgaactga aggccttccg 900

gggaagaaag ggtangggt tgtaaaaggg gaaaaaattc cgggntcnag gcttttgaag 960

ggantttign caacnatgna ggggtttaan ggatngcaat nnn 1003

<210> 83

<211> 1004

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 83

cgcaagcgcg gaaattaacc ctcactaaag ggaacaaaag ctggagctcc accgcggtgg 60
cggccgctct agaactagtg gatcccccgg gctgcagggt gggcagaggg attggccctg 120
ctttgtgacc cctacctgat gcctccttcc acaacatgat tgcagcctt agaacctagc 180

131/219

tcagagcccc tcagcacaag ccccgccccc agcagccagc caaagccact gggtgagcgg 240 gtacatctgc ggacccatcc ctcagcctcg atcaaccagg atccctcctt cccagagcct 300 gtccctggga gagcttttgc caccaaggtt ctagccctgg actttctaac cacttcttct 360 catgggagac accetggetg getactneca agggaceagt ttggettaac tteacagece 420 acatccatgg tcatctttaa ccttctttcc tggcagattg ccaggttgct aatctgctgt 480 cccctctggc tgtaagcaca gtgtcaggac ctagtgagga ggtacaagga gcaggccgtg 540 cttggagtgc ccattccccc taaccctctg ggntggcgcc tcctcctcac tggagacccg 600 gaactetgna gagagecaaa geacacaggg acceageagt gtgggttaga caaagetgea 660 gctaagatcg gggagtcctg gnactgcagg ccaggccagg gtccccacct aagccacata 720 atctgcctgc cggagnctgg cccccgagcc ccctcctggg gaaagtgctg cccatttgcc 780 agtgtctgcc caggaggaag gggatctgct tcagagggnt tcctgagaac cctgggtccc 840 aagnotnago tggtaaaggo ototggggtg ggaaaaggnt tgotggtggg ggaagnocaa 900 aaacggggaa agttttgnaa naagggngan aaggttttta agnaggngga gcggaggcaa 960 aaaggggttt ttagagccaa gggncaanaa attttntttt aatg 1004

<210> 84

132/219

<211> 982

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 84

aagcgcgaaa ttaaccctca cgtaaaggga acaaaagctg gagctccacc gcggtggcgg 60 ccgctctaga actagtggat cccccgggct gcaggaatca tcgctgaggc cctaacaagg 120 gtcatctaca acctgacaga gaaggggacg cccccagaca tgccagtgtt cacggagcag 180 atgcaggtcc agcaggagca gatagactca gtcatggact ggctcaccaa ccagcccgg 240 geegeecaac tgetggacaa ggaegggaeg tteetgagta caetggagea etteetgage 300 cgctacctga aggacgtgcg gcagcaccac gtgaaggccg acaagcggga ccctggagtt 360 tgtcttctat ggaccagctg aagcaagtga tgaacgctta cagggtcaag ccagccatct 420 ttgacctgct gctggccttg tgcattgggg cgtacctggg gcatggcata cacagccgtc 480 cagcacttcc atgtgctgta caagacggtg cagagactgc tgctcaaggc caaggcacag 540 tgacagtggc catgcacagg tggcccagga ggtactagcc cacgcaccca cagcagccag 600 actgaaacac agagggtttg gatgggtcac taggatgcag ggacacctct ccctgtccat 660 ttctttgaat gtccctggag gagagcccg cccgcctgca gacgagccca ctgggatgga 720 atgatgaccc gggccaaatg cactgaaagg ccgcacaatg ctgttggcct ccccagtggc 780

133/219

tgggttccag aagcctgtct ctgcagtttc ccaagaggna gccaacgttc agcctggctt 840
ggcccagcaa cgggcaagan ccaanaatgt tntccctgat ggtcctcctc aaaacccctg 900
ttccggcctt gtttgttaac ttttgnaaca atttgaacca accttgggtn ccccaagctt 960
gggattttga gccaccctga gg

<210> 85

<211> 983

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 85

caagegngga aattaaceet cactaaaggg aacaaaaget ggageteeae egeggtggeg 60 geegetetag aactagtgga teeceeggge tgeagggtti tittititi tittitaaaa 120 ettaaaaaca tittitatti tittggitte gagacaggat etaagtagig cagatigate 180 ttaaacteag eetgeetetg actiteaaga getgggatta aagatacaig acactatate 240 aaceaattea eeecaattia tittiettat atatttaatt gitteettee eacttaaaaa 300 ateataacaa aataatagat tieatgacae tiecaaagga ateattgtae titgetaata 360 titgetatti gitteeagtaa tatggagaet aaatttagee acteaeteet gnaceagtee 420 taactitaaa tgtgittgga tiaaactigt aateeeaggt atttgggaat taggattgaa 480

134/219

aagggagget agggstigg gattiagete agtggtagag egetigeeta ggaaacacaa 540
ggeeetgggt teggteecea geteegaaaa aaagaaccaa aaaaaaaaaa aaagaaagan 600
aaaaaagaaa atgggaggtt acatagtaac ticaaggeea acetagaegg gggggeeegg 660
tacceaatte geeetatagt gagtegtatt acaatteact ggeegtegtt tiacaacgte 720
gtgaetggga aaaneetgge gttacceeaa eitaaatege entggeagea nateeeett 780
tegeeagetg gegtaaatag egaagnaggg eeegaacega teggeeette eeaaacagtt 840
gegeaneetg aaatggega atgggeaaat tggaageggt aaanaattin ggnaaaaatt 900
egnggnaaaa tittgggnaa aanneageee aantittita aceeaanagg ggeeggaaan 960
eeggggaaaa anneeeetta aaa 983

<210> 86

<211> 943

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 86

tcaangcgaa ataaccctca ctaaagggaa caaaagctgg agctccaccg cggtggcggc 60
cgctctagaa cnagtggatc ccccgggctg caggtttgca tgcccggcag gtgcagacac 120
acgaaggtct tcagctcgcc aatgagctgg gtagtctctt ccttgaaatt tctactagtg 180

135/219

aaaactacga agacgtctgc gatgtgtttc aacatctctg caaagaagtg agcaagctgc 240 acagcettag egggagegg aggagageat ceateatece eeggeeega teecceaaca 300 tgcaggacct gaagaggcgc ttcaggcaag ccctgtcctc caaagcaaaa gcagcctcca 360 ccctgggctg atccatcgca gacagactga catagtatta tcaataagca tttgtgctgc 420 cacaaagact ggtcctttcc tcctttaaaa catatccagg ggttggggat ttagctcagt 480 ggtagagcgc ttgcctagca agtgcaaggc cctgggttca gtccccagct ccaaaaaaaa 540 agaaccaaaa aaaaaanaaa aanaacnaga acaaaaaaac aaaaaaccat atccagagtt 600 tatttttata atggacttta ttgggctttc aagtgtatgt atatttctga aaaattcaaa 660 cagtggnttt ttttaatggg tttttntttt nattttatnt tantttacng naaaccgtta 720 gccactcttc cattaaaggc aaaaatggca anaccaaaaa angaaaagan ganannnnan 780 ananngngan nnaaaanana anananaang aanaagaaaa aaancnccna ggggggggn 840 ccnagaaacc caattggccn nnaaaagggg gggaggattn aaanatncna ggngcngnag 900 gnttttaaaa aggcgnnagc cagggggaaa ncccaggggg gtc 943

<210> 87

<211> 939

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

136/219

<400> 87

cgtcaagcgn ngaaatnaac cctcacttaa agggaacaaa agctggagcn ccaccgcggt 60 ggcggccgct ctagaacnag tggatccccc gggctgcagg tgacgcaact ttgtcangaa 120 aacgaatgca gtcgctctcc ctgaataagt aancnggcct gtgggaggan atgccggggg 180 aactgggccg tgccgccagg anctctgcca tgtctcaccc actctgtgcc ctggcgcngc 240 tgcagcagcc cctacggcca ngagccccta cggcctgggg cctcctcttc atcttggcac 300 agaaattgtt caggggaagn ggaaggggct ggggggaggg gcagctgcta tctttgagac 360 agaaagatgc aggcacagca tttcatacgt aaccatttga atgtttttga ctgtttttag 420 aattcgggcc ctggtggggt gggtggggtg cctgggaatg gcgtaaggag attccatttg 480 tccagtagat tgcacgttag tgtggggagg ggggtgtggt gccagcaggc agctgctgtg 540 ggagttgatg acaaccagcc cagatcatct gggtgctcac tcagaggggc tctccgggan 600 cctgtgcctc gnaagtccgt tccgatgaag cctctcctct ccactctgcc cccttcccac 660 ctacctggtc agggctagtg cccattttta accctaccca ttgancattt caagaaaacc 720 totggttact gtgctcaccc agancaagac gtgctcctca aatncaactt gnatagntgg 780 gcagattaaa acaacattna tncanaaaag aaaannnana aaggggggg cccggaaacc 840 caaattnggc cctaataagn gaancnggaa taccaaattc aatnggccgg acgntnttaa 900

137/219

aaaacgnccg nganagggna aaaccctggn cgnaaaccn

939

<210> 88

<211> 1014

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 88

nnctcaagca ngnaaatnaa ccctcactaa agggaacaaa agctggagct ccaccgcggt 60 ggcggccgct ctagaactag tggatccccc gggctgcagg tcgagttttt ttttttttt 120 tttttctttt ttttaagata atggttttta attgaattat tgagatgaag agacagtgaa 180 gccctgtttg ctacttacat gaaaagattt taaaaaacaat cacngcacaa aatacaaagg 240 ggcagggtat gctgtggcat tgaatttcnc ctcacttttt ttcttgacgt ctcaagaaca 300 aattaaagtt tooacagcaa atttgttoto aaaangooga atggtgaaac agttacgggo 360 ttcacgcttc tgnaataccn ctaatggttt ccctgacgcn gcatttgtag gtttccttgt 420 cgtgacacag tcggnaaatg aagaagccca gggggtccac gttttngang cggtcggtga 480 tcaccatgtg ctcatggatg aggtatgacn gaggcaagta ggtcccggcc ttgatgtcaa 540 taagaagete caacagitte ngggnggeat aacaanggea ggngineana ggnateaagn 600 tnncacntga nccaanattn aagggcncaa ataagnaaan gaannntgca ngtnnaaann 660

138/219

tcatncacaa tgnttggnca ggaaacgctn nnccgcaaan ctccagggna acaggntana 720
cngnatgcaa ttacnacggg ncgnccatcc cacnaaagaa gcnaaagaaa nnctcnnnca 780
aaatagttca ggganancga annancnngg ngagcanccg agaanntaag ngcaactnna 840
nacanatatt gancgnnnca accnantgaa tgaaaaactg anannccnaa naannaggan 900
nnnacaanca ancacanggn nnnaatgngn ngaantaana ncaatgaaga aggtgagang 960
nnccgacncc angagaagga acgnaganac ggngntnnan aggggncaag attc 1014

<210> 89

<211> 955

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 89

accegengaaa etnaaccete acntaaagg aacaaaaget ggageneeae egegtiggeg 60
geegetetag aacnagtigga teeeeegge tigeaggetig tigeagegeg gaagttatet 120
ctgeagggaa gatgetteee tigtegetige tigaagacage eeagaateae eecatigetigg 180
tiggagetigaa gaatggggag acctacaacg ggeacctiggt gagetigegae aactiggatiga 240
acateaacet tegagaagtig atetigeacat egagggaegg tigacaagtie tiggaggatige 300
cegagtigeta cateegagge ageaceatea agtacetigae gtateeegge atgeagatea 360

139/219

<210> 90

<211>,964

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 90

cgttaagcgn tgaaatnanc cctcacgtaa agggaacaaa atctggagct cctccgcggt 60 ggcggccgct ctagaactag tggatccccc gggctgcagg acgcgctcag ccacgtttgg 120

140/219

acacgggact gacgcaacac acgtgtaact gtcagccggg ccctgagtaa tcacttaaag 180 atgttcctgc ggggttgttg ctgttgatgt ncntgttttt gttttttgtt ttttgttttt 240 tttttggtct tattattttt ttgtattata taaaaaagtt ctatttctat gagaaaagag 300 gcgtatgtat attttgagaa ccttttccgt ttcgagcatt aaagtgaaga cattttaata 360 aactittig gagaatgii aaaaaaaaaa aaaaaaaaa aaactcgagg ggggcccgg 420 tacccaattc gccctatagt gagtcgtatt acaattcacn ggccgtcgtt ttacaacgtc 480 gtgacnggga aaaccctggc gttacccaac ttaatcgcct tgcagcacat ccccctttcg 540 ccagctggcg taatagcgaa gaggcccgca ccgnatngcc cttcccaaca gttgcgcanc 600 tgnaatggcg aatggncaaa ttgtaagcgt taaatatttt gttaaaaatt cggcgntaaa 660 ttttngtnaa atcagctcca gtttttaacc caanaggnee gaaattegge aaaateeett 720 ataaatccaa aagaaataga ccgagatagg gttgantgnt gntccagttt ggaacaagag 780 tccacctaat taaagaacgt ggactccaac gtccaaaggg cgaaaaaaacc ggnctnaatc 840 caggggcgaa gggcccacta ngggaaacca tcancctaaa ncaaggtitt tnggggggnc 900 naaggngccg ntaaaggcnc ctaaaatccg ggaancccna aannggggan ncccccnaat 960 ttta 964

141/219

<210> 91

<211> 945

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 91

aagntcgaaa tnaaccctca ctaaagggaa caaaagctgg agctccaccg cggtggcggc 60 cgctctagaa cnagtggatc ccccgggctg caggaattcg gcacgaggtt tacgcggccg 120 ccttgcgcgg tttgcgaacc cggggaaacc tatcctgaaa cccaacaagc ctcttatctt 180 agctaatcgc gttgggaacc gacgccgaga gaagggcgtt cttcccctcc agaggcaact 240 tgtatcacgg agatgtcaat gatgatggct tgctggaagc agaatgaatt ccgcgacgag 300 gcgtgcagga aagagatcca ggacttcttc gattgttctt ccaaggctca ggaagctggg 360 aagatgagat caatccagga gactctggga catctggaag tttaccnccc cacaaaatgn 420 actaagttgt tacagagatt teccaataaa teteatetga getgaaaatg gagaaacatt 480 ttcaacgaac tctcatttct gaaagctaca cagaggcgta ttagggatgt ttgcatgnca 540 ttgccatgcg tttttgaagg gtaaaatgag gcaaaacact caattttgct cttctgaatg 600 aatcgtgttc tggatacgtg tcttgaaata aaaccctcta aaaaaaaaan gaaaaaaaac 660 ncgagggggg gcccggtnac ccaattcggc cctatagtga gtcgtattac aattcacngg 720

142/219

tgcangcana tccccctttc ggccagcggg ggtaatagcg gaanaggccc gcaccggatt 840 ggcccttccc caaaagttgn cgcagctgaa atgggcgaat gggaaatttg gaaggggtna 900 anaattnggt naaaaattcc ggggttaaaa tttttnggnn aaant 945

<210> 92

<211> 968

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 92

aagcgcgcaa attaaccctc actaaaggga acaaaagctg gagctccacc gcggtggcgg 60 ccgctctaga acnagtggat cccccgggct gcaggattcg gcacgagctg gatcccaagt 120 tcctggtgaa cttggaccct tctcactgca gcaacaacgg tactgtccac ctgatctgca 180 agctggatga caaggacctc cctagtgtgc caccactgga gctcagtgta cctgctgact 240 accctgccca gagcccgatg tgggtcgacc gtcagtggca atatgatgcc aaccccttcc 300 tgcagtcagt gcaccggtgc atgacctcca ggctgctgca gctccctgac aagcactcag 360 tcacagccct ggctcaacac ctgggcccag agcatccacc aggcctgcct ctcagctgcc 420 tagcaaactt ggaacttcag ggacggccag cagcccttct ggctgagggt ctcataccac 480

143/219

ctaccaaacg tcactaggtg ttggcttctt agagggccgg ggctaggtta cctitcctgc 540

ttttaccttc tgccttggag acctgcccgc tctccccatc ttgtgcagta ttgaccaggc 600

agctgtggag ctggctgcat gaggctgggg gtgttcccac aaggttttcc attgtcgttt 660

tcccccagag tcagtcccca cacttctaca gcctttctgg gcttccatgt ccactcagca 720

gcatgagaac tcagggtccc atcaaagcat ctctgtgtta aaaccccatt gtgctcataa 780

tctggagaat gtgggaggac acagggaaan ccttcaccat acatacggn tctccagtca 840

aaanggggt tcaggctggt gcggcctaaa gggaatgcgg aaaanggtgc angnattcag 900

nctggaaatt aagggggaaa ggattttaag gcntgggaag aaaggggcaa gtaagggaat 960

tcaggagg

<210> 93

<211> 958

<212> DNA

<213 Rattus norvegicus

<400> 93

aagcgcagaa attaaccctc acgtaaaggg aacaaaagct ggagctccac cgcggtggcg 60 gccgctctag aactagtgga tcccccgggc tgcaggaatt cggcacgagg cccttcaaat 120 ttttactaag actgtgcgtt ccaaccatga aatgtaggga gtcaagagct atctcactga 180 ggacagggtt tgtttggatg ctgggttcct cacaagatgg gtgatatgtt taacagtgga 240

144/219

gttctgtaaa gtcaccagat gtaactgtaa accacactgt gtcacaaaag gctcacagca 300 cagcatgtgt gggcactcag ggtcagtcgg ggtgagaaag ggccagctcc tgtgtggtgt 360 ggctgttaga gcaacctgtt gacctggggg cagaagtgac cagggcagaa tgaaagcgta 420 cagactggga ggataagggc tagtgctgtc ttgagggacc aggacccaag ctctccctca 480 gctgtagact agtttggtga agctggtgtc agcgattaca tccatgtcat gattctcgat 540 ccagagacaa tggccccgat gggatggagc cggaagcgtn catcgagagt aactggaatg 600 agattgtgga tagcttcgat gacatgaatc tctcagaatc cctcctccgt ggtatttatg 660 cctatggttt tgagaagccc tctgccatcc agcagcggag ctattcttcc ttgtatcaag 720 ggttatgatg tgattggctc aagcccagtc tggggactgg gaaaacagct acatttgccc 780 atatccattc tgcagcagat tgaaattaga tctaaaaggc cantcaggct ttggttctgg 840 ganccacncg tggaattggg ccagcagatt caaaangggg gtaatggcac tggggagact 900 aaatgggngn cccctggcca tgncnggaat tgggggggac caaacggtgc gtgnctnt 958

<210> 94

<211> 989

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

145/219

<400> 94

aagcgcgaaa ttaaccctca ctaaagggaa caaaagctgg agctccaccg cggtggcggc 60 cgctctagaa ctagtggatc ccccgggctg caggtgatga ggggtgagca atgttactaa 120 aggaaattgg taaaatggca gctacattgg ctgggtgtcc tctgatagtg tcctggaagg 180 ggtgttttgg attcgcatat actcttcacc cactattttg aaaatttgta ataacaccca 240 aaaacgtaaa agttcacgcg attctcttct gctagaaaag attgcagatt ggctatgcac 300 atagagtgtg tgactagaag tggaaatgct tggaaaggaa aaagagccag ggggtgaaca 360 aggettggtg aatgagaetg gtaatgtace eeatggaagg gaaagggaaa gaaatagaet 420 ggaagggaaa gtgcagccct gccctgctcc ctgtgctttc actaccaggt gcccaaatgc 480 ctcagggaga caaggggctg ggaagagcag gaggcaacac aggcacaaaa ggatgatctg 540 tgagtgagtg cacteceaca agattttett aggeetgeag aaaegeatge ateetteeca 600 gtgtctctat agcatgtgcc tgctactgat gctattcctg acagtgagct cacctggtga 660 ctggaggaaa tgccagattt tgaagcattt gacgaatctg ttgccttgta tcattacatt 720 tncccatant aatgnaacac taaataacta aggccacaga atgaggtgat nccacaagat 780 tagatgggac cgggttgatg gtccanctgg gncaaccaat ggccaatggg gttttccang 840 gtgggaggcc ttnaagnnta cagganccag gccccngtaa attaaccaag tggggaataa 900

146/219

cccggntacc ggaagaccga gcctgcnttg ggngaanggg gganccangg cnggnccntt 960
anggggggaa taaaancccg aannccngg 989

<210> 95

<211> 998

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 95

caagcgcgaa attaaccctc actaaaggga acaaaagctg gagctccacc gcggtggcgg 60 ccgctctaga actagtggat cccccgggct gcaggaattc ggcacgagat atgctgctgc 120 caaggaagct gcaagtcgaa gcaaggactc tgtaacccac gagatccaaa tgctgcttgc 180 atticacagt agttaaccat gitaaagga gaatgctita aaaatagact gittiaaagc 240 ccgccgtgcg cactcatctt gatgitacta aagactgtgt tccaaacgtc tgcgtgcggt 300 aaacccggcg tgctatccta gcctatacgt catcacagga cititaagtt cattccagat 360 catcgtatct ttaatagaat aatagtattt aatticagta cagaaaattc tctgggctgt 420 acactitcag aaaaattcic ctcagtgtac acttcagaaa aattcicctc agtgicttaa 480 ccttatttag tattattiga cictaaactt ccgtttacct cttggcgtcc tcctcaagac 600 cagagaaagt catctctgcc actgttatc ctgggggtca tctgggtcc tcctcaagac 600

147/219

gcagctcctg catcaagttg tgtttggntc ataaagtcct ttgcctataa tcataagggn 660
acaccagagt gaacagggaa tgttgcaagg gtgtaatctc atgcaaagag tagcancggt 720
ggcattccct tcctccctgc gggaaaatan ggcangaacc antttccntc tggtagacct 780
ctggccccac ggacaggcta gggattggcc caagcggcaa aaggccaggg natatggagg 840
ctggtaactc ccnggctggt aancccnaag ggggggnacc ncccccggtg gganggtnca 900
nctggnggcc cagnggggta aagntggnn ccnggttnaa accaacccac caggaaaggc 960
ccctggatga aagcccaaaa gggnaaccca aggngggg

<210> 96

<211> 986

<212> DNA

<213 Rattus norvegicus

<400> 96

aagcgcggaa attaaccctc acgtaaaggg aacaaaagct ggagctccac cgcggtggcg 60 gccgctctag aactagtgga tcccccgggc tgcaggcagc ctcagtcgca gccgggcctc 120 gctcctcaac ttggcaaaaa tgcctacaga gactgagaga tgcatcgagt ccctgattgc 180 tgtttccag aagtacagtg ggaaggatgg aaatagctgt catctctca aaactgagtt 240 cctttccttc atgaacacgg agctggccgc cttcacgaag aaccagaagg accccggtgt 300

148/219

cctcgaccgc atgatgaaga agctggacct caacagtgat gggcagctag atttccaaga 360 gtttctcaac cttattggtg gcttagctat agcatggcca tgagtccttc ctccagactt 420 cccagaagcg tatctaaccc tctccattcc cttccagcca, ccaagtcatc gcctcctcca 480 ctccttcccc catccacacc tggcactgga gcccaccaca cctaccacac atgcagccca 540 ctcgaggggg ggcccggtac ccaattcgcc ctatagtgag tcgtattaca attcactggc 660 cgtcgtttta caangtcgtg antgggaaaa ccctggggtt acccaactta atcggccttg 720 caggaaatcc ccctttcggc agatggggta atagcgaaga ggcccggaac ggttggcctt 780 tccaaaagtt gggagctgga atgggggaat ggnaaattgg aaggnggnaa anaattttgt 840 taaaattegg nggtaaaant tiggnaaaat caggeecatt tittaaacca atnagggngg 900 gaaaatnggg gaaaaanccc cttanaaaan ncnaaangga ntaggcccgn ggaananggg 960 ttnaagnggt tggttcccaa gttttg 986

<210> 97

<211> 1006

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 97

149/219

aagcgengaa attaaccete acgtaaaggg aacaaaaget ggageteeac egeggtggeg 60 gccgctctag aactagtgga tcccccgggc tgcagggcat acattaatat tttattccaa 120 agagaaatct ttggttagaa agacatacaa aaatggaagc taacactgtg tctgtctgtc 180 ccccacact tccagcgtat gcagtgttaa gagatatcct ggcacttgta tctttgggat 240 tccattttgg ttctcgaaca ttgggaaaaa caaatggctt ggttctgtgt gattaggcca 300 aggttgggga agctagacac ctgccattcc acagataact tgctgaacgt ctacactctg 360 ttttccttgc agtaatactg tttcctgcca tctcccggc ttctggccac cctggcaata 420 gcacccttgg cctctagagc cattggtcca gagtatgcat ggcacacctg atggcacaga 480 ggtgcccaga tatgtcctcc caccttccat atctaccacg gaggatgcca tcacgccata 540 aaatctggaa cccagtgatg aatacattta catgttaaaa aaacagccac ttggtaaaaa 600 tcagatctta cttaggataa aggaattctg ggctttcata gaagcttcgg tagttcaggg 660 aagaaaacgc engggaggaa gateatteag neaagetgtt tgtagggtta ggaaaaggga 720 agtaaaaaac actatcinaa gicigicigg gicactiica tigaaacacg tiiciggcan 780 atttccctca aagggactct aactggaggc ctctgggcag actctggcat cggaccctca 840 aggtgggagg acctgaccna agaatctgtg gtantttagg ggaggttttg gtncaaaaaa 900 caattttta aactggcang naatttaaaa aaaanatcna tnanttnncg ngggnctaaa 960

150/219

aatgggcnaa ttccaaaang gatgggaatt nggccnaatg gitngg

1006

<210> 98

<211> 978

<212> DNA

<213 Rattus norvegicus

<400> 98

cgcaagcgcn gaaattaacc ctcactaaag ggaacaaaag ctggagctcc accgcggtgg 60 cggccgctct agaactagtg gatccccgg gctgcaggaa ttcggcacga gattactttg 120 ggctcataat agccaacaaa ataaatgtag aggccccatt taaaaaaagaa agggaggggt 180 ggagtgggag agagggtaat ggaaacaaaa caaagaatca agtcttatga ctaagggaca 240 caagaaaaag attgaatgag cagatggaaa tattaccacc taggtgtaaa cttatgtgtc 300 tatggatgta ggttcttcac acacttaaag tacgatgcat ctctaatgat actaaatatg 360 tatttatagg actttagtgt ggagggagga cacagcaggt gattcatctt gaataataaa 420 acaaaaatag ccctaaatat ttacctggaa agtcatgcaa tgaaaaggaa ttagttttac 480 tgaatgttaa agttttttac ttatctgtga aacagtagga atattaaaca ccaatacatg 540 atttinttct caaagacatt tttttaagtc atgcctggtg gtgcatgcct gtaatcccag 600 cccttaggag gctggggcag gtttgctgtg aatttaatgt cagcttgtgc tatagaacaa 660

151/219

gttccaggct aaatgtagac nacagagtta gaaaacctat ctnaaaaaaa aaaantcaca 720
caaacataca cccaaaaaaa aaattgttta gnatagtaca cgttcacttc acgtgtgtgg 780
ttagggcccg aacaacctcc agcngntggt tncccaggga gttggtanct tttaagggta 840
aggaacccca ccagccngga accnctaagg aagggcngna gcngggtcaa cnagccaagn 900
cccntanggg gctgnccgga ccccaaggnn cngggggatg naaaaaggta anaaggnggn 960
ggaccaannc cncanccc 978

<210> 99

<211> 988

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 99

aagegegaaa inaaceetea etaaagggaa caaaagetgg ageneeaceg eggtggegge 60 egetetagaa enagtggate eeeeggetg eaggeeetgt itgtggtgae nggteatgaa 120 gtaagteace aggatgacee igtetiteea aitgeeeace aceigtgget etitinnnee 180 eeeennnnee eeeatatite eeticeetga eaceicetgi eeeaacetet etaaeeeee 240 itggggeatit ietggetige etggatagit itaagagaeen getigtigge iataaigiet 300 itteatieat ieatiettet ittietitit itaaaaaaac aaaaagaaac aacaaaacca 360

152/219

aaaagtatcc agaaaaaaaa aaaaaaaaac nncgaggggg ggcccggtac ccaattcgcc 420 ctatagtgag tcgtattaca attcacnggc cgtcgtttta caacgtcgtg actgggaaaa 480 ccctggcgtt anccaactta atcgccttgc agcacatccc cctttcgcna gctggcgtaa 540 tagcggaaga ggcccgcacc gatcgccctt cccaanagtt gcgcagnctg naatggcgaa 600 tggcaaattg taagcgttaa tattttgtta aaattcgngt taaattttgt taaatcagct 660 cattititaa ccaataggng aaatgggnaa aatcccttat gaaatcaaaa gatagaccgn 720 aganagggtn gagtgttggn tcccantttg ggaaaaagaa gtccacnatt aaagaacgtg 780 ggacnecaaa gteaaagggg ggaaaaaaac ggtntaatea ggggngatgg gecaetaagg 840 ggaaccaatc aacccnaaat caagtttttt ngggggggga agggngccng naaaangcac 900 taaaancggg gaaaccccta aaangggnng ccccccgnat tttaagaaga ntganggggg 960 988 aaaanccggg ggaaangngg gngaagaa

<210> 100

<211> 971

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 100

aagcgcggaa attaaccctc acgtaaaggg aacaaaagct ggagctccac cgcggtggcg 60

153/219

gccgctctag aactagtgga tccaccgggc tgcaggttcc cccctgttt gggtgaaagt 120 ggttctagaa cctgcactga atagtagtaa agcaataagg cccgattcat cccacagcac 180 tgatcatctt tcaatgcccc accccaagcg aacggtaaga aggcctctct taagaagggg 240 agacagatgg ccctaactac tcagtgacag aggcagttac tgtgagagac ttgtaggaat 300 ccttttcttt cctagcgaag tcaaagctct ctctgaatgt actgtgtgac aatgcatcat 360 ggcatgaacc ttcggtcagg gacgtcattg gggaagtgac ttcaaaagta ttcaaaattt 420 gacatgctgt ttgtttagtc actacagtgc cctcaaaggg cagacattgc agccttttta 480 tattgcctgc caaaatttga agtattagaa caaagtgtgc catgagagaa aaacttaaca 540 aggagttttg aaaagtaatg caaagaacaa aactacaaca ctatttttaa aaagttgagt 600 atctgagtta aaattttcaa atctttattt tacaccactt aaaattatac gagaacaagg 660 tacatgcatt atgtgtcaca ttactgggca aactgttcaa atatttttt taaaccnccc 720 tgtatagaaa atatcattaa gggatgtaaa agccatgctt gcctatttgc ngtatacatg 780 taatgaaatt ggtagataaa aggggtagtg cattggaaac caaatggaac aaaaaagtag 840 ntactittac tataccaagg gtgccnggtg caggaaaaaa atataanana antingtggg 900 naatggnagc antttaaaac cnttccaagg gggtataaaa aaaaaaaggg ggggggcccg 960

154/219

ggaccccaaa n 971

<210> 101

<211> 1006

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 101

agcgcgaaat naaccctcac gtaaagggaa caaaagctgg agctccaccg ccgtggcggn 60 cgctctagaa cnagtggatc ccccgggctg caggcttaaa tagaattcaa ttctaaaatc 120 ctaaaaccca tctccgggtt accaaagaat gatcttacag gtcctgtcag tgttctctgt 180 gtgatggttc tgagaattaa aacaactata gtcctctgtg attcatggct tctctccatg 240 ctatcaagac tatctgaaga ggttatagaa atccttggcc ggtctgcacc tcacctgccc 300 tccaggacac atgtgatgtg tgcatccaga tgaccaaaaa cagaccctta gggcttcgat 360 aagggtttac aatagtttga agtgctttcg ctcacagcta gggaaccttt acaaaccaag 420 ctagcaattt aacneettge tetteatggg gacacatett gggettgaag teagcagtag 480 agtcaggaga aagttcccaa agatgtttga gcaattcaat ttcatcccng ctcccattga 540 tttagacttc aggtttcgag gggagcctac taaagtatac attaaggata atttgcttag 600 ggcatatena atngtggttg teegagtaga tgaacgcaga gteteteaga agteeacace 660

155/219

catcacagca acaagtaaga agctcataac agaggaacat ctactating ctitiginita 720

aaaaaccccc cagatggcna aancatcctt tctgtttcca nncngnincg ccincaagcn 780

ctggngiggt gnggtgnnig tggtgngngn gngatgagng agtgingtgg tggtgnggng 840

nngngngint gnngggggg gannggnaag caggiccagg gnagaatncc acaaaggggg 900

caagaggggg angggtcca gnanaanccc cggaaanggg ggagannacn cctggggagg 960

ggnnaaccaa caanttcccn aanggnnit nnacccagna aanana 1006

<210> 102

<211> 968

<212> DNA

<213 Rattus norvegicus

<400> 102

agegeggaaa ttaaccetca egtaaaggga acaaaagetg gagetecace geggtggegg 60
ccgctctaga acnagtggat cccccggget geaggaatte ggeacgaggt cccctggage 120
tgagtecete agagtggggt ctteagtagg gtetectaca gteagagagg ggeetgagga 180
tggaccagae ageacaataa gtgaggetge eactttacet tggggaactg acceccatee 240
cagegeecea etteeggate eecegggetg gegaggatatt gggeeagage teetagagte 300
agaageacet attaagtegg aggaaceaet caaagaggat geeaacetge teectgagaa 360

156/219

gacagttagg gnccttcgtg ncccattgac ctacagtggc atcgagcggn aagcctncag 420 gaggagcgca ttcaagcatc gtgagggccg gaccaggcga gctcaggaat ttcttgccag 480 cccgactcag ccaccctgag cccccagagc gcaatggggc tgaggcagtt gtgagacccc 540 ctggccggtc ctgcgggggc tgtggaagct gtggaggccg tgagcactga gagctgtagc 600 ctcggtggtg gctgccctca tcttcttccc ctgcctgctg tatggagcat acgccttcct 660 gcctttcgat gntccaaggc tgcccaccat gagctcccgc ttggtctata ccctccgctg 720 tggggtcttt gcnaacttcc ccatcgtgct ggggctcctc gtgtangggc tgaagctatt 780 gtgcttttnn gccctttggc cctttggaag agccgagaag ggaagtagaa gattccacgg 840 gcagtangtg ggcccaagtt ctgtgcaggt tnttnaannc tctantttct ttaaacctgg 900 gctgtggctt ttcaacctaa nntggnccca aggaanaang gtnaaaggnt ggancccccc 960 ttggnnaa 968

<210> 103

<211> 1033

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 103

aagcgcgaaa ttaaccctca ctaaagggaa caaaagctgg agctccaccg cggtggcggc 60

157/219

cgctctagaa cnagtggatc ccccgggctg cagggctggg cttgccttct gtggtaatac 120 atgacagagg cattagactt ttttagctgc cctaataagt atatgatgaa taaataaatg 180 ccaataccca taacaatttt tctagtgggg acaaaggtca tttgattaat ctaggttttc 240 ataccgaccc gattattaaa tgcacttaaa aaaaaacngc atttaaagca ttggccttag 300 cagaattaac tgacttagtt ccttacnggt gagtgaattc agttccctac caactaatgc 360 gcagaatcta agaatcccat cctgcacaca ttggttggga gccctgagtg gagtatcagc 420 agcaccaact ggataagagg cacaagagaa gtggggaaca tctggagtcc tgttggacgt 480 ggacagtgtt tcttggatat gtatgccaca gtgccttggt ggccagcttg gagtcctacc 540 tactcagcct ttgtccccac ncctccngtg ttagcttnca tcttgcatat tcnatttttt 600 ncnactitgt taaccnactt tatgnentta neteaataaa aangentaee aagggnaaaa 660 aaaaanaaan aaaaaaaaag gggcccggna cccaatnncg ccctanagtg gaggcngnaa 720 tnancaantc cacggggncg gtcgttttaa ccaacggtcg tnaaggnggg aaaancnctg 780 gncggntanc caaanntaaa nncggccttg gcaagcanca aaacccncct atnacggaca 840 agaangggcg ngtaataaga cgnaaaaggg ncccgacaac cgnattaagc cccgtncncc 900 aaaaaanttt ggggagccct ggaaannngg cgaaanggga caaatnnnta ananggntaa 960 anaaanttgg ganaaaaagt cgcggtgnaa aaanatnnng gaaanaactg gcaccgnttt 1020

158/219

ganaccaaaa agg 1033

<210> 104

<211> 1011

<212> DNA

<213 Rattus norvegicus

<400> 104

agcgcggaaa ttaaccctca ctaaagggaa caaaagctgg agctccaccg cggtggcggc 60 cgctctagaa ctagtggatc ccccgggctg caggtcagaa gcaaagccac tgtggcagag 120 aggaagecce tetgeceete egeceeetg ecceteate eeteegetgg tgtttetggg 180 gattattcac tctccttttc ccttcacaag ggccttctct gcaggagcga tagagaatgc 240 atgtctgccc cattgggcct tttggtctgg gatncctcca accacatgac ctatacccca 300 agcccgcctc tccatgcgct tcgcccctg gatgcactaa gagttgctct cgtttgttcc 360 tggtctggat ggcaaaacaa ggagatggtt atttaaagag aattcctatt tatttggaca 420 caaaaagtcc agttaatata ttaatgtgaa ataaaccctg tttggcacct tgaaaaaaaa 480 aaaaaaaaaa cncgaggggg ggcccggtac ccaattcgcc ctatagtgag tcgtattaca 540 attcactggc cgtcgtttta caacgtcgtg actgggaaaa ccctggcgtt acccaactta 600 atcgccttga agcanatccc cctttcgcca gctggcgtaa atagcgaana ggcccggnac 660

159/219

thaaanaatt tgttaaaaaa ttcgggttt aaattttttg gttaaatcca gnnccatttt 780
tttaaaccaa tangggcgga aaatcgggna aaaatcccct taataaaatc aaaaaggaat 840
tangnnccgg agnatnaggg ggttgagtgg tngttcccan tttgggaaca angagnccca 900
cctaattaaa ngnanggngg gnnnnccaaa agggcaaaan ggggggaaaa accgggctna 960
tnaaggggg natgggccca ataanggngg aanccaatna ancccnnaat g 1011

<210> 105

<211> 1013

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 105

ctcaagcgnt gaaatnaacc ctcactaaag ggaacaaaag ctggagctcc accgcgtgg 60
cggccgctct agaacnagtg gatcccccgg gctgcaggcg gcagcgagga aaagcctggc 120
tgggcccagg tttcatgtgg ngggggaggg ggcaagcctt gcgatcagct ctgtaataag 180
cgtagcaccg gggaattcaa gaggccctga gaagcctgga gtcccaggac gtcttacttc 240
ttttcctaca catgtctctg agccatgttt ttgcttaaat tctctctcaa gaaagacaca 300
cactaaaagt gaaatctaac agccgcaaaa ggttactttt ttttgtttag atggttttgt 360

160/219

ctgatttcat tttgncctgg aaagttctga aataagaatc aaagtattta aagtctcgcg 420 acacgacagt gttnacagga ctggctgtaa ccgtgttatg taatcagagc gctccaacaa 480 gggaaatctg gtaggattcc attggaacgg gtattggaga gctgaaccag gcaggtggtg 540 gtaaggggtt gccctaagag tctgttacac aatgcggtgt catgggaatt tctcagagcc 600 atgggaactc tcaggaaggc aaagagatat tctaacctgg agagcacagg gtccccaggt 660 ccgggtctaa ggctggactt gtgatgcaca ggtggntatt tccagaacct tagggaatta 720 acagittica cotggical agenticating nachaaatot atnggattin chaagengaa 780 ttaatcccag tccaagggaa gcaagcccaa tcnggnnnnc ttnccggggg cagnaancta 840 atggggcgga ngaaaagaag gnngaaaanc acaaaggccc caaaaaggaa tgggncttgg 900 ggtaaaggnn ggaacccagg ccaangaatc gnncantgaa aaatggggaa aaaangggng 960 gngntggtga acgaggatat ggaaatnenn acatgaaagt ttaaaganca atc 1013

<210> 106

<211> 989

<212> DNA

<213 Rattus norvegicus

<400> 106

aagcgcggaa attaaccctc acgtaaaggg aacaaaagct ggagctccac cgcggtggcg 60

161/219

gccgctctag aactagtgga tcccccgggc tgcaggccac tgcaaggcgt cagacagaac 120 tagtatette acaettgaca aggagneaca etgteactaa eagtgttgtg tggcegeeet 180 gtgggtcagt gctccggcac acagggctcc ctggaaagcg atggagatga aggagctgga 240 gaacatetet gteeeggtga geggetggge tgteacetet getgageaeg gtgetttget 300 cacacggctt accgagatgt tacattcaca cccagtgaac ctgggcttta tgagtatttt 360 tatgaatgct gattgcgatt atgnattttt gttttgacct ttatgtgtgt gtccctgtga 420 gttgtgggcg cctgcaagga tcagaaaatg gtatacgatt cactggatag agttccgggt 480 ggtcgagggc ctcctggaag tgggaaccaa actcaggcag aagaaccatc ctcaagagcg 540 ctcagcctcc gagccaactc cccagccccc ttggttgtta tgtttccaac acacagctca 600 atggattaga atccagggga aaataggaaa caatctctgg actctggggg actgaaaagt 660 ctattaagga tettgtgatt ettttggace ateagaaate gtettteeta aaatagacat 720 ggatgttctg gttaaaataa aaacaacata tcagaaaaaa aaaaaaannn nnnngngana 780 aaaaaaaancg cnnggggggg ccccggnacc caaattcgcc ctaaagngga ancgnattaa 840 caattcantg ggccgccggt ttnanaacgn cgtgacctgg ggaaaaancc ctggggggta 900 cccccaactt taaancgccn tggaagnaaa attcccccct tttcggccaa gnntgggggn 960

162/219

aaaaggcgaa aaaggccccg caccggntc

989

<210> 107

<211> 1020

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 107

ctcaaggcga aataaaccct cacnaaaggg aacaaaagct ggagctccac cgcggtggcg 60 gacgctctag aacnagtgga tcccccgggc tgcaggggct gcggagaagg cagcgccgga 120 cccagcggtg cggtacggca accacggccg cacgggacct cgggccggag anccccggcg 180 gcggccgccc ctcgcgccgg ggccgttagt cagcagaacg cgaacgcgcg tgaaggggcc 240 acacgaancg cgcccgggca ccgcagctct cattcgcgtt ctcgcctggc cgggccgcgc 300 gcggagtcgg cggcggcgc cccgcggagg aacagcgcgt tggacggccg cggcccccag 360 gctgcagaag atgaataatc tttcatttag tggagctatg ttgcctcttc tgctgtgcca 420 ccttgaccca aggaaaatcg ttcaaaacta agcattctng ncacctgatc caacttacac 480 actgatgtgt gatgagagtg gaagccgctg nacctttana cctgtcagaa ngancggant 540 ggnagtantn gtncaganag aaagatggta ttggagtgtt ntcatgnacg agaaancagt 600 aanagnnaac agaattggct tgtangtttg ttgcggtgnt naccaaatgn tnataatatg 660

163/219

acctinacng nicticagag aggaatgacn gnigaatcin gggitcagaa igannggagi 720
tittitaacat anggnacigg ggnggicccg ggaatgaaat nigigaagta aatainncng 780
cnatgannga ainnacinnn gggnatgagg gagggciaag ticgigngia aagnncanac 840
naagaganag inaanniggn nagigncaag ancaagiaga aancgngacn gngngggana 900
gcginnanng iggacanaag nantacaggg gaannnngga cnaingnaaa anggcgaaat 960
ngaanatatg aggacaatga agnagngang ggggancggn aacangggng nignginnnc 1020

<210> 108

<211> 917

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 108

gcaagctcga aattaaccct cactaaaggg aaaaaagctg gagctccacc gcggtggcgg 60 ccgctctaga actagtggat cccccgggct gcaggtcaaa actcagttct agaaggacct 120 tgacaaacag acatacttac ctcctggtta gtggaactct gggacaatgt cctttgtgat 180 ggtgtttca ggagtcctta ggttatgttg agaaaactca gtgtaggcca aaccaaaact 240 gatggttctg tttttgtaat tgtctctttc atgtcctatt atactctgta ttaaaaaaca 300 gggttaaaag gccatagtcc atttcctaaa atgtaatgcg caccttgtat ctgtgaggtg 360

164/219

gtcigttggt gttittatcc gaataggttg tcaggtgaat atgacccctt cccgttaccc 420
agagggtata ttctccaggt ggtcagagtg caggttattt cttacacaga gaacctacct 480
tccctccata tgattcttga cctctgccct catctcccat ttaataattt aaacaaatct 540
gaggccaggt gttgtggcac agtggcatac acctgcaaat ctgcacatgg gaagttaaag 600
caggaggatc aggaatcggg gatagccttg gctacagaga gagttcaaat ccagtctggt 660
atacatggag tcccagcctc aaaaccaaac acaggggcgt ctggaaggaa gaactctccg 720
gctggtgctg ttcagggggc actggcagag tgtctgtgcc cagtcaaagg tggttaaccc 780
agtgaacaga taanctggaa atggacagtg ttggataggg aaataagggt ctggtgccac 840
catgggagtc aagtcanttg accaattcct ggacccaaag cgaaggcttg antaanacca 900
ccggtggagg cctacgg

<210> 109

<211> 895

<212> DNA

<213 Rattus norvegicus

<400> 109

gcaagcgcgg aaattaaccc tcactaaagg gaacaaaagc tggagctcca ccgcggtggc 60
ggccgctcta gaactagtgg atcccccggg ctgcaggaag gtgggccact ctctgtccac 120

165/219

attgccttta ttttcttgga ttgaacgcat aacgtggccc ctcacattct ccaggacctg 180 accagetgtg ggccactgae tgcttgeaaa eeeggaetgt getaagttae tagegtgtag 240 cccttgggga cccacctggc ccatctggac acatctcaag gctccagcga ggatggatgt 300 aaaaatattt ccttgcttgc atccagattg ctcatggata cggggctgaa ggcagaagca 360 gctgtctggg tacgacatgg agggggagct gggtcctgct ggccgggata gctcagctgt 420 ggactttggt ctctggagtg gatgtcctgg tcatgttagc aaacattcac tgccctttct 480 cagtgccctc gctctctcgc ctccacgtta ctcccgcgct actcttgccg tttctcgccc 540 gcgtttctga gcacaccagg tcctgcctgg agtcttggtg tcgcggatga ctgactgaag 600 gggcctttga gagctgatgg gttctgccat ggactcctcc cggtgattag caatgactgg 660 ggccttaccc acceactac cctcgtaatg aagttctgtg gagtggctgg acaggtttga 720 gggaaggtgg aggtggttta aactggtttg gggagtgcta gggctgggga cccagaagca 780 agcccagggt gtccccaacc ctttcccgca nggtcttgct aaatgttctg atctctgtaa 840 aacccentee etetteaga agganeetgg ggtggggeee etetgaaatt eeena 895

<210> 110

<211> 901

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

166/219

<400> 110

aagcgcgaaa ttaaccctca ctaaagggaa caaaagctgg agctccaccg cggtggcggc 60 cgctctagaa ctagtggatc ccccgggctg caggtttata tttaaaaaaca attgtccctt 120 aattcatggg tacaccttgc agttgtaaat tgttttttct ctagtacaca tcctaatgat 180 ggtagcatct gtatttctca catataaaga aaatgtacta aaattcgtct aactccatta 240 ctagageata atagaggtaa ctteaggtte eteettttet etgagetett tateetggge 300 gtggctggct cctgcctcgt ctgctctttg catctctgta tatagagtta cacaggcctg 360 gaatgtggtc ctgctcacta acaggcaggt gttcactgtg tacctgcacc gcctgtctgc 420 agagtattac gtaatcggcg tctgaccagg agctggattt gagtcactca gtctggttca 480 gggacactgg gaaacatggc accagttett cageceatee agatatacee egaaacaagt 540 attetttttg ttetacetae agecageaag ettttetgta aaeggeeagg tagtgtttta 600 aggicignea agicaigiag cicicitaat acteettici geigitacag etataaataa 660 tatgcaaatg tacgagtgga gctgtgatgc aataaacctt tactaaaaga cagacggacg 720 gaggcctgca tttgtccctt acctcacagc tgctggcccc aggccctaat tcaatttaag 780 acctctaacc tttaanctgc atctttcccc ctttttaatt gcataattca cttnaaagca 840 gaaatgtgtg tggtacacnc ggnggggaa tncccggggn cnggaancac ctaaaaggct 900

167/219

901

<210> 111

<211> 924

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 111

tnncgcaagc gcggaaatta accctcacta aagggaacaa aagctggagc tccaccgcgg 60 tggcggccgc tctagaacta gtggatcccc cgggctgcag gtttggcatt aggccaaagg 120 ccatagcaac agaaggttag gatatagaca ctcaaactat gatctttaaa gtgggttgta 180 tcacttaaag gacttggtta tatccataaa ctgggaatgg tggctgtgtg atacttcatc 240 aagtaacaga tgtgggtgta teetaettgg ttaeteteet gggatgttaa etteetttte 300 taggtgacag atttcttcac ataataggaa taataatgta tgtgagaact tactctgtgc 360 caggeagtgt gtaggeacat acacagacca etgeateece ttageageee tgtgagaaca 420 categgtetg cataaagcat tgnaaacagg aatatgcate tegtgatgag gaatgatega 480 ttatacctat caattaagat aaatcaataa atcatatacc atagtttata tgcctttgaa 540 aagctacata taatcactaa gggttttttc ttaataagtt aaaatgttag ttacagcctg 600 ccagtgtcta acatttggag gctgcagctt tcagaacact tggagtaact actgaatggg 660

168/219

tacagtcact tgttaaatgg cagttactga caaaacttta acaagtact gctgctgcct 780
gtcnangctc tccctgccna aagggcctgt nccatgcacn aaatccgnca ttaaacctag 840
ggtaggcctc aggaggtggg gttncggtng gacctnaaac tngcccattc caaggaaatg 900
ggggaacnac nattaccggt gntc 924

<210> 112

<211> 893

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 112

aagcgcgaaa ttaaccctca ctaaagggaa caaaagctgg agctccaccg cggtggcggc 60 cgctctagaa ctagtggatc ccccgggctg caggttccct ccctctctt actatggaat 120 tttcttgttg tttaatcaca aaaacaaaca ggttctgttt ctctcctcag ggtcggtttt 180 cagtttttgg gttgggtttg ggttttgggt tggggtttggg gttggggttg ggtttgggt 240 ttggtttggt tgtaagtttg gggtttggtt tggttttttg ttttcctttt atgctctaga 300 gaacaaggat agaggtgca gctgagatct ttggaaccaa agcagagcat gctgagtcca 360 tgatctaggg cactggccac caaaggcagg gccctcacat atgncccata agccagagcc 420

169/219

ttagctagtc caaaggggc agcagtagta atgagagctg tgtgagcaca tggaactcca 540
tgcactgaaa cccacatacc actcatttag aaaaagacct cgtaggcact gcacaaccag 600
ccagctctgc tgcctgtgtc tgcccggctc cctcctctt agattgcttg cctgctaaac 660
ccatggctag aactcactgt ctggcagaag gatacccaag cctgttctgg gattttgtct 720
gtcttcagcc agatgcttcc tgcccttcct tccttcctc tcatattgct gtttctenct 780
ggtgtgcaag ttctgngcca tttccatagc actgatctta acacccagat aaagcnaagg 840
gcttgggcca aagatcanct ttcnnencct tacaganggn gaaaccccaa cct 893

<210> 113

<211> 1012

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 113

ngcgnaagcg nngaaattaa ccctcactaa agggaacaaa agctggagct ccaccgcggt 60 ggcggccgct ctagaactag tggatccccc gggctgcagg aattcggcac gaggccagtt 120 ccagattcag tcttctctgt tagaaagaat tttctacttg gtcaactaga catacctgcc 180 agccatatgc tgacagcgtt taaattcagg gcttactcca tatccttata agacctagca 240

170/219

tatgtgggct tcgaatattc aattacttgt tgttgccagt tttactaagc ttagtcaaat 300 aactcactct ttttcaatag gattttattt cattcaaggg ttctttgacc aatgatctta 360 aagggtggtg gtgttgggga tggagctgtt aggagcactg gacatctctt ccagaggtcc 420 tgagttcaat teecageaac acatggtgge teetetgtaa tgggatetga tgaeetette 480 tggatctgag acagctacag tgtacttata tacataaaan aaatctttaa aaganaaaaa 540 gggagtatta tatttgcttg ctaataagaa aaatcttatt ttgttgttgt ttctaaaaac 600 gtaagatcag tttcttagtt tggcctacat tttaaaaacc gtagtgattc cgagtgtggg 660 tggaatctcc catggaagcg tactgttgag aagaggctga gttttggtgt aggcacatcc 720 cagccagcac cgcatggacc anttggtcac gcttcatgtg cctgccccac cntccanana 780 tgggnttccn ggtngccntg gnntccgggt cngggaaant ngaaancccc agaccccctg 840 gggtttggcg agaaaaaana ntggcantaa ctggagccgg nggaancccc caagncccct 900 ggggnagaac cinccingga ggnagagang gccaatticg gaanagccna acnaattaca 960 attggaaggt nntaggnncc ngggggngna cnaagaangn ngaaaagggg gc 1012

<210> 114

<211> 993

<212> DNA

171/219

<213> Rattus norvegicus

<400> 114

cgttaancgn ngaaattaac cctcacgtaa agggaacaaa agctggagct ccaccgcggt 60 ggcggccgct ctagaactag tggatccccc gggctgcagg ttagtgaatt cagggctagc 120 cttggctata tgagaccatc tctcattcaa acattaaaga tttttcatcc tttagtatgt 180 gactgtcctg ttttctctag actactttaa atatctctac tctgatgaaa ttaagggaat 240 tgtaagtttc aagttccaaa ttacagcatt gagtctagaa atgtagccaa actccatatt 300 ttcatagtcc ctgtttttat ttcctacata aacngataaa ttttccctgt acttaagggc 360 tttggcagta attctgtcta tatttaatct atnggcaccc tctaaattgt gttttctttc 420 aacacagtca teenggeeaa ateetttaaa atgtttttge tteagtaaag aggttgaaga 480 gctcctattt aaaagggcag ttgaatgtca ccagcaacag atgcaaagcc taggttcaag 540 ggttgtaaag aggccagcac tgtgtggtgc agatttcaag gcaccctgtt gatcacnggg 600 . gagagactgg ctgtcacaca gtcactggga cagatggact tgggactcat accaaaggct 660 tctaaatcag aaataaatag tataagggca tctgtntccc cgaaccttcc taggtccatg 720 aaaggtetee ageteaetgt taetgtttte cantteanen gaegettaga tgagtagaga 780 tagaagttgg ncattgggaa gctaagtaga gccttagtcn gggctcncta gaaggggcaa 840

172/219

aaggccagcc ccaanggaat taanctagga ggctcaacct nancngtccc cattngggac 900
naantccata agggaattgg gcacccaggg cttttccntt ngaaaagcnn ccagccttgg 960
ntggggggg anaagaaggt tgaatncccn tnc 993

<210> 115

<211> 997

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 115

aagcgcngaa attaaccctc actaaaggga acaaaagctg gagctccacc gcggtggcgg 60
ccgctctaga acnagtggat cccccgggct gcaggctcga gagtcatcat ggatcttatc 120
tttgtaacac acttgtcaac ctacagtgac agagcatgtg tgtcattcaa acagcaggac 180
ttccaaaaac atcatcatct acattgtcaa gttctccatc atggagatat gaggccctga 240
aaagtataga tcaggggacc tgtggagact tgaggttcca gagtgaggag agcactggct 300
gcctggtctc atgcctgtct catgggaccc taggaaggac gatggaacaa cactgttcta 360
cttgagggct atgncataag ctttctcaaa acactaccac acactggaca tcccctcact 420
ctggcagtcg tttacactac tggcccaaat tcctcagctg tatcaagagg ctcgacncca 480
aggcctttat gacagagggg aagactccag gtgaaggact cagaaggagc tgctcagtgc 540

173/219

tggggactca tgtgtagcct caaatctaat tgtgggtgac ctgctgctct ctggggtcag 600
tcacagagca gctgcttcca gacaagcagg aagaaggaac agactctgtg cactttagca 660
caaaggactg gagccaagtg acagagacat gggacagtcc caagtgtttc cccagataac 720
ccancctctt cctttacctt tcagaaacan ttttacnctg caaaggaggt cttggttaat 780
gtctgaaact ggtggcanag agggattagn ntgtttaatt tccaggagaa gcataagttt 840
ggtnaancac cttttangct ggaaatggaa atttagggga ggttaattan naacntcaac 900
aaaactccca anccnttttt anancctttt nggttttnan agagnnnnca ccataaaccc 960
cgggnnggac cngganaann ggaaatggaa accnagg

<210> 116

<211> 979

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 116

aagcgcgaaa ttaaccctca ctaaagggaa caaaagctgg agctccaccg cggtggcggc 60
cgctctagaa ctagtggatc ccccgggctg caggcaggag tactcctcag cctagcttgg 120
gtgcccctga tctgctttga tccttcccac caagcaaatg aattgtttag caaatgaatt 180
.
ttgcctggga gctgcctccc ttccccctag gagtggttgg ttcattgagt ctgctaacat 240

174/219

tetteaaaaa attaetataa eeaagaaaga ggaggetaee tgtetttgag gatgeeaace 300 atggccccca tcagcacagg tcccatggca tggtgagcaa tagcagaggg gtttaacaag 360 ggaggaaaag acagggtctg ccctgcagga tcctttctgg ctggggaggt gttggtcaag 420 ggagaagtgg tactcctgga gtgacaccca tggcacccag gagtatggtg accagcctgt 480 tagggcccca gcaggcaccc tttgctcaac cctccaagga gttgcctagg ttccagaatt 540 ctgctgtggt tggcaggttc aatctggtct ccttcacttc catattagaa gtgtcttttc 600 ctcattgcgg aactgtgcct cctcggggga cagatgcctt tagatgcaac tgcttcaagg 660 accccaaagg ccattcccac aatataagca atgacttctt tttccttttt agtcatgcta 720 agtagttaga caatcettga acttgggate tetggttetg gtgtaagage caattatgtt 780 ttaactactc attgggaaga gctgagggtt tccagtggtg tgtcctaaag agaaggctga 840 aggettgeea atggtgttee ataaagagaa eeccagttgg naaaattggg ggatgeeaag 900 ccggtttttg gnaaaggttc caaaaccaag ggggantngn caattgggaa anacccagcc 960 accaggntna aatgggggn 979

<210> 117

<211> 979

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

175/219

<400> 117

aagcgcgaaa ttaaccctca ctaaagggaa caaaagctgg agctccaccg cggtggcggc 60 cgctctagaa ctagtggatc ccccgggctg cagggtccag gccggggacg tgatcaccat 120 cgacaaggcc actggcaaga tttccaagct gggccgctct ttcacacgtg cccgagacta 180 tgatgccatg ggctcccaga ccaagtttgt gcagtgccca gacggagagc tgcaaaaacg 240 caaggaggtg gtgcacaccg tgtccctcca tgagattgac gtcatcaact cccgcactca 300 gggcttcttg gctctcttct caggagacac aggggagatc aagtcagaag tccgagaaca 360 gatcaatgcc aaggtggcag agtggaggga ggagggcaaa gcggagatca tccctggggt 420 gctgttcatc gatgaggtcc acatgctgga cattgagagt ttctctttcc taaaccgggc 480 cctggagagt gacatggcgc ctgttcttat catggccacc aaccgaggca tcacccggat 540 ccgaggcacc agctaccaaa gtccccacgg catccccatt gacctgctag accggctgct 600 cattgtgttc aacatcgccc tacagtgaga aggacaccaa acagatccta cgtatccgct 660 gtgaggagga agatgtggag atgagtgaga cgcctacaca gtgctgaccc ggcattgggc 720 tcgagggggg gccggtaccc aattcgncct atagtgagtc gtattacaat ttcaatggcc 780 gtcgttttac aaagtcgtga ctgggaaaan cctggcggtt acccaaactt aatcgccttg 840 nagcaanatc ccccttttcg gcaagctggg gtaaataagc gaagaangcc cggaaccgga 900

176/219

ttnggccntt cccaaaagnt tgcggaacct tgaaaatggg cgaaattggc aaaatttgta 960
aggcggtaaa tanttttng 979

<210> 118

<211> 989

<212> DNA

<213 Rattus norvegicus

<400> 118

aagegegaaa ttaaccetca ctaaagggaa caaaagetgg agetecaceg eggtggegge 60

cgetetagaa etagtggate eecegggetg eaggetggee acttgeteat aggeeaggge 120

teteaaatga geacettitt aagggteett eaceeactet gtgeteteea eagaggette 180

caegttgeta cataatggae acaeteegat atageeaatg ggeaggaaat eeggggeact 240

tgtgeeaggge eggggatggg actggggata agggaaagat tagaggaeaa gggtaagatt 300

tttattttig ggtgggttgg gtaagaeaac gtattteagt aataaaatae agaatggaaa 360

aaaaaaaaaa aaaactegag ggggggeeeg gtaeceaatt egeeetatag tgagtegtat 420

tacaatteae tggeegtegt tttaeaacgt egtgaetggg aaaaccetgg egttaeceaa 480

ettaategee ttgeageaea teeeeettte geeagetgge gtaaatageg aagaggeeeg 540

caeeggatege eetteeeaac agttgegean etgaatggeg aatggeaaat tgaagegtt 600

177/219

aatattttgt taaaattcgc gitaaatttt tgttaaatca gctcattttt aaccaatagg 660
ccgaaatcgg caaaatccct tataaatcaa aagaatagga ccgagatagg gitgagtgit 720
gttccagttt gggaacaaga gtccactatt aaagaacgtg ggactccaac gtccaaaggg 780
gcgaaaaacc gtctatcang ggggatggc ccctangtga aaccaatcac cccaatcaag 840
ntttttggg ggcccaaggt gnccgnaaaa ggacctaaat cgggaacccc taaaagggga 900
gccccccggn tttaagaggc ttgancggg gaaaacccgg ggnaangtgg gcganaaaag 960
ggaaggggan aaaaaccgaa agggccgg

<210> 119

<211> 978

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 119

aagcgcngaa attaaccctc actaaaggga acaaaagctg gagctccacc gcggtggcgg 60
ccgctctaga actagtggat cccccgggct gcaggcagca taactccttg aggacagaa 120
gttttgttac tgcttcttcc ataggacttg ggccagtgct gagcgtgtga aaagcactct 180
ttgactggc agacaggagg gcccacatgg gccatgcacc attggtggca ttgggaccaa 240
gcgtgctgcg gccagaactt agtctgaggg tatattcctc tccgccacag gaacagctct 300

178/219

cactttctta eggttattct tagtttgtta cacatgactc etetgtggag etetetgaca 360 ggctgaggtc ctatgaagta gggtggaaga gaatagctac agaattgggc ctcagcgttc 420 ctatcgcttg agcatccagt cagggcaatt ccggcaggct gcatcatcct tgattgttac 480 aaacactaat gaagaaaggc agcattcctg tgattttaaa ggaaacacag aattttagct 540 tcaagtatgg gcattccttt gtgaaacttc tcaggaaaat gttgtttcta agtaagttta 600 tctgagaata tagggctgtt acagaatggg atgctgttct gcagaaagtc ttttcattcc 660 ataagaagga atagtgatat tatacaaaga ccgggaaggg ttccctgtta aagtatcttt 720 tatnetectg ttgtaatgta gtettagagg tteactgeet etgteteeta acetagggte 780 ctggaagett etgggeetet gtacagteta atetagggee tagaaaggtt teeaggeteg 840 gagaattcaa tggcngaaat aagctcaacc cttcccaagt centteenga aangaaacne 900 cttggcccag gactcccncc tccaagggct ggacnnggan cnaaanceng gggntccccc 960 978 cnccnnccnc cnggaaag

<210> 120

<211> 992

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

179/219

<400> 120

aagcgcgaaa ttaaccctca ctaaagggaa caaaagctgg agctccaccg cggtggcggc 60 cgctctagaa cnagtggatc ccccgggctg caggaatcat tgacatagac cacaatgtag 120 cttcacgatg tgagaatncc ttctctacca taaacacaca tgactaggga tttgccttct 180 gaagtctggg actttgggaa aaggaatccc acactgtggt ttcatttttg cattcactat 240 acacagtaag taaactaaga acatgttgta accatgtatt tactctgcca agtgcctata 300 tgccaataaa acattcatcg ctgaagggct gtccagatac ctttatttag aatggggctg 360 gcttcatctt taagcaaatg tcacactgga gctgcaggaa cagcccttag aaatgaaagg 420 ggcaagtcac tacctggctg gactctggga aatttcacgn cctncttgtt gttggggaga 480 aatccactgg ggcacgactt gatgtccaat gaaattctgc tttgataaca cacatggctt 540 attittcaag ggaatggatc aattccacaa accagcaatg gggcaattac tcttgatata 600 attgaacggc tgttcaaact taatanattt tcagcgggcg agactggagt aaaacgttcc 660 tcgagggggg gcccggtacc caattcgccc taaagtgagt cgaaattaca attcangggn 780 cggncgtttt aaaangtcgn gacngggnaa anccenggcg ttanccaacc ttaatcggcc 840 ntgngggnan aatcncccct ttncgccanc ngggngnaaa tancgaaaga ggccngnnac 900

180/219

cgaatnggnc cataccgana nggtggnnca ncnatggaat ggngaaaggg gaaaattgga 960 aanggggtaa aaaatttggn nnaaaaaanc gg 992

<210> 121

<211> 983

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 121

aageeggaaa ttaaceetea egtaaaggga acaaaageeg gageetecace geeggiggegg 60 cegetetaga aciagtggat eeceeggeet geaggatgaa gatgicatti aattattige 120 caaaactagg gittiaatga agiggetice eeagteeet tittaaagti attitetggi 180 gtagaceeti gaggiggete agggiataaa ggigeetee eeaageetga eaacetaege 240 tigateeetg gggiteacac igiagaagga gaggactace eiggiacatt giteicagae 300 tietgaatgi gigegegete gegeticaca cacacacaca cacacacaca cacgegegeg 360 egnnncaaag ngcaaattaa aaggiatata aaagttaaat tietgiitta taaaacggig 420 titaataaga aaatattaa aaagttaaa tietattaaaa atteetatte 480 eigeecagtea atggiggagi tigeetitaa teeaagetet eiggaagcaa ggeaggitet 540 etgaattgga ggecaacetg geetgiggag taggiteeaa gacagetggg gegacacaga 600

181/219

<210> 122

<211> 973

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 122

ncaageneng aaattaacee teactaaagg gaacaaaage tggageteea eegegtgge 60 ggeegeteta gaactagtgg ateceeeggg etgeaggege agtggegee gaeteettte 120 ggggeetaaa geagetggat atgttggate tgteeaataa eteetetgee ageaeteee 180 egggtetgtg ggegtteetg gggagaeega eegegatat geaggatggt ttegatgtet 240 eecacaaeee etgggtetgt gaeaaggaee tegtggaeet gtgeegetgg etggeegeea 300

182/219

accgacataa gatgttctcg cagaacgaca cactctgtgc ggggcccgag gccgtgaggg 360 gacagcgact gctggacgtg gcagagctgg ggaccttgtg aggatggcaa ctggggtgcg 420 agccaagggt accccgcttg ccactgaagc aatttggtcc catgtcagaa tgcagattcc 480 cagcatetge cattecceat teceteagee aggaatgeta tteeetgact etceeteagg 540 ctcctctcca tttgccccaa ctcttccacc tctcactgtt cctgtgctgg cccccaggct 600 accatgtgtt tatctagctt tgcctcatat gtttcagggt caccaaagca gttaataaaa 660 nnnnnnnn nnnnnnnn nnnnnnnnana aaaaaaactc nnggggggc ccggnaccca 780 attcgcccta aaggggggng tattaaaatt nannggnngn ngttttaaaa ggnngggnan 840 tggggaaaaa cccngggggt tacccaantt taannggctt tgnngnaaan tccccctttt 900 tggcaannnn ggggnaanaa nggaaaangg cccgnnanng gntnggcent ttccaaaaan 960 nttggggggn ttg 973

<210> 123

<211> 976

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 123

183/219

aagcgcgaaa ttaaccctca ctaaagggaa caaaagctgg agctccaccg cggtggcggc 60 cgctctagaa ctagtggatc ccccgggcng caggtttctg ggtagaaaca tgcattttgc 120 ttactgagta gagaacaaag tttacattgg acttgtgggg caggacgaca ggggaagctt 180 gggaagccag caacctgcag gaagagtaag ccggtctacc aacaggtttt gacctttggt 240 ttcaaaaata aactcaaggt gctagattca gtatcaccaa ggttttacca tgtgaccttg 300 ggcaagtcag ttcctctct tgggctcagt tcaccctgac ctggggaaat cagacaccag 360 gattaggtca tctttcatga ccccttccag ccctggacat tccataggga ccattctaat 420 cagttggcat gtgccaggca cccagcagga agctgcctgt ggcatttcca tttcactgaa 480 ttctccttgt aaccctttgg ctttctaagg tgggcaccaa gcatggttga atgactcgcc 540 caaggccaca tggctaataa ggaacagagc cggtctgcga gactctaagt gactgaagaa 600 cttcttatgt gtggtttctg ttcttggcag ggagtcttag tgggctccag ggcagggga 660 aaagagagag ctacatgaga atgggcatgc ccgtcttcca acagccatct ccactgtcca 720 accgttgcta ggcaacatga agcccatgac tgcagctctt caggaggccg aggcagggag 780 atcacaagtt caagcctacc tggggctgca aagtgagttc aaagctgggg cagcttagtg 840 agaccttgtn tcagagtggt aaagtaaaag gatgggtaag gatgtaanag cncagtggaa 900 agggactegg ccaanggggt gaagnactaa gggcacgagn atteaaneee caagnaactg 960

184/219

canaagaagn ggggng

976

<210> 124

<211> 987

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 124

gcaagcgcga aattaaccct cactaaaggg aacaaaagct ggagctccac cgcggtggcg 60 gccgctctag aactagtgga tcccccgggc tgcaggaatt cggcacgagg cgtgcggggc 120 gggggcgccc gacggcgtcc gagggcgcgg cggacgaggc ctgagggagg ggacgcgatg 180 ctggagaccc tgcgcgagcg gctgctgagc gtgcagcagg atttcacctc cgggctaaag 240 acgitaagcg acaagicaaa agaagcaaaa giaaaaaagca gacccaggac igciccciac 300 ttaccaaagt actctgctgg gctggactta cttagcaggt atgaggatac gtgggctgca 360 cttcacagaa gagccaagga atgtgcagac gctggcgagc tggtggacag cgaggtggtc 420 atgctgtctg cccactgggg agaagaagag gaccagcctg gccgagctgc aggagcagct 480 gcagcagctg ccagctctcc tccaggacgt ggagtccttg atggcaagcc tggctcattt 540 agagacgagt titgaagagg tagaaaacca cetgtigcat etggaggact igigiggga 600 gtgtgagtta gaaagacata aacaggccca tgcccgacac ctggaggatt acaagaaaag 660

185/219

taagaggaag gagcntgaag ccttcaaagc tgaactcgat acagaacacg cacagaagat 720
cctggaaatg gagcacaccc agcagctgaa gctgaaagga gcggcagaag tttctttcga 780
ggangctttc cagcaggaca tggagcaata cctgtccaca ngtcacctgc agattgcaga 840
naaggcgaga gccccattgg ggcagcatgt ccttccatgg gaagtgaatg ttggacgtnc 900
ttggagcaga atggacctng attggaccct ctttngaccc aagaanggg ctcggatggc 960
cttcctttaa acnnctgggg ggngang 987

<210> 125

<211> 998

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 125

caagegenga aattaaceet eacgtaaagg gaacaaaage tggageteea eegeggtgge 60
ggeegeteta gaactagtgg ateceeeggg etgeaggtg aggetgagat tgtacageaa 120
caggeaceee etteetatgg acagettatt geeeaggtg etateeeace tgtagaagae 180
tteeceacgg agaaceeeaa tgacaactet gtgetggga acetaegtte tetgetteag 240
atettgegee aggatatgae teeaggggt actteegggg geeggegteg eeaggggg 300
cgeteagtte gteggetggt tegeaggete egtegttggg geetgettee tegaacaaat 360

186/219

actecggete gggeteetga gaccagatee caggecacae ettetgttee etetgaggee 420 ctggatgaca gcacaggtca agcctgtgag ggtggggcag taggagggca ggatggggag 480 caggeteete cactacceat caagteeee ataccaacce caageacact tecageeett 540 gctactgcct ctgaacctcc agggccacta ccctcagtgc ctgtagaatc atcactgttg 600 tetggagttg tecaggttee taaggaggee geeteetace cageetgtgg eeceecaggne 660 ccaattggac cccaatggaa ctcacacagc agtcctgcct tctagaggat gaggatgatg 720 tatgttgatg ccattggctg agccaagaag tctgggtggt ttgaggcaga ggatgaanca 780 atggctttgc ctgagagaac tctagacaca atgtaatgaa tctggtggna agtgggttca 840 gaaaagttaa gtgtcccctc gaaggggggg ggcccgggta accccaaatt gggccctaan 900 aagtggagtn cggaattaaa aattcaantg ggccngtnng gttttaaaaa aggnnggtga 960 antnggggaa aaacccttgg gggttaacca aactttta 998

<210> 126

<211> 978

<212> DNA

<213 Rattus norvegicus

<400> 126

aagcgcgaaa tnaaccctca ctaaagggaa caaaagctgg agctccaccg cggtggcggc 60

187/219

cgctctagaa cnagtggatc ccccgggctg caggctaaac tttattgaca aacttgctgc 120 agacattttg acataggtta agctacctat ttaggcagac ttacacatgt agcatttaat 180 cttccaaaaa caaaatggga ggacggtaca aatccattag gactttaact tatgtacaaa 240 gtggactttg attctcttct cattcagctg cagtgtccct ttttatgtca tgctagtgtt 300 gagacatact taactaccgt ggcaacagtg cgaaactgac aatggtcaac ttaatgaaca 360 gacgtcactt ttcggncccc agtgtccaag tgnagttttt catggagtgc agaatctcag 420 atggacaaaa tacncttgga cattttaaat actgaaaatt tggattatnc agtactatta 480 ttgaaaagac tgtggctaaa aagaactgtc agacnccatt aggcggccag cttnccnccc 540 cagcaaccta ttcaaccccc cccccacta agtatctctc aacacngtat gtctggggct 600 agatttcaaa acccacagaa tgaaaaaggc attttacaaa cctaaatttt gttgttgttt 660 taagncaatt taacgntnaa aaatngcatc caacnattta antcatgaga totttontat 720 naaanattna aaccntaagn attcaacccg gccangnggc ttttaaaagg ggaaatgntt 780 tttagnagac aatcengngg eneceetttt taenaagggg gggeacenaa aggggeeggt 840 naanaantgg tgaattntta caggentaaa geeagneeen ggaaattnga aanggaggee 900 ccagttingg ggaatcengg caacenangg nentnnaneg gggggggeee acaaaanena 960

188/219

aaggccnaaa gnnaaaan

978

<210> 127

<211> 936

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 127

agcgcgaaat taaccctcac taaagggaac aaaagctgga gctccaccgc ggtggcggcc 60 gctctagaac nagtggatcc cccgggctgc agggtgaacc tcagttctcc atcaaacatg 120 cttcctgtcc ggccacaaac taaccctctg atggggggac ccatgcctat gaacatgccc 180 ggtgtaatga cgggcaccat gggaatggcc cctctgggga acaccgcagg atgagccagg 240 gcatagtggg catgaacatg aacatgggga tgtcggcctc ggggatgggc ttgacaggca 300 ccatgggaat ggggatgccc agcatggcca tgccgttctg gaactgtgca gcccaagcaa 360 gatgacettt geaaaetttg geeaaettta gtaaataaaa ggttgtaaeg gagegagtgg 420 aagaagcctc tgtagctgca ataggtgatg ttgggctgga agatgctaag cagttccctt 480 tictitcatc agitaattaa ataaccacat aaagaaccaa aaaggctgct gittcagaag 540 cgatgcaaga gcacttcaga cgaggcagtc aggatcggtt tccccagtga agatacatac 600 gctcctaaat ggggcgaggg ggcacgagag cctctctgtc agagagcatg tgtcccagcg 660

189/219

tatactttct ctccctgagg aanttgattt tctgtccctc agncgccttg tcatgantgg 780 gnctgttcct ttantaccaa tctccaagtc caaggtaatg aaancattaa aagttngggn 840 gnatcagntt tttttatnaa aaatataaaa nggnggggcc aaaaaaaaaa gggatancca 900 anggggaatt atgggcngag tccaaaggga accnng

<210> 128

<211> 931

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 128

gccaagcgcga aattaaccct cactaaaggg aacaaaagct ggagciccac cgcggtggcg 60 gccgctctag aactagtgga tcccccgggc tgcaggaatt cggcacgaga ttaggagtac 120 cagcctgctc taacggtttc agggaagatt ggctgtgggt ttccgcagag tgtggggag 180 ttcctgctta tccaactggc tcgccatggc ttccctgtgg gcaagggctt ggcaagagcc 240 ctggacaaaa aacgggacat cattgagaag acacctgctt tgtgcgaggt gttctgccgg 300 caagggaggg ggggcccggt acccaattcg ccctatagtg agtcgtatta caattcactg 360 gccgtcgttt tacaacgtcg tgactgggaa aaccctggcg ttacccaact taatcgcctt 420

190/219

gcagcacatc cccctttcgc cagctggcgt aatagcgaag aggcccgcac cgatcgccct 480

tcccaacagt tgcgcacctg naatggcgaa tggcaaattg taagcgttaa tattttgtta 540

aaattcgcgt taaatttttg ttaaatcagc tcattttta accaataggc cgaaatcggc 600

aaaatccctt ataaatcaaa agaatagacc ggagataggg ttgagtgttg ttccagtttg 660

gaacaagagt ccactattaa agaacgtgga ctccaacgtc aaagggcgaa aaaccgtcta 720

tcaggggcga tggcccacta cgtgaaccat caccctaatc aagtttttg gggtcgaggt 780

gccgtaaagc actaaatcgg aaccctaaan ggagcccccc ggatttagag cttgangggg 840

gaaagccggg cgaacgtggg cgagaaaagg gaagggaaga aaagcggaaa ggagcgggc 900

gctaagggcc ctgggcaaat ggtaaccgg t

<210> 129

<211> 936

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 129

gcaagcgngg aaattaaccc tcactaaagg gaacaaaagc tggagctcca ccgcggtggc 60
ggccgctcta gaactagtgg atcccccggg ctgcagggat tgacggttct gagggtgaag 120
ggaagctggg tctgtaacct agtatctctg acaagacagt gtttacatga gctaatcctc 180

191/219

ttcaagactc agagctgaga caaagtcatt tttctttcag tttttgttgt cacacctttt 240 tttattttat tgtattaaaa cctagccata atgaagatag aatttctgtt tacattttgg 300 gcatgatgtg gctgcatgca gaggcttcat gcttttgaac cctgtatttg attgtgctgc 360 atgggagget titattettg gacagettag tacagaagea ggagaaggtt tgagttettg 420 gggatgcaaa ggacggatgg cctatattct aaagacagtg tcatcgccct tcctgtgtgc 480 tgacccaggg ctgtgtgtgt gctaggcgag tgctgttgaa aggtagacac gctggtggag 540 agaaacaagc tgctctcatc accacacact tctgcagagc ctttgtgctg cagctccccg 600 tgaggctgtc ctccagttct ctccagccag aattgctgtg gcaacaatat ttttataaag 660 cagtgggctt catcttagga ccagtcaatt aataagcgtg gccgtagctg agaagagcca 720 ctttccaaga gcgcaccaga cacagtgagt ggtgatcagc ccccttctgg cctgcctgta 780 tgattgagaa tcccaaaaac tctggtaaat ccataagtgg gggaacagaa ggcaccggat 840 ccttccaata agccagagaa gggaantngg ggctttaagg accatttggt gccaaaaaagg 900 gtttttggg ggggnttggg ggggaggtcc cgtttt 936

<210> 130

<211> 955

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

192/219

<400> 130

caagegegaa attaaceete actaaaggga acaaaagetg gageteeace geggtggegg 60 ccgctctaga actagtggat cccccgggct gcaggccagc ctctgtctct gaggagagct 120 gttagagact tgactgagga aagccagcac ggagtcccag aatttaaacc gtgactatac 180 tttaaacatt tactagcact ccctagccag ccctgtcaga ggataacagc agcactagct 240 gacattactg aacagtgctg gtcgagactg ctttgtgtaa gtgtcttgac caatcttcaa 300 gagaactetg tgaggttact atgattatee aaatgetact gaggaaaaca gaagattaga 360 gatactggac ttattcagat tctggcaact attaaatggg caggacgtaa tcgttactgt 420 ggtcagaaaa tccccctttt agatgagatt ccagcccctc tcctaatgcc tcaggttcac 480 aaggaaggca agagagggca gaacccagag ggatgtggtc atgagtgtgg gtagggaaaa 540 gtgcaggaag ctgagaatag gattgctact ggagtattga tgggattgca gagcggtccc 600 aggtaatgcc cctaagtatg gcaccattcc catgaaaaaa cactcagggc aagcagggtg 660 aacteteaae teeaaatatt taegtgetaa aatteetaga aagtgacaet ggactetaee 720 tggtcgtgaa gttccctatt tgggtctcta acaattatct tctgttcaca cangggatcc 780 ctgtatctca agtctcccat ggagattcca ggcctttcaa nggggctggg gggagttgaa 840 agggggagcc actggggcct tgaaaggggg ggccactngg gcccttggtt tngtcccngn 900

193/219

gggctaaaag ggcacggggg gtaaatccaa ggttccccct gggnnaacaa gggaa 955

<210> 131

<211> 929

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 131

aagcgcgaaa ttaaccctca ctaaagggaa caaaagctgg agctccaccg cggtggcggc 60 cgctctagaa ctagtggatc ccccgggctg cagggctgag gcagccatct tgctcttgcc 120 gcgtgctggt gttagaggac cctcccgct gcagatttac caacagcatg aatcaagaaa 180 agttagccaa gcttcaagct caggtccgga tagggggcaa ggggacagct cgcaggaaga 240 agaaggtggt gcataggaca gctactgctg atgacaaaaa gcttcagagt tcactaaaga 300 aactggctgt gaacaatata gctggtattg aagaggtgaa catgattaaa gacgatggaa 360 cagitatica iticaacaai cccaaagicc aggeticeet eteegetaac acciitggea 420 attactggtc atgcagaagc caaaccaatc acagaaatgc ttcctggaat actaagtcag 480 cttggtgctg acagettaac gageettaga aagttagetg aacagtteec acgacaagta 540 tiggatagta aagcacccaa accagaagac attgatgaag aggatgatga cgttccagat 600 cttgtagaaa attttgatga agcatcaaaa aatgaagcta actaaaatct tctgggtttt 660

194/219

ggaagctggc atggactaga tttaacaatc agctctgttg ttccaaagtt ttacagacat 720
ggagaacatc acctgttatt agttccgtaa tataaatgtn nngtatatta atgatgctgt 780
tttatcagca tttcctggtc attgggattt tgcattttgc acttcttccc agggatcgga 840
ttcctttggg ncaaaatatg gaggaattgg gtaccagggt gaaggggtgg ttttggnttt 900
tttggggggg gnccttttgg gnggtggaa 929

<210> 132

<211> 730

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 132

gaggagctgt gccggcagat ccagcaggag gaggacgaaa agcagcggct acagaatgag 60 gtgaggcagc tcacggagaa attggcccgc gtcaacgaga acctggcgcg caagatcgcc 120 tctcgcaacg agtttgaccg gaccattgcg gagacagagg ccgcctacct caagatcctg 180 gagaggttctc agactctgct tagtgtaatc aaaagagaag ctgggaacct gactaaagcc 240 acggcttcag accagaagag tagtggaggc aaagacagct gacaagccct gtctcagccg 300 tggcctatgg ctgctccca acatgtctgt cctaaagcat ctttgttctc catggcctca 360 gatgtctttt atctcggtg ccctgagtgt caatttctga cctccacctg ccttgagtga 420

195/219

caagacaagc cccaggacag tccaatggaa gatgtgttcc cagctccgca ctcacatgtg 480
ttattggaac cttgagctcc tggtcagctc catgaggagc ctctttctga agctcctgta 540
tctccttggg ctgccaggaa tgtctcggtc ctagtccagg tactgtggga gcccctcact 600
ttgtctcctc agccactagg gccccaggcc aggcatattg aagaaagaat cttggctcca 660
gaaccaaaac cttagggccc atccccatga cctctggtgt ttcaataaag gtgtttgcaa 720
aaaaaaaaaa

<210> 133

<211> 709

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 133

tittittitt tittittag gactcatgcc tetetitati cagatitece caeceaetta 60 cageaaatig igaaceeage eteaggietig gggteaggg eeetgaacet eeetagatt 120 eeecageiet giccageaae tittetitee agiteacaga cagaagaig gagaceeagi 180 gggeacagee agietigeaa teittaataa gaagaagge etiggeeagg getetgiat 240 teetegeig geigtiggtig tetetgeeig gggiteaggg ageigtigat etiggigig 300 agggitteea gietigggit etiggitiggg ateeeagate eteetitag eacitgigge 360

196/219

atgitigage geoctgeage caggggtggt geagagggta ceaetteete teccateage 420
atetetgea ggaetegtgt etgigteeag teaetaiggt teeteteitg igggggetig 480
geagageetg ggetigitigg aggitgeecag ggiggggee geacagaigg agaitaigigg 540
ceiggggeet caggeteeag eacetgeigt ggigeaigge attetetea igggeaggee 600
cagigggiea aggaeacieg geacagaga cagaggigat ageagiagea gagggigge 660
agiacaigge agaggeagei ggagieaice igeagggeae aeggiggea 709

<210> 134

<211> 376

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 134

197/219

aaaaaaaaa aaaaaa 376

<210> 135

<211> 723

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 135

ttttttttt tttttttt agettteaaa ttgetttaat aettgeaett acaageaaca 60 ggtaaacaac gaacagttat tactgggcag tgtcacaggg gtgggggctg gagaggggag 120 tagaggatca agcaagcttc acacaaaggc gtttatgtga aggacaggaa acacgggcat 180 gctaaattct gcagagaata caacacatac acactacagg ggctggagac gtggatgaca 240 ttaagaaaca tgtctgaaat atgaagcttg gtatacagtt tatatgtgga gtgtccccgg 300 tgatggccat tcttggttgt caacttgact ccatcttgaa tgaactaaaa tctaatgaca 360 gagggcacac ctgggaggga gttttgctta atttgaagtc agtagatctt ctttaatcct 420 gatcttgagg tgggaagaca cacctctagt ctgggccacg ccttctgcta gaagtctact 480 tgaggacagg acgaagggag cttttgctct ttgcctgctt ggcctcacct tgttggcaag 540 tccattcctt cactggcgtt agagcctacg tcattgggat tccagagtct actgaagacc 600 agccgagaca cccagcctca tggcccgaac tgctggattt ttggactttc tgctcactgt 660

198/219

tggattagct ggacagaagc ctgtaagtca ttcttcttct gggaattcct tctgtaagtg 720 ctg 723

<210> 136

<211> 594

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 136

ctccccttca tgaacttcct gcctatcact tattgccttt cctaattaat gttgagaatt 60

ttacaagccg tattgattga cccacctgtt catccatggc agaatgacgc gtctttgtct 120

actgtcttct ttgtttacta tatgcccaag gttattccag acatgggaaa tacagacaca 180

catgtttctg ttcctctctg tgatgggcac acaatccaag gagcacatcc tgcacttttc 240

aaaactgaac ataactagat cagctggtga ctttgtcact tggctgaaat ccccagaata 300

agccaattcc atcctaacct ttgcatatcc agtacgacta cccaacattg aagaacaatg 360

attgttctta gagtctaatg aattttcaag tatttcttac ccgaaaaata ccaagaacta 420

tgcaaaaatg gaaaacaaag gtttagttac ttacaagctt taaacttatg gatgtaagga 480

atgtgtacct gatttaagat ggtgatgagc ccacagtagg cttatttact tgaaaacatt 540

ttagtcatca tgtatttccg gttgctaaat gtgcttgtgt ttataaaatt caaa 594

199/219

<210> 137

<211> 433

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

· <400> 137

<210> 138

<211> 619

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 138

200/219

tgaatttagt gctgaacatg aagagtaaac tatttaccaa aaagaagttc ctggagtttg 60 gagaagtaac gaatgtatcc atctgtacat gatttacatg ttgtggatgc tttgtaaaca 120 tttccccatg ttttaattgt gtttcagcag gttgtaattg cctctgtgtg tagctgaaca 180 tgagtcatta tetggteetg tatgaaatgg aatgtatggt attitetgta teattiteet 240 gaggetgtgt ttggggagee acacattega atacagtttt cetgateact tgatttettg 300 tgcacctgat ttttgctctc aaaggaatta ctgccacaat atattttatt tattctttag 360 attitageet tgteagitga agtgetteae atgatggtgt taaaaaetae ttgteeettt 420 actgggggtt tgggggttgt taaaagatgg ggaggaagaa tgcaaatggg tcattgttaa 480 cctgtcccca ctgatcccac ctgtactcat agtcccttcc aggatggtat tctgatgttt 540 cctacaatac ggtgaccata ggcaacttgt tacctgaata aaggatcgat tttaaacagc 600 619 caaaaaaaaa aaaaaaaaaa

<210> 139

<211> 1018

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 139

actngaaatt aaccctcact aaagggaaca aaagctggag ctccaccgcg gtggcggccg 60

201/219

ctctagaact agtggatccc ccgggctgca ggattgacca ggcccatagg cagaatgtct 120 cctctctttt tctgccagtg attgagtctg tgaatccttg cttaattctg gttgttcgca 180 gagaaaatat tgtaggagat gcaatggaag tcctcaggaa aaccaagaat atagattata 240 aaaagccact caaagttata tttgttggag aagatgctgt tgatgctgga ggtgtacgca 300 aagaattttt cttgctcatc atgagggaat tattggatcc taaatatggc atgtttcgat 360 attatgaaga ttccagggct atttggtttt cagataagac atttgaagac agtgatttgt 420 tccacttaat tggtgttatc tgtggattag caatttataa ttttactatg tggacctcca 480 cttccctttg gctttatata agaagctact gaaaaggaag ccatccctgg atgatctgaa 540 agagctgatg ccagatgtag gggagaagca tgcaacaatt gctggactac ccggaggacg 600 atatagaggg aaacatttgt ctaaacttta cgatcacagt tgaaaatttg gnggcaacag 660 gaagtgaaag agcggntctg aaagggtggc agacancgct ggttaacaaa cagnaatcgg 720 gcagggagtn tgtgaagccn aaggngggnt accanatncg anaaaatnca gngggnnnct 780 ttaaaaaagg ggctttccca aggccgggnt ttccataagg gtncngnggg ngggaaaaaa 840 gtncttccgg gnnncntccn agnccccaaa nggaaattta nnaaggggna nggggnnaat 900 nggggaanna ccgaanntaa ngnnntgggg gaaggnaacn tgggnnngan gaaagannen 960 gggnngnncn nnangnaaag ggnannnggg ggggggaaaa acccccnngg ngnnaaag 1018

202/219

<210> 140

<211> 371

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 140

tectageaca ggggetecaa tgeeetggge ageagagat tatggtetaa geegtttgag 60
taateategg ettetteeca geacattggt gaggaaacag geeacgaett gteacteage 120
actaaceec agttgttgaa eageettete eageeetget ttaggatgae aaatgaataa 180
cacetaggea tagaaaceag tetetetggt ttgtttgtat tatgttette aacattaaag 240
atttaaacaa eaaaggatat actacagtet tgaatetaaa gtaattiget aactattttg 300
attetteaga gaactaetaa taaaaateta aaaggtaaaa aaaaaaaaa aaaaaaaaa 360
aaaaaaaaaaa a

<210> 141

<211> 1024

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 141

aagcgngaaa ttaaccctca ctaaagggaa caaaagcagg agctccaccg cggtggcggc 60

203/219

cgctctagaa ctagtggatc ccccgggctg caggcttttt cgcacatccc gacctgttcg 120 tgagcattag tgatcagaag gaccccaggg atcggatggt tcaggttgtg aaatggtacc 180 tctcggcctt ccatgcagga aggagaggat cagtggccaa aaagccgtac aatcctattt 240 tgggtgagat ctttcagtgc cactggacgt tgccgaatga tactgaagag aatgcagagc 300 tcgtttcaga agggccggtt ccctgggtgt ctaagaacag tgtaacattt gtggctgagc 360 aagtttccca tcatccgccc atttcagcct tttatgctga gtgttttaac aagaagatac 420 aattcaatgc tcaattgaag gggaatggaa tggcatcatg tatgcaaaat atgcaaccgg 480 ggaaaaaact gtctttgtag acaccaagaa gttgcctata atcaagaaaa aagtgaggaa 540 gttggaagat cagaacgagt atgagtcccg aagcctttgg aagatgtcac tttcaattta 600 aaaatcagag acattgatgc agcaacggga agcaaagcac agacttgaag gagagacaaa 660 gagcagaagc gcgagaacgg gaaaggagaa gggaaattcc agtggggaga cgagggctct 720 ttccacgaag anggaagaat gccggggttt acgnatggaa nectttantg gaaagcggnc 780 ttggggtacc tggggaagcc attaaagccn gaaanccggg gttccaccgg gggtgnaccc 840 agggggcant nnggcgnaac nnaaggnnaa caaatcngnt tettecaggg ggnaanettg 900 nccactince ctinentiaa aaggggggg ggineecaaa nencengggg gananegggg 960 antingannn enggnnggae enaattitaa aagggggaaa ggnggntine eeentittita 1020

204/219

aang - 1024

<210> 142

<211> 790

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 142

gcggctgtga ccgagagcac agagaatgaa ccagccttgc aggagaaaac actacaaatt 60 agctgacage tggtagagaa gatgetetat ttetgtgete agtgeetgtg ggatetgtga 120 tggaaatgat ggccggctgt ggtgaaattg atcactcact aaatatgctt cctaccaata 180 agaaggcgag tgagacctgt tctaacactg caccttctct aacagttccc gagtgtgcca 240 ttigictaca aacaigigit caiccagica gicigcccig taagcaigit ticigitaic 300 tgtgtgtaaa gggcgcttca tggctcggga agcgatgtgc tctttgtcgg caagagattc 360 ctgaggattt tcttgacaag ccaaccttgt tgtcaccaga agaacttaag gctgcaagca 420 gaggaaatgg tgaatatgtg tggtattatg aaggaagaaa tggatggtgg cagtatgatg 480 agcgcaccag tcgggagcta gaagatgctt tttccaaagg taaaaagaac acggaaatgt 540 taattgctgg atttctgtac gttgctgatc ttgaaaacat ggttcaatat aggagaaatg 600 aacatggacg tcgcagaaag attaaaagag atataataga tataccaaag aagggagtgg 660

205/219

ctggacttcg gctggactgt gacagcaaca ctgtaaatct agccagagag agttctgccg 720
atggtgcgga cagtgggtca gcacacatg gagcttctgt gcagcttcca gtgccatctt 780
ctacaggcct 790

<210> 143

<211> 19

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223 forward primer for amplification of TRDH-344 DNA

<400> 143

agggtagaag tggagtctg

19

<210> 144

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> reverse primer for amplification of TRDH-344 DNA

<400> 144

caaaggcaca ttgtgaggga

20

206/219

<210> 145

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> forward primer for amplification of TRDH-271 DNA

<400> 145

tgaagtagga atgctggtct

20

<210> 146

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

⟨223⟩ reverse primer for amplification of TRDH-271 DNA

<400> 146

acgatgtact ccaccagctt

20

<210> 147

<211> 19

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

207/219

<223> forward primer for amplification of TRDH-284 DNA

<400> 147

agaacatgcc actggtcgt

19

<210> 148

<211> 19

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> reverse primer for amplification of TRDH-284 DNA

<400> 148

acagtgcaga ccgatctca

19

<210> 149

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223 forward primer for amplification of TRDH-363 DNA

<400> 149

gggtatggga tgacctgaac a

21

<210> 150

208/219

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> reverse primer for amplification of TRDH-363 DNA

<400> 150

agcacaggta ctgcagggat g

21

<210> 151 ⋅

<211> 18

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> forward primer for amplification of TRDH-292 DNA

<400> 151

ggcgtccgac gatgccaa

18

<210> 152

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> reverse primer for amplification of TRDH-292 DNA

209/219

<400> 152

gccctacaga gtcttacaca

20

<210> 153

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223 forward primer for amplification of TRDH-122 DNA

<400> 153

gagcaaggtc cttccatagt

20

<210> 154

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

⟨223⟩ reverse primer for amplification of TRDH-122 DNA

<400> 154

atgtcagcag gagtgggtta

20

<210> 155

<211> 20

<212> DNA

210/219

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> reverse primer for amplification of TRDH-110 DNA

<400> 155

agattgtccc aacagagagg

20

<210> 156

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> reverse primer for amplification of TRDH-110 DNA

<400> 156

gacaggaaat ggtgatgcta

20

<210> 157

<211> 883

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 157

gccggcaggg ggcactgcgc gccgggcatg gagtgcgtga agagccgcaa gaggcggaag 60

ggtaaagccg gggcagcagc cggcggtccc gcgaccctcg ccgtgtgcgt gtgcaagagc 120

211/219

cgctacccgg tgtgcggcag cgacggcgtc acctaccca gcggctgcca gctgcgcc 180 gccagcctgc gcgctgagag ccgcggagag aaggccatca cccaggtcag caaaggcacc 240 tgcgagcaag gtccttccat agtgacgccc cccaaggaca tctggaacat cactggcgcc 300 aaggtgtact tgagctgcga agtcatcgga atcccaaccc ccgtcctcat ctggaacaag 360 gtaaaaaggg atcactctgg agttcaaagg acagaactct tgcctggtga ccgggaaaac 420 ctggccattc agacccgggg tggtccagaa aagcatgaag taactggctg ggtgctggta 480 tctcctctaa gtaaggaaga cactggagaa tacgagtgcc acgcgtccaa ttcccaagga 540 caggetteag egteggeeaa aattacagtg gttgatgeea tacacgaaat accagtgaaa 600 aaaggtgaag gtgctcagct ataaacctgc gaatacatta gcctctgtag ctgacgcgct 660 ctcagacage tgacagetgt aaccecacte etgeetgaca tatteetttg aacctaacac 720 actaacactt tattacagcc agctgatttt acagagaaat caaagataac acataagact 780 taaaattott attacaacag gaaaaaaaaaa aaaaaaaaaaa aaa 883

<210> 158

<211> 207

<212> PRT

<213> Rattus norvegicus

212/219

<4	0	0>	1	5	8

Ala Gly Arg Gly His Cys Ala Pro Gly Met Glu Cys Val Lys Ser Arg

1 5 10 15

Lys Arg Arg Lys Gly Lys Ala Gly Ala Ala Ala Gly Gly Pro Ala Thr 20 25 30

Leu Ala Val Cys Val Cys Lys Ser Arg Tyr Pro Val Cys Gly Ser Asp

35 40 45

Gly Val Thr Tyr Pro Ser Gly Cys Gln Leu Arg Ala Ala Ser Leu Arg
50 55 60

Ala Glu Ser Arg Gly Glu Lys Ala Ile Thr Gln Val Ser Lys Gly Thr 65 70 75 80

Cys Glu Gln Gly Pro Ser Ile Val Thr Pro Pro Lys Asp Ile Trp Asn 85 90 95

Ile Thr Gly Ala Lys Val Tyr Leu Ser Cys Glu Val Ile Gly Ile Pro 100 105 110

Thr Pro Val Leu Ile Trp Asn Lys Val Lys Arg Asp His Ser Gly Val
115 120 125

Gln Arg Thr Glu Leu Leu Pro Gly Asp Arg Glu Asn Leu Ala Ile Gln 130 135 140

Thr Arg Gly Gly Pro Glu Lys His Glu Val Thr Gly Trp Val Leu Val
145 150 155 160

213/219

Ser Pro Leu Ser Lys Glu Asp Thr Gly Glu Tyr Glu Cys His Ala Ser,

165

170

175

Asn Ser Gln Gly Gln Ala Ser Ala Ser Ala Lys Ile Thr Val Val Asp 180 185 190

Ala Ile His Glu Ile Pro Val Lys Lys Gly Glu Gly Ala Gln Leu 195 200 205

<210> 159

<211> 1120

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<220>

<221> CDS

<222> (211).. (1086)

<400> 159

ctgggccagc tggtggtgcc cagcaaagcc aaggcagaga aacccccact gtcggcctcc 60
tcaccccagc agcgccccc agagcctgag accggtgaga gtgcgggcac atcccgggct 120
gccacgcccc tgccctctct gagggtggaa gcggaggctg ggggctcagg ggccaggacc 180
cctccactgt cccggaggaa agctgtagac atg cgg ctg cgg atg gag ttg ggt 234

1

5

Met Arg Leu Arg Met Glu Leu Gly

214/219

Ala	Pro	Glu	Glu	Met	Gly	Gln	Val	Pro	Pro	Leu	Asp	Ser	Arg	Pro	Ser	
	10		•			15		•			20					
tcc	cca	gcc	ctc	tac	ttc	acc	cac	gat	gcc	agc	ctg	gtt	cac	aaa	tct	330
Ser	Pro	Ala	Leu	Tyr	Phe	Thr	His	Asp	Ala	Ser	Leu	Val	His	Lys	Ser	
25					30					35					40	
cca	gac	ccc	ttc	gga	gca	gta	gca	gct	cag	aag	t t c	agc	ctg	gcc	cac	378
Pro	Asp	Pro	Phe	Gly	Ala	Val	Ala	Ala	Gln	Lys	Phe	Ser	Leu	Ala	His	
				45					50					55		
												ē				
tcc	atg	ttg	gcc	atc	agt	ggt	cac	cta	gac	agc	gac	gat	gat	agt	ggc	426
Ser	Met	Leu	Ala	Ile	Ser	Gly	His	Leu	Asp	Ser	Asp	Asp	Asp	Ser	Gly	
1			60					65				:	70			
tcc	gga	agc	ctg	gtt	ggc	att	gac	aac	aaa	atc	gag	caa	gcc	atg	gac	474
Ser	Gly	Ser	Leu	Val	Gly	Ile	Asp	Asn	Lys	Ile	Glu	Gln	Ala	Met	Asp	
		75					80					85				
ttg	gtg	aag	tcc	cac	ctc	atg	ttt	gcg	gtc	cgg	gag	gag	gtg	gag	gtg	522
Leu	Val	Lys	Ser	His	Leu	Met	Phe	Ala	Val	Arg	Glu	Glu	Val	Glu	Val	
	90					95					100					
		,														
ctg	aag	gag	cag	atc	cgg	gaa	ctg	gcg	gag	cgg	aac	gct	gcg	ctg	gag	570
Leu	Lys	Glu	Gln	Ile	Arg	Glu	Leu	Ala	Glu	Arg	Asn	Ala	Ala	Leu	Glu	
105					110					115					120	
cag	gag	aat	ggg	ctg	ctg	cgc	gcc	ctg	gcc	agc	ccg	gag	cag	ctg	gc t	618
Gln	Glu	Asn	Gly	Leu	Leu	Arg	Ala	Leu	Ala	Ser	Pro	Glu	Gln	Leu	Ala	
				125					130					135		

215/219

cag	ctg	gcc	ctc	ctc	ggg	ggt	ccc	acg	gct	tgg	gcc	ccc	tgc	gcc	caa	666
Gln	Leu	Ala	Leu	Leu	Gly	Gly	Pro	Thr	Ala	Trp	Ala	Pro	Cys	Ala	Gln	
			140					145					150			
														tgg		714
Trp	Ala		Arg	Leu	Ser	Leu		Ser	Leu	Thr	Met	Cys	Leu	Trp	Gly	
		155					160					165				
														gct		762
Cys		Ala	Leu	Arg	Gln		Pro	Ala	Pro	Ser		Tyr	Ala	Ala	Leu	
	170					175					180				**	
										,						
														ggc		810
	Ser	Pro	Cys	Pro		Gly	Gly	Ser	Ser		Leu	Ser	Asn	Gly	Leu	
185					190					195					200	
														gat		858
Val	Pro	Arg	Pro		Pro	His	Leu	Leu		Ile	Pro	Ser	Leu	Asp	Gly	
				205					210					215		
			1	,									,	,		0.0.0
														tgg		906
Gly	Gly	Arg		Ser	Gly	Arg	Gly		Arg	Gly	Ser	Pro		Trp	Glu	
			220					225					230			
								,					,			
														gac		954
Gly	Thr		Pro	HIS	Pro	Pro		Trp	Asp	Pro	Pro		Val	Asp	Gly	
		235					240		•			245				
•														ctt		1002
Leu		Glu	Ser	Glu	Ala		Arg	Gln	Thr	Pro		Pro	His	Leu	Val	
	250					255					260					

216/219

ccc ttg agg tgc ctc ctc tcc tct gcc cag ggg agg gag tgt gga cag 1050 Pro Leu Arg Cys Leu Leu Ser Ser Ala Gln Gly Arg Glu Cys Gly Gln 265 270 275 280

tat ctg gaa gtt ctg gga ttc agg ttg tta tta aaa taataataat 1096
Tyr Leu Glu Val Leu Gly Phe Arg Leu Leu Leu Lys
285 290

aattaaaaac tctgaagaaa cttg

<210> 160

<211> 292

<212> PRT

'<213\text{\text{Homo sapiens}}

<400> 160

Met Arg Leu Arg Met Glu Leu Gly Ala Pro Glu Glu Met Gly Gln Val

1 10 15

Pro Pro Leu Asp Ser Arg Pro Ser Ser Pro Ala Leu Tyr Phe Thr His
20 25 30

Asp Ala Ser Leu Val His Lys Ser Pro Asp Pro Phe Gly Ala Val Ala

35 40 45

Ala Gln Lys Phe Ser Leu Ala His Ser Met Leu Ala Ile Ser Gly His
50 55 60 .

Leu Asp Ser Asp Asp Ser Gly Ser Gly Ser Leu Val Gly Ile Asp

217/219

Asn Lys Ile Glu Gln Ala Met Asp Leu Val Lys Ser His Leu Met Phe Ala Val Arg Glu Glu Val Glu Val Leu Lys Glu Gln Ile Arg Glu Leu Ala Glu Arg Asn Ala Ala Leu Glu Gln Glu Asn Gly Leu Leu Arg Ala Leu Ala Ser Pro Glu Gln Leu Ala Gln Leu Ala Leu Leu Gly Gly Pro Thr Ala Trp Ala Pro Cys Ala Gln Trp Ala Leu Arg Leu Ser Leu Pro Ser Leu Thr Met Cys Leu Trp Gly Cys Pro Ala Leu Arg Gln Pro Pro Ala Pro Ser Ser Tyr Ala Ala Leu Met Ser Pro Cys Pro Arg Gly Gly Ser Ser Arg Leu Ser Asn Gly Leu Val Pro Arg Pro Leu Pro His Leu

Leu Ile Ile Pro Ser Leu Asp Gly Gly Gly Arg Ala Ser Gly Arg Gly

Val Arg Gly Ser Pro Leu Trp Glu Gly Thr Asn Pro His Pro Pro Ser

218/219

Trp	Asp	Pro	Pro	Ala 245	Val	Asp	Gly	Leu	Gly 250	Glu	Ser	Glu		Pro 255	Arg	
Gln	Thr	Pro	His 260	Pro	His	Leu	Val	Pro 265	Leu	Arg	Cys	Leu	Leu 270	Ser	Ser	
	Gln	Gly 275	Arg	Glu	Cys	Gly	Gln 280	Tyr	Leu	Glu	Val	Leu 285	Gly	Phe	Arg	
Leu	Leu 290	Leu	Lys													
<210)> 1	61														
<21	1> 6	6									•					
<21	2> D	NA														
<21	3> A	rtif	icia	l Se	quen	ce										
<22)>															
<22	3> p	rime	r wi	th T	7 pr	omo t	er a	nd p	oly	thym	i dy l	ate	sequ	ence		
<40	0> 1	61														
aaa ttt		ggc	cagt	gaat	tg t	aata	cgac	t ca	ctat	aggg	cgt	tttt	ttt	tttt	ttttt	60 66
						•										

<210> 162

<211> 19

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

219/219

<220>

<223> forward primer for amplification of G3PDH DNA

<400> 162

atcaccatct tccaggagc

19

<210> 163

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> reverse primer for amplification of G3PDH DNA

<400> 163

caccttettg atgteateat a

21

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP01/02623

	SIFICATION OF SUBJECT MATTER C1 ⁷ C12N15/12, C12Q1/68, C07K1	L4/47				
According to	o International Patent Classification (IPC) or to both na	ational classification and IPC				
B. FIELDS	S SEARCHED					
Minimum de Int.	ocumentation searched (classification system followed C1 ² C12N15/00-15/90	by classification symbols)				
Documentat	ion searched other than minimum documentation to the	e extent that such documents are included	in the fields searched			
GENE	ata base consulted during the international search (nam BANK/EMBL/DDBJ/GENESEQ SWISSPROT/GENESEQ	ne of data base and, where practicable, sea	rch terms used)			
	SIS/MEDLINE/WPI					
C. DOCU	MENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT					
Category*	Citation of document, with indication, where ap	opropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.			
Y	W. M. Bagchus et al., "Glomerul monoclonal anti-Thy 1.1 antiboo Investigation, 55(6), pages 680	dies", Laboratory	1-40,42-49			
Y	WO, 98/24899, Al (Kyowa Hakko I 11 June, 1998 (11.06.98), & EP, 915156, Al	Kogyo K.K.),	1-40,42-49			
¥	WO, 00/20575, A1 (Genox Soyaku 13 April, 2000 (13.04.00), & JP, 2000-106879, A1	Kenkyusho K.K.),	1-40,42-49			
Y	WO, 98/38305, A1 (Japan Tobacco 03 September, 1998 (03.09.98), & JP, 10~295388, A & EP, 9746					
		,				
X Furthe	r documents are listed in the continuation of Box C.	See patent family annex.				
"A" docume	categories of cited documents: ent defining the general state of the art which is not	"T" later document published after the inter- priority date and not in conflict with th	e application but cited to			
"E" earlier	ared to be of particular relevance document but published on or after the international filing	"X" understand the principle or theory under document of particular relevance; the control of th				
	ent which may throw doubts on priority claim(s) or which is	considered novel or cannot be consider step when the document is taken alone				
special	establish the publication date of another citation or other reason (as specified) ent referring to an oral disclosure, use, exhibition or other	"Y" document of particular relevance; the considered to involve an inventive step combined with one or more other such	when the document is			
means "P" docume	ent published prior to the international filing date but later e priority date claimed	combination being obvious to a person document member of the same patent f	skilled in the art			
	actual completion of the international search	Date of mailing of the international sear	ch report			
	Tune, 2001 (25.06.01)	03 July, 2001 (03.07				
Name and m	nailing address of the ISA/	Authorized officer				
	nese Patent Office					
Facsimile N	0.	Telephone No.				

		-
Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No
Y	JP, 11-32765, A 09 February, 1999 (09.02.99), (Family: none)	1-40,42-49
Y	Masayuki Iwano et al., "Molecular cloning and expression of a novel peptide(LN1) gene: reduced expression in the renal cortex of lupus nephritis in MRL/lpr mouse", Biochemical and Biophysical Research Communications, 229, pages 355 to 360, (1996)	1-40,42-49
PX	WO, 99/61614, A2 (Incyte Pharm. Inc.), 02 December, 1999 (02.12.99), & EP, 1082426, A2	1-5,12-14, 26-31,35-36
х	WO, 00/58473, A2 (Curagen Corporation), 05 October, 2000 (05.10.00), & AU, 200037745, A	1-5,12-14, 26-31,35-36
х	Unterman R. D. et al., "Cloning and sequence of several alpha 2u-globulin cDNAs", Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 78, pages 3478 to 3482, (1981)	42
х	Yamauchi T. et al., "Purification and molecular cloning of prostacyclin-stimulating factor from serum-free conditioned medium of human diploid fibroblast cells", Biochem. J., 303, pages 591 to 598, (1994)	42
Х	WO, 94/29448, A1 (NAWATA H.), 22 December, 1994 (22.12.94), & JP, 7-132095, A	42
Х	WO, 98/39446, A2 (Human Genome Sci Inc.), 11 September, 1998 (11.09.98) & EP, 972029, A1	42
PX	WO, 00/56889, A2 (Genentech Inc.), 28 September, 2000 (28.09.00), & AU, 200038648, A	42
PX	WO, 00/55174, A1 (Human Genome Sci. Inc.), 21 September, 2000 (21.09.00), & AU, 200036194, A	42

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP01/02623

		Observations where certain claims were found unsearchable (Continuation of item 1 of first sheet)
Thi	is inte	ernational search report has not been established in respect of certain claims under Article 17(2)(a) for the following reasons:
1.	\boxtimes	Claims Nos.: 41,50
	-	because they relate to subject matter not required to be searched by this Authority, namely:
	· Au	Claims 41 and 50 involve methods for treatment of the human body by nerapy and thus relate to a subject matter which this International Searching athority is not required, under the provisions of Article 17(2)(a)(I) of the PCT and Rule 39.1(IV) of the Regulations under the PCT, to search.
2.		Claims Nos.: because they relate to parts of the international application that do not comply with the prescribed requirements to such an extent that no meaningful international search can be carried out, specifically:
	_	
3.		Claims Nos.: because they are dependent claims and are not drafted in accordance with the second and third sentences of Rule 6.4(a).
Do:		
		Observations where unity of invention is lacking (Continuation of item 2 of first sheet) ernational Searching Authority found multiple inventions in this international application, as follows:
1 111	.S IIIC	DNAs relating to SEQ ID NOS as set forth in claims of the present
	in mo ex ex th re	ase have no chemical structure in common but are common to each other exclusively the fact of showing elevated expression in proliferative glomerular nephritis odel Thyl rats, compared with normal rats. However, genes showing elevated expression in proliferative glomerular nephritis had been publicly known (for example, PDFG, Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 88, p.6560-6564. 1991). Such being the case, the inventions relating to these SEQ ID NOS are not considered as elating to a group of inventions so linked as to form a single general inventive bacept and thus there is no special technical matter common to all claims.
1.		As all required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers all searchable claims.
2.	\boxtimes	As all searchable claims could be searched without effort justifying an additional fee, this Authority did not invite payment of any additional fee.
3.		As only some of the required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers only those claims for which fees were paid, specifically claims Nos.:
4.		No required additional search fees were timely paid by the applicant. Consequently, this international search report is restricted to the invention first mentioned in the claims; it is covered by claims Nos.:
Rei	mark	The additional search fees were accompanied by the applicant's protest. No protest accompanied the payment of additional search fees.

A. 発明の属する分野の分類(国際特許分類(IPC))

Int. Cl⁷ Cl2N15/12, Cl2Q1/68, C07K14/47

B. 調査を行った分野

調査を行った最小限資料(国際特許分類(IPC))

Int. $C1^7$ C12N15/00-15/90

最小限資料以外の資料で調査を行った分野に含まれるもの

国際調査で使用した電子データベース(データベースの名称、調査に使用した用語)

GENBANK/EMBL/DDBJ/GENESEQ

PIR/SWISSPROT/GENESEQ

BIOSIS/MEDLINE/WPI

\sim	日日、古・一・フ	しきれんと	シュ ブ	マナナナト
C.	関連する	と診めり	はしつ	又附入

引用文献の カテゴリー*	コロナギな ひが 切の体系が関するととしない この関するとの第二	関連する
7777-*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	請求の範囲の番号
Y	W. M. Bagchus et al., "Glomerulonephiritis induced by monoclonal anti-Thy 1.1 antibodies" LaboratoryInvestigation, 55(6), p. 680-687, 1986	1-40, 42-49
Υ .	WO, 98/24899, A1 (KYOWA HAKKO KOGYO KK) 11.6月.1998 (11.06.98) & EP, 915156, A1	1-40, 42-49

X C欄の続きにも文献が列挙されている。

パテントファミリーに関する別紙を参照。

- * 引用文献のカテゴリー
- 「A」特に関連のある文献ではなく、一般的技術水準を示す もの
- 「E」国際出願日前の出願または特許であるが、国際出願日 以後に公表されたもの
- 「L」優先権主張に疑義を提起する文献又は他の文献の発行 日若しくは他の特別な理由を確立するために引用する 文献(理由を付す)
- 「〇」口頭による開示、使用、展示等に言及する文献
- 「P」国際出願日前で、かつ優先権の主張の基礎となる出願

- の日の後に公表された文献
- 「T」国際出願日又は優先日後に公表された文献であって 出願と矛盾するものではなく、発明の原理又は理論 の理解のために引用するもの
- 「X」特に関連のある文献であって、当該文献のみで発明 の新規性又は進歩性がないと考えられるもの
- 「Y」特に関連のある文献であって、当該文献と他の1以 上の文献との、当業者にとって自明である組合せに よって進歩性がないと考えられるもの
- 「&」同一パテントファミリー文献

C (続き).	関連すると認められる文献	
引用文献の カテゴリー*		関連する 請求の範囲の番号
Y	WO, 00/20575, A1 (GENOX SOYAKU KENKYUSHO KK) 13.4月.2000 (13.04.00) & JP, 2000-106879, A1	1-40, 42-49
Y	WO, 98/38305, A1 (JAPAN TOBACCO INC) 3. 9月. 1998 (03. 09. 98) & JP, 10-295388, A & EP, 974651, A1	1-40, 42-49
Y	JP, 11-32765, A 9. 2月. 1999 (09. 02. 99) ファミリーなし	1-40, 42-49
Y	Masayuki Iwano et al., "Molecular cloning and expression of a novel peptide(LN1) gene:reduced expression in the renal cortex of lupus nephritis in MRL/lpr mouse" Biochemical and BiophysicalResearch Communications, 229, p. 355-360, 1996	1-40, 42-49
PX	WO, 99/61614, A2 (INCYTE PHARM INC.) 2. 12月. 1999 (02. 12. 99) & EP, 1082426, A2	1-5, 12-14, 26-31, 35-36
X	WO, 00/58473, A2 (CURAGEN CORP.) 5. 10月. 2000 (05. 10. 00) & AU, 200037745, A	1-5, 12-14, 26-31, 35-36
Х	Unterman R.D. et al., "Cloning and sequence of several alpha 2u-globulin cDNAs" Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 78, p. 3478-3482, 1981	42
X	Yamauchi T. et al., "Purification and molecular cloning of prostacyclin-stimulating factor from serum-free conditioned medium of human diploid fibroblast cells" Biochem. J., 303, P. 591-598, 1994	42
X	WO, 94/29448, A1 (NAWATA H.) 22. 12月. 1994 (22. 12. 94) & JP, 7-132095, A	42
X	WO, 98/39446, A2(HUMAN GENOME SCI INC.) 11. 9月. 1998 (11. 09. 98) & EP, 972029, A1	42
PX	WO, 00/56889, A2(GENENTECH INC.) 28. 9月. 2000 (28. 09. 00) & AU, 200038648, A	42
PX	WO, 00/55174, A1(HUMAN GENOME SCI INC.) 21. 9月. 2000 (21. 09. 00) & AU, 200036194, A	42

	請求の範囲の一部の調査ができないときの意見(第1ページの2の続き)
法第83 成しなか	条第3項(PCT17条(2)(a))の規定により、この国際調査報告は次の理由により請求の範囲の一部について作いった。
1. X	請求の範囲 41,50 は、この国際調査機関が調査をすることを要しない対象に係るものである。つまり、
	請求の範囲 41 , 50 は、人の治療方法を包含するものであるから、PCT 17 条(2)(a) (I)及びPCT規則 39.1 (IV)の規定により、この国際調査機関が調査することを要しない対象に係るものである。
2.	請求の範囲は、有意義な国際調査をすることができる程度まで所定の要件を満たしていない国際出願の部分に係るものである。つまり、
3.	請求の範囲 は、従属請求の範囲であってPCT規則6.4(a)の第2文及び第3文の規定に 従って記載されていない。
第Ⅱ欄	発明の単一性が欠如しているときの意見(第1ページの3の続き)
次に対	世べるようにこの国際出願に二以上の発明があるとこの国際調査機関は認めた。
くと くと 号に	願請求の範囲に記載された各配列番号に係るDNAは共通の化学構造を有するものでな増殖性糸球体腎炎モデルThy1ラットで健常ラットと比較して発現が増加しているこだいてのみ共通する。しかし、増殖性糸球体腎炎において発現の増加する遺伝子は公知可えばPDGF、Proc.Natl.Acad.Sci.USA,88,p.6560-6564,1991)であるから、各配列番に関する発明は単一の一般的発明概念を形成するように連関している一群の発明であるといえず、請求の範囲全てに共通の特別な技術的事項はない。
1. 🗌	出願人が必要な追加調査手数料をすべて期間内に納付したので、この国際調査報告は、すべての調査可能な請求 の範囲について作成した。
2. X	追加調査手数料を要求するまでもなく、すべての調査可能な請求の範囲について調査することができたので、追 加調査手数料の納付を求めなかった。
3.	出願人が必要な追加調査手数料を一部のみしか期間内に納付しなかったので、この国際調査報告は、手数料の納付のあった次の請求の範囲のみについて作成した。
4.	出願人が必要な追加調査手数料を期間内に納付しなかったので、この国際調査報告は、請求の範囲の最初に記載されている発明に係る次の請求の範囲について作成した。
こ台 小巾号照っ	た子粉料の思発の中でイス組みるかき
ではいって、	生手数料の異議の申立てに関する注意] 追加調査手数料の納付と共に出願人から異議申立てがあった。
] 追加調査手数料の納付と共に出願人から異議申立てがなかった。